

Searching Molecular Biomarkers correlating with BSID-III at 24 months in Infants with Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy

Mari Merce Cascant-Vilaplana, PhD^{1£}, Jose David Piñeiro-Ramos, PhD^{1£}, Álvaro Soláz-García, PhD^{1,2}, Inmaculada Lara-Cantón, MD¹, Isabel Izquierdo, MD, PhD², Roberto Llorens, MD³, Purificación Marin, MD², Ester Torres-Martínez, MD², Corentin Molitor, PhD⁴, Fady Mohareb, PhD⁴, Nuria Boronat, MD, PhD^{1,2,5}, Guillermo Quintás, PhD⁶, Julia Kuligowski, PhD^{1,5*}, Máximo Vento, MD, PhD^{1,2,5§}, and the HYPOTOP study group‡

‡A list of authors and their affiliations appears after the reference section

¹Neonatal Research Group, Health Research Institute La Fe, Valencia, Spain

²Division of Neonatology, University & Polytechnic Hospital La Fe, Valencia, Spain

³Division of Radiology and Imaging, University & Polytechnic Hospital La Fe, Valencia, Spain

⁴The Bioinformatics Group, School of Water, Energy and Environment, Cranfield University, Bedford, UK

⁵Primary Care Interventions to Prevent Maternal and Child Chronic Diseases of Perinatal and Developmental Origin Network (RICORS-SAMID) (RD21/0012/0001), Instituto de Salud Carlos III, Madrid, Spain

⁶Health and Biomedicine, Leitat Technological Center, Valencia, Spain

*** Corresponding Author:** Julia Kuligowski, Avenida Fernando Abril Martorell 106, Valencia, 46026, Spain, Tel: +34/961246661, E-mail: julia.kuligowski@uv.es

§ Senior Author: Máximo Vento, Avenida Fernando Abril Martorell 106, Valencia, 46026, Spain, Tel: +34/961246661, E-mail: maximo.vento@uv.es

£ both authors contributed equally

Abstract

Purpose

An early prediction of outcomes of Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy (NE) is of key importance in reducing neonatal mortality and morbidity. The objectives were (i) to analyze the characteristics of miRNA expression and metabolic patterns of neonates with NE, and (ii) to assess their predictive performance for neurodevelopmental outcomes.

Methods

Plasma samples from moderate/severe NE patients (N=92) of the HYPOTOP study were collected before, during, and after therapeutic hypothermia (TH) and compared to a control group (healthy term infants). The expression of miRNAs, and concentrations of metabolites (hypoxia-related and energy, steroid, and tryptophan metabolisms) were analyzed.

Neurodevelopmental outcomes were evaluated at 24 months postnatal age using Bayley Scales of Infant Development, ed. III, BSID-III.

Results

Differences in miRNA and metabolic profiles were found between NE vs. control infants, abnormal (i.e., mildly and moderately abnormal and severe) vs. normal, and severe vs. non-severe (i.e., normal and mildly and moderately abnormal) BSID-III. 4-androstene-3,17-dione, testosterone, betaine, xanthine, and lactate were suitable for BSID-III outcome prediction (Receiver Operating Characteristic Areas Under the Curve (AUCs) ≥ 0.6), as well as 68 miRNAs (AUCs of 0.5 – 0.9). Significant partial correlations of xanthine and betaine levels and the expression of several miRNAs with BSID-III sub-scales were found.

Conclusions

We have identified metabolites/miRNAs that might be useful to support the prediction of middle-term neurodevelopmental outcomes of NE.

Keywords: *metabolomics, microRNAs, neurodevelopmental outcomes, brain injury, newborn*

Statements and Declarations

Competing Interests

No financial or non-financial benefits have been received or will be received from any party related directly or indirectly to the subject of this article.

What is known – what is new

- The early prediction of outcomes of Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy (NE) is of key importance in reducing neonatal mortality and morbidity.
- Alterations of the metabolome and miRNAs had been observed in NE.
- We performed miRNA sequencing and quantified selected metabolites (i.e., lactate, pyruvate, ketone bodies, Krebs cycle intermediates, tryptophan pathway, hypoxia-related metabolites, and steroids) by GC- and LC-MS.
- Specific miRNAs and metabolites that allow prediction of middle-term neurodevelopmental outcomes of newborns with NE undergoing hypothermia treatment were identified.

Acknowledgements

The authors would like to express their gratitude to the parents and their newborns who participated in the study.

Introduction

Perinatal asphyxia caused by a lack of blood flow and/or oxygen to the fetus before, during or after birth is a leading cause of neonatal hypoxic-ischemic encephalopathy (NE). Brain magnetic resonance imaging (MRI) and spectroscopy (MRS) performed in the first week of life are highly reliable for determining the degree and extension of brain injury [1] and the neurodevelopmental and sensorial outcomes of infants with NE are assessed at 24 months of age using validated developmental scales such as the Bayley Scales of Infant and Toddler Development, ed. III (BSID-III) [2]. However, there is still an unmet need for early and objective biomarkers for predicting neonatal brain injury to facilitate the establishment of personalized neuroprotective strategies to reduce both mortality and short- and long-term morbidities.

Monitoring microRNA (miRNA) expression has been increasingly used to assess their role and impact on regulatory mechanisms of biological processes in a variety of fields, including neonatology [3]. Perinatal asphyxia may stimulate epigenetic modifications, including DNA methylation/demethylation, histone modifications, and miRNAs, that may be involved in the development of a hypoxic/ischemic-sensitive phenotype [4]. Changes in specific miRNAs correlate with NE severity and neurological outcomes[5] and several miRNAs able to differentiate between no/mild and moderate/severe injury graded by MRI have been identified[6]. Hence, there is an increasing clinical interest in miRNomics for the development of NE diagnostic and prognostic biomarkers for improving NE management.

In parallel with other omics approaches, over the last decade, the application of metabolomics in neonatology has provided valuable and actionable information on the functional pathways underlying different pathologies and the prediction of clinical outcomes. Previous studies

have evidenced that NE has an impact on the neonatal metabolome, fostering research into the identification and validation of diagnostic and prognostic metabolic biomarkers [7–10].

In this study we monitored the expression of miRNAs and concentrations of metabolites related to energy metabolism, tryptophan pathway, hypoxia, and steroids, in a cohort of infants with NE before, during, and after TH. Metabolites were selected based on previous findings to validate results from pre-clinical and untargeted metabolomics studies [8, 11, 12]. We also assessed the association of determined miRNA expression levels and metabolite concentrations with middle-term neurodevelopmental outcomes evaluated by BSID-III as well as their predictive performance. The reported findings support a correlation between miRNA and metabolites in hypoxic-ischemic infants undergoing hypothermia with BSID-III at 24 months results.

Methods

Study approval and clinical characteristics

The Committee for Biomedical Research of the Health Research Institute La Fe (Valencia, Spain) approved the protocol for involving the recruitment of the control group of healthy term infants (2019/0312) and the multicenter clinical trial, registered under the acronym HYPOTOP (EudraCT 2011-005696-17) [13]. The inclusion/exclusion criteria employed are described in Supplementary Material Table 1. In the present ancillary study, a sub-cohort of 92 newborns from a total of 106 newborns enrolled in the HYPOTOP trial from which biofluid samples were available was included. An overview of the study design is provided in Figure 1. Written informed consent was obtained from legal representatives of all infants.

<INSERT Fig. 1 HERE>

Apgar scores were determined in participants at 1, 5, and 10 minutes of life. Using a blood gas analyzer in the delivery room, biochemical parameters (i.e., pH, base excess [mmol L^{-1}], partial pressure of carbon dioxide (pCO_2) [mmHg], lactate [mmol L^{-1}], and HCO_3^- [mmol L^{-1}]) were determined from umbilical cord blood. Sarnat scores were determined as described by trained neonatologists on each study site [14]. Between days 4 and 8 after birth MRI was performed. The standardized score described by Shankaran et al. [15], was employed to discern between injury patterns. Neurodevelopmental assessment at 24 months of age using the Bayley Scales of Infant and Toddler Development, ed. III (BSID-III) [16] was carried out by blinded developmental neonatologists. Two-year outcomes were defined as (i) 'normal' if the child scored >85 in the three BSID-III subscales: cognitive, language, and motor, (ii) 'mildly abnormal' if one or two subscales scored ≤ 85 but >70 , (iii) 'moderately abnormal' if all three subscales scored ≤ 85 but >70 , and (iv) 'severe' if either one, two, or three subscales scored ≤ 70 , or in case of death ($N=11$), or inability to be evaluated due to severe impairment ($N=7$) [10].

Collection, processing, and analysis of plasma samples

0.5 mL of blood were extracted from a peripheral vein using heparinized syringes (1% sodium heparin) at birth (cord blood, if available or extracted as early as possible before initiation of TH; $N=59$) and 24 ($N=85$), 48 ($N=82$) and 72 h ($N=83$) after the administration of the first dose of medication (i.e., topiramate) or placebo. The same procedure was followed on cord blood ($N=12$) and peripheral vein blood collected 48 h after birth from leftover volumes of routine newborn screening ($N=40$) in a control group of healthy term infants. Blood samples were centrifuged at $1800 \times g$ and 20°C during 10 min immediately after

collection. Plasma was collected and stored at -80 °C until further processing. Hemolysis was assessed visually, and degraded samples were excluded from analysis.

Extraction of miRNAs was performed using 50 µL of plasma and the miRNeasy Serum/Plasma kit (QIAGEN, Hilden, Germany) following the manufacturer's instructions. The library preparation and sequencing were performed by *Novogene*, Cambridge, UK, using the Illumina NovaSeq™ platform.

Metabolites related to energy metabolism were quantified by gas chromatography-mass spectrometry (GC-MS) [17] including lactate, pyruvate, ketone bodies (acetoacetate and β -hydroxybutyrate), and Krebs cycle intermediates (succinate, fumarate, malate, α -ketoglutarate). Metabolites from the tryptophan pathway were quantified by liquid chromatography-tandem mass spectrometry (LC-MS/MS) [18] including anthranilic acid, hydroxy-anthranilic acid, kynurenic acid, tryptophan, xanthurenic acid, kynurenine, N-formyl kynurenine, phenylacetylglutamine, indole-lactic acid, indole-acetic acid, 4-chloro kynurenine. Hypoxia-related metabolites quantified by LC-MS/MS were choline, betaine, uridine, cytidine, hypoxanthine, xanthine, and lactate). Finally, eight steroids were quantified by LC-MS/MS including 4-androsten-3,17-dione (ADIONE), corticosterone (CCONE), cortisol (CORT), 11-deoxycortisol (11DECOL), dehydroepiandrosterone sulfate (DHEAS), progesterone (PROG), 17-alpha-hydroxyprogesterone (17OH PROG), and testosterone (TESTO). Acquisition parameters and main figures of merit of the LC-MS/MS method for the determination of hypoxia-related metabolites and steroids can be found in Supplementary Material Tables 2 and 3, respectively. Data processing and statistics are described in the Supplementary Material. All data generated during this study are included in supplementary information files of this published article (see Supplementary Material Table 4).

Results

Clinical results

The clinical characteristics of the study cohort are summarized in Table 1. No statistically significant differences were observed in the clinical characteristics of abnormal (i.e., mildly and moderately abnormal and severe) vs. normal BSID-III and severe vs. non-severe (i.e., normal and mildly and moderately abnormal) BSID-III sub-groups, respectively, with exception of lower incidences of vaginal or instrumental delivery and a higher incidence of emergency cesarean sections in the abnormal and severe BSID-III groups. Groups were balanced regarding the randomly administered study medication (i.e., topiramate) assuring that possible effects of topiramate administration on the plasma profiles do not affect the outcome of between-group comparisons. As expected, significant differences were found between normal and abnormal BSID-III groups and severe and non-severe BSID-III groups in the percentage of infants with Sarnat 2 vs. 3 as well as normal MRI scores and MRI score 3.

Association of miRNAs and metabolic profiles with NE and neurodevelopment

MiRNAs levels, metabolite concentrations in newborn plasma, and relevant meta-data are provided in Supplementary Material Table 4. Comparisons were carried out between newborns with NE vs control, abnormal vs. normal BSID-III, and severe vs. non-severe BSID-III. Figure 2 represents the number of significantly altered (Wilcoxon rank sum test p -value<0.05) miRNAs and metabolites in between-group comparisons and their overlap. Newborns with NE exhibited characteristic miRNA and metabolic profiles as shown by the large ratio of altered features (68% and 79%, respectively) compared to the control group. Differences observed between abnormal and normal BSID-III and between severe and non-

severe BSID-III were more subtle and only a minor proportion of alterations in miRNAs and metabolite levels (<5%) were consistently observed in all three comparisons.

<INSERT Fig. 2 HERE>

Pathway analysis was performed at the miRNA and metabolite levels to further characterize the changes due to NE and those associated with unfavorable neurodevelopmental outcomes (i.e., abnormal, or severe BSID-III). A total of twenty, eight, and thirteen pathways were altered at the miRNA level between NE vs. control infants, abnormal vs. normal BSID-III, and severe vs. non-severe BSID-III groups, respectively (see Table 2). The list of pathways revealed that important biological functions controlled by the miRNA signatures covered a wide range of categories including metabolism, human disease, cellular processes, and organismal systems. Interestingly, almost all pathways enriched in NE patients were linked to unfavorable neurodevelopmental outcomes.

Figure 3 shows the results of the metabolic pathway analysis. In total, eight pathways were enriched, with ‘steroid hormone biosynthesis’ being the most significantly and consistently altered metabolic pathway, with the highest impact across all three conditions studied.

Overall, the pattern of alterations at the metabolic pathway level was different in NE vs control infants in comparison to abnormal vs. normal BSID-III, and severe vs. non-severe BSID-III (CORA, p -value <0.05). Conversely, alterations observed between abnormal vs. normal BSID-III and severe vs. non-severe BSID-III were similar (CORA, p -value >0.05).

<INSERT Fig. 3 HERE>

Early prediction of middle-term BSID-III outcomes

Results from the analysis of the performance of clinical and standard biochemical parameters as well as the panel of metabolites and miRNAs to predict middle-term BSID-III outcomes

are summarized in Supplementary Material Table 5. The current gold standards, i.e., Sarnat and MRI scores, as well as the lactate levels determined in the delivery room, were able to predict both abnormal and severe BSID-III outcomes with AUCs ranging from 0.6 to 0.9 and 0.5 to 1.0, respectively. Among metabolites, steroids (i.e., 4-androstene-3,17-dione and testosterone), and the hypoxia-related metabolites betaine and lactate could discern between abnormal vs. normal BSID-III outcomes (AUCs 0.5-0.6), while testosterone, betaine, xanthine, and lactate were able to discern between severe vs. non-severe BSID-III outcomes (AUCs 0.5-0.7). Compared to infants with normal BSID III outcomes, 68 miRNAs were differentially expressed (AUC 0.5-0.8) in infants with abnormal BSID III. The same miRNAs were altered between severe vs. non-severe BSID-III (AUC 0.5-0.9). In the abnormal group, has-miR-5100, hsa-miR-141-5p, hsa-miR-3120, and hsa-let-7f-2-3p were the most significantly up-regulated miRNAs (p -values <0.05 and $FC\geq 10$). Hsa-miR-4521 and has-miR-329-5p were upregulated in both comparisons, i.e., in the abnormal and severe groups (p -values <0.05 and $FC\geq 10$).

The correlation of clinical, standard biochemical parameters and metabolites and miRNAs with scale scores of each subtest (i.e., cognitive scale, language scale, and motor scale) was assessed. Supplementary Material Table 5 shows that Apgar scores (especially at 1 and 5 min), MRI scores, base excess, and HCO_3 correlated with all three sub-scale scores. In contrast, pCO_2 correlated with language and cognitive, and Sarnat scores and lactate correlated with language and motor subscale scores. Regarding metabolites, xanthine correlated with the language subscale score, while betaine correlated with both the motor and cognitive subscale scores. In addition, significant correlations were observed for 23, 2, and 29 miRNAs with BSID-III language, cognitive, and motor scores, respectively.

Discussion

The present study included 92 infants with NE undergoing TH and a control group of 40 healthy-term infants. Previous studies were focused on umbilical cord biomarkers and miRNA profiles in newborns with NE in comparison to healthy controls or infants with perinatal asphyxia [19–21]. So far, only two studies have attempted to predict neurological outcomes in neonatal brain injury from metabolomics data [10, 22]. We performed the first study focusing on metabolites and miRNA expressions in infants with NE and correlating them with BSID-III scores at 24 months of age.

MiRNAs and metabolites were significantly altered in NE infants when compared to healthy controls, reflecting pronounced changes occurring at a systemic level, in good agreement with earlier literature reports [19–21]. Furthermore, our results showed distinct and group-specific patterns for alterations in the miRNA and metabolite level between abnormal vs. normal and severe vs. non-severe BSID-III scoring. In all three comparisons, the Extracellular Matrix (ECM)-receptor interaction pathway was most severely affected at the miRNA level. ECM plays an important role in tissue and organ morphogenesis and in maintaining the structure and function of cells and tissues [23]. Another study demonstrated that focal adhesion kinase, a type of enzyme that transmits signals from the ECM to cells, is implicated in the progression of neuronal degeneration caused by neonatal cerebral hypoxia-ischemia [24].

68 miRNAs were able to distinguish between both, abnormal vs. normal and severe vs. non-severe BSID-III (AUC>0.5). Previous research showed that the vascular endothelial growth factor A (VEGF A), that is expressed from a target gene of miR-125a-5p [25], was increased in cord blood of neonates following birth asphyxia, and that VEGF is specifically increased in infants who later developed encephalopathy [26]. A novel miRNA (i.e., hsa-novel-25654-

mature) was among the most significantly down-regulated miRNAs in the abnormal BSID-III group. Potential targets for hsa-novel-25654-mature (CGGCGGCGGCGGCGGCGGC) were predicted with miRDB and the highest-scoring target (99/100) was *POU class 3 homeobox 3* which is linked with nervous system development and epilepsy [27].

At the metabolite level, steroid hormone biosynthesis was the most strikingly affected pathway. Hypoxia Induced Factor 1 α has been proposed to be a vital regulator of steroidogenesis [28]. In a previous study [7], the steroid hormone biosynthesis pathway was consistently altered before, during, and after TH in plasma samples from newborns with NE according to the severity of the MRI outcome grading. The quantitative analysis of metabolites from the steroid hormone biosynthesis pathway revealed that 4-androstene-3,17-dione and testosterone showed significant differences that might be used for predicting abnormal and or severe BSID-III outcomes in agreement with alterations observed on the pathway level.

Furthermore, based on this wide array of previous findings from a piglet model [29–32], in the present study, hypoxia-related biomarkers [7] were assessed in the newborn. Lactate has been extensively studied and repeatedly proposed as a suitable biomarker for NE [33], and recently, the suitability of longitudinal plasma lactate determinations for predicting MRI outcomes in infants with NE has been shown [7, 34]. The present study confirms that plasma lactate/lactic acid determined before, during, and after hypoxia is suitable for predicting both abnormal and severe neurodevelopmental outcomes. Betaine proved its predictive capacity for abnormal and severe BSID-III outcomes. The importance of betaine in the context of asphyxia and NE has been reported earlier. Elevated levels of betaine were detected in urine samples obtained from asphyxiated piglets vs. non-asphyxiated controls [31] and a study involving the analysis of umbilical cord serum from newborns revealed an increase in choline

and/or betaine levels in conditions of asphyxia and hypoxic-ischemic encephalopathy [35]. A metabolite panel containing betaine determined in plasma samples was able to improve the predictive performance of lactate for the duration of hypoxia in a piglet model of asphyxia[32]. Furthermore, xanthine, a breakdown product of hypoxanthine which in turn has been related to reactive oxygen species generation and oxygen toxicity[36], showed predictive capacity for abnormal BSID-III outcomes. Interestingly, xanthine and betaine were also associated with language, and motor and cognitive sub-scale results of BSID-III, respectively. These results are in agreement with those obtained by Friedes *et al.*[22] where betaine was significantly associated with the cognitive and motor sub-scales of BSID-III.

Although the study design (i.e., cohort study) limits the possibility of assessing the predictive value of biomarkers in a population-based setting, this is, to date, one of the biggest data sets providing biochemical information as well as BSID-III results from infants with NE. The most important limitation is the high rate of loss of follow-up at 24 months which was 36% in the case group. Also, due to the small amounts of plasma samples available, it was not possible to perform all determinations in all samples resulting in some limitations for the subsequent data analysis.

As a conclusion, this study provides for the first time a joint exploration of alterations at the miRNA and metabolite level in newborns with NE undergoing hypothermia treatment (N=92) and relates them to BSID-III outcomes at 24 months. The ability to discern between injury degrees and subtypes would be particularly useful for supporting clinical decisions in combination with clinical and routine biochemical markers. The present results support previous findings from metabolomics experiments and animal studies and therefore provide a solid fundament for a future translation into clinical applications enabling the selection of a panel of potential metabolic and miRNA biomarkers with the capacity to predict BSID-III at

24 months. Blood biomarkers might be assessed objectively and early on, before MRI/MRS can be performed and in settings where MRI/MRS might not be readily available (e.g., in low middle income countries), and may be repeatedly determined to confirm results. Unlike clinical scores, biomarkers do not rely on the experience of the clinician, thus by combining analytical results with standard clinical and imaging procedures, the predictability of outcomes could be significantly improved. The targeted analysis of a small number of biomarkers could be performed within a few hours, allowing to use this information to aid the personalized adjustment of treatment (e.g., initiation of therapeutic hypothermia), that could contribute to improving neonatal outcomes. The usefulness of the proposed biomarkers as additional tools for clinical decision-making will need to be explored in independent, follow-up studies.

References

1. Wisnowski JL, Wintermark P, Bonifacio SL, et al (2021) Neuroimaging in the term newborn with neonatal encephalopathy. *Seminars in Fetal and Neonatal Medicine* 26:101304. <https://doi.org/10.1016/j.siny.2021.101304>
2. Wassink G, Davidson JO, Dhillon SK, et al (2019) Therapeutic Hypothermia in Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy. *Curr Neurol Neurosci Rep* 19:2. <https://doi.org/10.1007/s11910-019-0916-0>
3. Midan DAR, Bahbah WA, Fayed DA, et al (2021) Cord blood microRNA-376c and microRNA-1268a as biomarkers for neonatal hypoxic-ischaemic encephalopathy: a diagnostic accuracy study. *BMJ Paediatrics Open* 5:e001258. <https://doi.org/10.1136/bmjpo-2021-001258>
4. Ma Q, Zhang L (2015) Epigenetic Programming of Hypoxic-Ischemic Encephalopathy in Response to Fetal Hypoxia. *Prog Neurobiol* 0:28–48. <https://doi.org/10.1016/j.pneurobio.2014.11.001>
5. Wassink G, Harrison S, Dhillon S, et al (2022) Prognostic Neurobiomarkers in Neonatal Encephalopathy. *Developmental Neuroscience* 44:331–343. <https://doi.org/10.1159/000522617>
6. Dakroub F, Kobeissy F, Mondello S, et al (2024) MicroRNAs as biomarkers of brain injury in neonatal encephalopathy: an observational cohort study. *Sci Rep* 14:6645. <https://doi.org/10.1038/s41598-024-57166-z>
7. Piñeiro-Ramos JD, Núñez-Ramiro A, Llorens-Salvador R, et al (2020) Metabolic Phenotypes of Hypoxic-Ischemic Encephalopathy with Normal vs. Pathologic Magnetic Resonance Imaging Outcomes. *Metabolites* 10:109. <https://doi.org/10.3390/metabo10030109>
8. Piñeiro-Ramos JD, Cascant MM, Núñez-Ramiro A, et al (2022) Noninvasive monitoring of evolving urinary metabolic patterns in neonatal encephalopathy. *Pediatr Res* 91:598–605. <https://doi.org/10.1038/s41390-021-01553-z>
9. Locci E, Noto A, Puddu M, et al (2018) A longitudinal ¹H-NMR metabolomics analysis of urine from newborns with hypoxic-ischemic encephalopathy undergoing hypothermia therapy. *Clinical and medical legal insights. PLOS ONE* 13:e0194267. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0194267>
10. Ahearne C, Denihan N, Walsh B, et al (2016) Early Cord Metabolite Index and Outcome in Perinatal Asphyxia and Hypoxic-Ischaemic Encephalopathy. *Neonatology* 110:296–302. <https://doi.org/10.1159/000446556>
11. Sánchez-Illana Á, Solberg R, Lliso I, et al (2017) Assessment of phospholipid synthesis related biomarkers for perinatal asphyxia: a piglet study. *Scientific Reports* 7:40315. <https://doi.org/10.1038/srep40315>
12. Piñeiro-Ramos JD, Núñez-Ramiro A, Llorens-Salvador R, et al (2020) Metabolic Phenotypes of Hypoxic-Ischemic Encephalopathy with Normal vs. Pathologic Magnetic

- Resonance Imaging Outcomes. *Metabolites* 10:.
<https://doi.org/10.3390/metabo10030109>
13. Nuñez-Ramiro A, Benavente-Fernández I, Valverde E, et al (2019) Topiramate plus Cooling for Hypoxic-Ischemic Encephalopathy: A Randomized, Controlled, Multicenter, Double-Blinded Trial. *Neonatology* 116:76–84.
<https://doi.org/10.1159/000499084>
 14. Sarnat HB (1976) Neonatal Encephalopathy Following Fetal Distress: A Clinical and Electroencephalographic Study. *Arch Neurol* 33:696.
<https://doi.org/10.1001/archneur.1976.00500100030012>
 15. Shankaran S, McDonald SA, Laptook AR, et al (2015) Neonatal Magnetic Resonance Imaging Pattern of Brain Injury as a Biomarker of Childhood Outcomes following a Trial of Hypothermia for Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy. *J Pediatr* 167:987-993.e3. <https://doi.org/10.1016/j.jpeds.2015.08.013>
 16. Bayley Scales of Infant and Toddler Development | Third Edition.
<https://www.pearsonassessments.com/store/usassessments/en/Store/Professional-Assessments/Behavior/Adaptive/Bayley-Scales-of-Infant-and-Toddler-Development-%7C-Third-Edition/p/100000123.html>. Accessed 7 Apr 2022
 17. Sánchez-Illana Á, Núñez-Ramiro A, Cernada M, et al (2017) Evolution of Energy Related Metabolites in Plasma from Newborns with Hypoxic-Ischemic Encephalopathy during Hypothermia Treatment. *Sci Rep* 7:1–12. <https://doi.org/10.1038/s41598-017-17202-7>
 18. Lario S, Ramírez-Lázaro MJ, Sanjuan-Herráez D, et al (2017) Plasma sample based analysis of gastric cancer progression using targeted metabolomics. *Sci Rep* 7:1–10.
<https://doi.org/10.1038/s41598-017-17921-x>
 19. O’Sullivan MP, Looney AM, Moloney GM, et al (2019) Validation of Altered Umbilical Cord Blood MicroRNA Expression in Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy. *JAMA Neurol* 76:333–341. <https://doi.org/10.1001/jamaneurol.2018.4182>
 20. Wang Z, Liu Y, Shao M, et al (2018) Combined prediction of miR-210 and miR-374a for severity and prognosis of hypoxic–ischemic encephalopathy. *Brain and Behavior* 8:e00835. <https://doi.org/10.1002/brb3.835>
 21. Li M, Ye M, Zhang G (2021) Aberrant expression of miR-199a in newborns with hypoxic-ischemic encephalopathy and its diagnostic and prognostic significance when combined with S100B and NSE. *Acta Neurol Belg* 121:707–714.
<https://doi.org/10.1007/s13760-020-01408-0>
 22. Friedes BD, Molloy E, Strickland T, et al (2021) Neonatal encephalopathy plasma metabolites are associated with neurodevelopmental outcomes. *Pediatr Res* 1–8.
<https://doi.org/10.1038/s41390-021-01741-x>
 23. Kleinman HK, Philp D, Hoffman MP (2003) Role of the extracellular matrix in morphogenesis. *Current Opinion in Biotechnology* 14:526–532.
<https://doi.org/10.1016/j.copbio.2003.08.002>

24. Zalewska T, Makarewicz D, Janik B, Ziemka-Nałęcz M (2005) Neonatal cerebral hypoxia-ischemia: involvement of FAK-dependent pathway. *Int j dev neurosci* 23:657–662. <https://doi.org/10.1016/j.ijdevneu.2005.05.010>
25. Dai J, Wang J, Yang L, et al (2015) miR-125a regulates angiogenesis of gastric cancer by targeting vascular endothelial growth factor A. *International Journal of Oncology* 47:1801–1810. <https://doi.org/10.3892/ijo.2015.3171>
26. Aly H, Hassanein S, Nada A, et al (2009) Vascular endothelial growth factor in neonates with perinatal asphyxia. *Brain Dev* 31:600–604. <https://doi.org/10.1016/j.braindev.2008.09.004>
27. Torun D, Arslan M, Yüksel Z (2021) Coexistence of severe developmental delay, epilepsy, and hemangioma in Snijders Blok-Fisher syndrome suggests the presence of a POU3F3-related SNIBFIS endophenotype: A case report. *American Journal of Medical Genetics Part A* 185:1554–1560. <https://doi.org/10.1002/ajmg.a.62135>
28. Watts D, Stein J, Meneses A, et al (2021) HIF1 α is a direct regulator of steroidogenesis in the adrenal gland. *Cell Mol Life Sci* 78:3577–3590. <https://doi.org/10.1007/s00018-020-03750-1>
29. Solberg R, Escobar J, Arduini A, et al (2013) Metabolomic Analysis of the Effect of Postnatal Hypoxia on the Retina in a Newly Born Piglet Model. *Plos One* 8:e66540. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0066540>
30. Solberg R, Kuligowski J, Pankratov L, et al (2016) Changes of the plasma metabolome of newly born piglets subjected to postnatal hypoxia and resuscitation with air. *Pediatr Res* 80:284–292. <https://doi.org/10.1038/pr.2016.66>
31. Skappak C, Regush S, Cheung P-Y, Adamko DJ (2013) Identifying Hypoxia in a Newborn Piglet Model Using Urinary NMR Metabolomic Profiling. *PLoS ONE* 8:e65035. <https://doi.org/10.1371/journal.pone.0065035>
32. Kuligowski J, Solberg R, Sánchez-Illana Á, et al (2017) Plasma metabolite score correlates with Hypoxia time in a newly born piglet model for asphyxia. *Redox Biol* 12:1–7. <https://doi.org/10.1016/j.redox.2017.02.002>
33. O’Boyle DS, Dunn WB, O’Neill D, et al (2021) Improvement in the Prediction of Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy with the Integration of Umbilical Cord Metabolites and Current Clinical Markers. *The Journal of Pediatrics* 229:175-181.e1. <https://doi.org/10.1016/j.jpeds.2020.09.065>
34. Cascant-Vilaplana MM, Lara-Cantón I, Núñez-Ramiro A, et al (2023) Longitudinal perturbations of plasma nuclear magnetic resonance profiles in neonatal encephalopathy. *Pediatr Res* 1–10. <https://doi.org/10.1038/s41390-023-02464-x>
35. Reinke SN, Walsh BH, Boylan GB, et al (2013) ¹H NMR derived metabolomic profile of neonatal asphyxia in umbilical cord serum: implications for hypoxic ischemic encephalopathy. *J Proteome Res* 12:4230–4239. <https://doi.org/10.1021/pr400617m>
36. Saugstad OD (2010) Resuscitation of newborn infants: from oxygen to room air. *The Lancet* 376:1970–1971. [https://doi.org/10.1016/S0140-6736\(10\)60543-0](https://doi.org/10.1016/S0140-6736(10)60543-0)

HYPOTOP study group

Ana Gimeno², María Gormaz², Raquel Escrig², María Cernada², Marta Aguar², Antonio Núñez-Ramiro², Isabel Benavente-Fernández⁷, Eva Valverde⁸, Malaika Cordeiro⁸, Dorotea Blanco⁹, Hector Boix¹⁰, Fernando Cabañas¹¹, Mercedes Chaffanel¹², Belén Fernández-Colomer¹³, Jose Ramón Fernández-Lorenzo¹⁴, Begoña Loureiro¹⁵, Maria Teresa Moral-Pumarega¹⁶, Antonio Pavón¹⁷, and Inés Tofé¹⁸

²Division of Neonatology, University & Polytechnic Hospital La Fe, Valencia, Spain

⁷Division of Neonatology, University Hospital Puerta del Mar, Cádiz, Spain

⁸Division of Neonatology, University Hospital La Paz, Madrid, Spain

⁹Division of Neonatology, University Hospital Gregorio Marañón, Madrid, Spain

¹⁰Department of Neonatology, University Hospital Vall d'Hebrón, Barcelona, Spain

¹¹Division of Neonatology, University Hospital Quirónsalud Madrid, Madrid, Spain

¹²Division of Neonatology, Regional University Hospital Málaga, Málaga, Spain

¹³Division of Neonatology, Central University Hospital of Asturias, Oviedo, Spain

¹⁴Division of Neonatology, University Hospital Complex of Vigo, Vigo, Spain

¹⁵Division of Neonatology, University Hospital Cruces, Bilbao, Spain

¹⁶Division of Neonatology, University Hospital 12 de Octubre, Madrid, Spain

¹⁷Division of Neonatology, University Hospital Virgen del Rocío, Sevilla, Spain

¹⁸Division of Neonatology, University Hospital Reina Sofía, Córdoba, Spain

Statements and Declarations

Funding

This work was supported by the *Instituto de Salud Carlos III* (ISCIII), Spain [grant numbers CM20/00187, CPII21/00003, EC11-046, and PI20/00964] and co-funded by the European Union. This study has been funded by *Instituto de Salud Carlos III* (ISCIII) through the project "RD21/0012/0015" and co-funded by the European Union–NextGenerationEU.

Consent to participate

This study was performed in line with the principles of the Declaration of Helsinki. The Committee for Biomedical Research of the Health Research Institute La Fe (Valencia, Spain) approved the protocol for involving the recruitment of the control group of healthy term infants (2019/0312) and the multicenter clinical trial, registered under the acronym HYPOTOP (EudraCT 2011-005696-17)[13]. Written informed consent was obtained from parents or legal representatives.

Contributors' statement

Mari Merce Cascant-Vilaplana: Methodology, Software, Validation, Formal analysis, Investigation, Data Curation, Writing - Original Draft, Writing - Review & Editing, Visualization. **José David Piñeiro-Ramos:** Methodology, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Álvaro Soláz-García:** Methodology, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Inmaculada Lara-Cantón:** Methodology, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Isabel Izquierdo:** Methodology, Investigation, Resources, Writing - Review & Editing, Supervision. **Roberto Llorens:** Methodology, Formal analysis, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Purificación Marin:** Methodology, Investigation, Writing - Review & Editing. **Ester**

Torres: Methodology, Investigation, Writing - Review & Editing. **Corentin Molitor:** Methodology, Software, Formal analysis, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Fady Mohareb:** Conceptualization, Software, Resources, Writing - Review & Editing, Supervision. **Nuria Boronat:** Methodology, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Guillermo Quintás:** Conceptualization, Software, Investigation, Data Curation, Writing - Review & Editing. **Julia Kuligowski:** Conceptualization, Software, Formal analysis, Investigation, Resources, Data Curation, Writing - Original Draft, Writing - Review & Editing, Visualization, Supervision, Project administration. **Máximo Vento:** Conceptualization, Resources, Writing - Review & Editing, Supervision, Project administration.

Data availability

All data generated during this study are included in supplementary information files of this published article.

Figure Legends

Fig. 1. Overview of studied infants, plasma samples, and available MRI and BSID-III results.

Fig. 2. Altered (Wilcoxon rank sum test p -value <0.05) miRNAs (left) and metabolites (right) in NE vs. control infants, BSID-III abnormal vs. normal, and BSID-III severe vs. non-severe subgroups. Note: Samples collected across all time points were lumped together.

Fig. 3. Altered metabolic pathways in NE vs. control infants (left), BSID-III abnormal vs. normal (middle), and BSID-III severe vs. non-severe (right) subgroups. Note: CORA analysis showed a significant correlation (p -value = 0.04) for results from 'BSID-III abnormal vs. normal' and 'BSID-III severe vs. non-severe', while no significant correlations were found (p -values > 0.05) for 'NE vs. control infants' and 'BSID-III abnormal vs. normal' as well as 'NE vs. control infants' and 'BSID-III severe vs. non-severe'; samples collected across all time points were lumped together.

Infants enrolled in HYPOTOP trial (N=106)

- No biological sample available (N=14)

Infants enrolled in HYPOTOP trial (N=92)

0 h
(N=59)

24 h
(N=85)

48 h
(N=82)

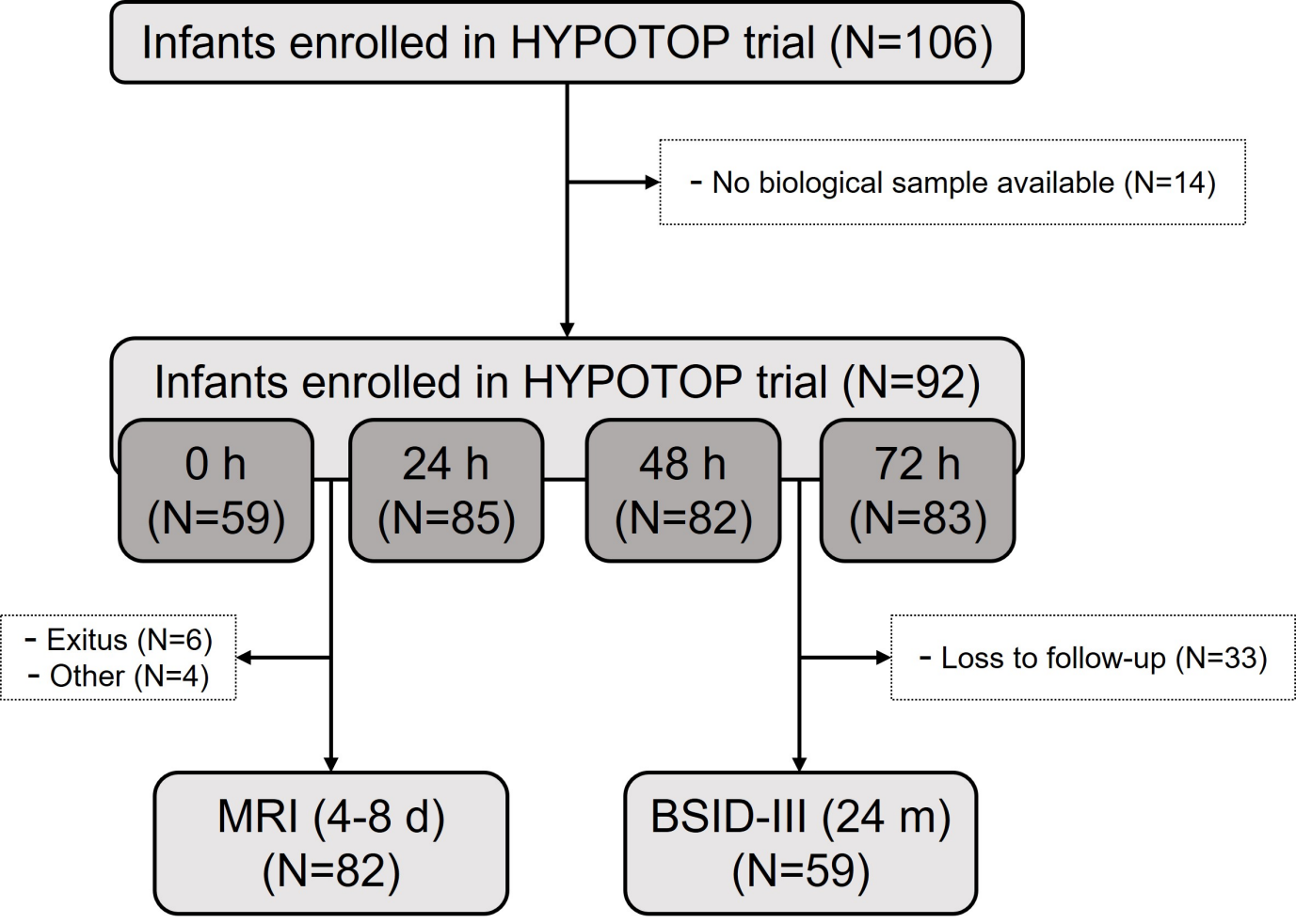
72 h
(N=83)

- Exitus (N=6)
- Other (N=4)

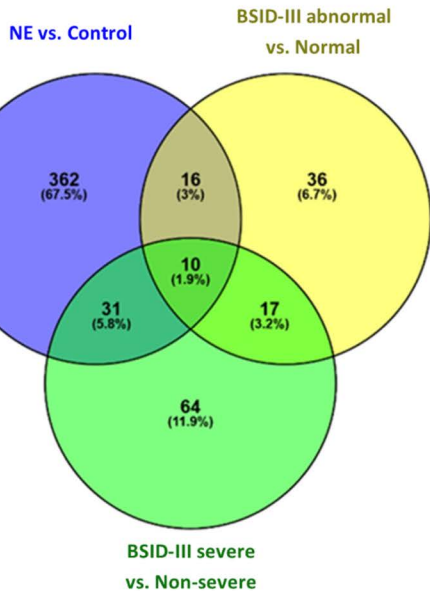
- Loss to follow-up (N=33)

MRI (4-8 d)
(N=82)

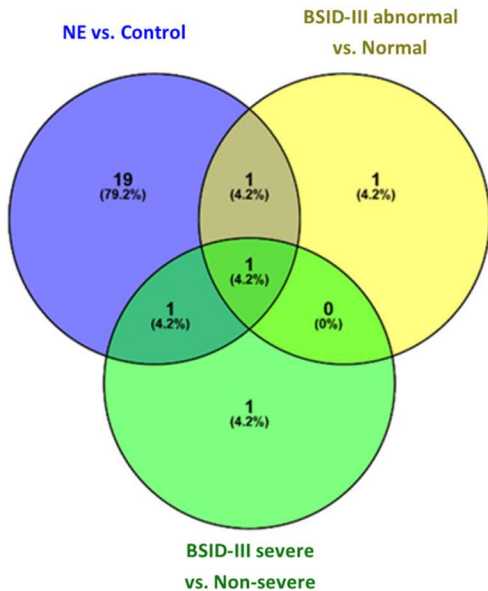
BSID-III (24 m)
(N=59)



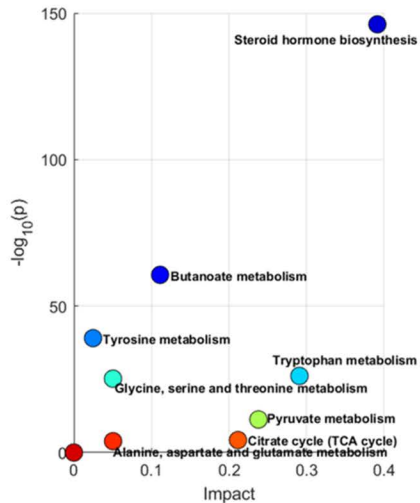
miRNAs



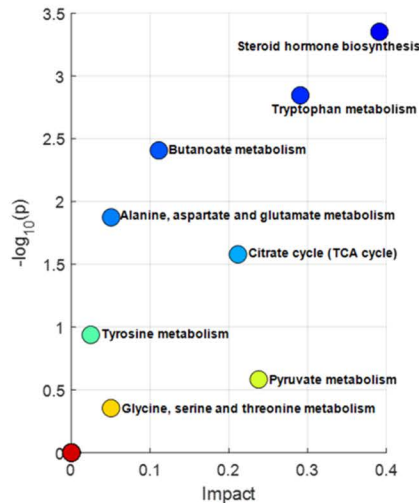
Metabolites



NE vs. control infants



BSID-III abnormal vs. normal



BSID-III severe vs. non-severe

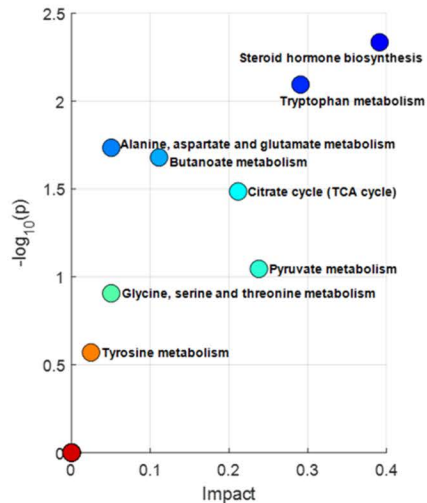


Table 1. Characteristics of the study population

Parameter	Controls (N=40)	NE (N=92)	adj. p- value	normal BSID- III (N=28)	abnormal BSID-III (N=31)	adj. p- value	non-severe BSID-III (N=39)	severe BSID-III (N=20)	adj. p- value
Gestational age [weeks]	40 (38-41)	39 (38-40)	0.5	40 (38-41)	40 (38-41)	0.8	40 (38-41)	40 (38-41)	0.6
Birth weight [g]	3207 ± 406	3236 ± 583	0.7	3164 ± 501	3360 ± 648	0.3	3220 ± 570	3351 ± 619	0.5
Length [cm]	49 ± 2	51 ± 3	0.08	50 ± 3	52 ± 3	0.3	51 ± 3	52 ± 3	0.4
Head circumference [cm]	34 ± 2	34 ± 2	0.8	34 ± 2	34 ± 2	0.7	34 ± 2	35 ± 2	0.5
Delivery mode [N] (%)									
Vaginal delivery	25 (63%)	40 (43%)	0.10	19 (68%)	8 (26%)	0.004	22 (56%)	5 (25%)	0.05
C-section	15 (38%)	52 (57%)	0.06	9 (32%)	23 (74%)	0.004	17 (44%)	15 (75%)	0.05
Male Gender [N] (%)	21 (53%)	48 (52%)	0.9	13 (46%)	21 (68%)	0.2	19 (49%)	15 (75%)	0.09
Topiramate [N] (%)	0 (0%)	41 (45%)	<0.001	14 (50%)	10 (32%)	0.3	17 (44%)	7 (35%)	0.6
Sarnat									
n.d.	-	6 (7%)	-	2 (7%)	1 (3%)	0.5	3 (8%)	0 (0%)	0.2
Sarnat 2	-	60 (65%)	-	24 (86%)	12 (39%)	<0.001	30 (77%)	6 (30%)	<0.001
Sarnat 3	-	26 (28%)	-	2 (7%)	18 (58%)	<0.001	6 (15%)	14 (60%)	<0.001
MRI score [N] (%)									
n.d.	-	10 (11%)	-	0 (0%)	6 (19%)	0.04	0 (0%)	6 (30%)	0.0013
Normal	-	40 (43%)	-	21 (75%)	6 (19%)	<0.001	26 (67%)	1 (5%)	<0.001
MRI score 1	-	14 (15%)	-	4 (14%)	2 (6%)	0.4	6 (15%)	0 (0%)	0.10
MRI score 2	-	20 (22%)	-	3 (11%)	11 (35%)	0.06	7 (18%)	7 (35%)	0.3
MRI score 3	-	8 (9%)	-	0 (0%)	6 (19%)	0.04	0 (0%)	6 (30%)	0.0013
BSID-III outcome [N] (%)									
normal	-	28 (30%)	-	28 (100%)	0 (0%)	<0.001	28 (72%)	0 (0%)	<0.001
mildly abnormal	-	8 (9%)	-	0 (0%)	8 (26%)	0.013	8 (21%)	0 (0%)	0.06
moderately abnormal	-	3 (3%)	-	0 (0%)	3 (10%)	0.2	3 (8%)	0 (0%)	0.3
severe	-	20 (22%)	-	0 (0%)	20 (65%)	<0.001	0 (0%)	20 (100%)	<0.001
n.d.	-	33 (36%)	-	0 (0%)	0 (0%)	-	0 (0%)	0 (0%)	-
BSID-III cognitive composite	-	100 (95-110)	-	105 (96-110)	95 (79-101)	0.05	102 (95-110)	60 (55-65)	0.09
BSID-III language composite	-	94 (85-100)	-	98 (93-103)	83 (79-86)	<0.001	94 (89-100)	61 (53-68)	0.2
BSID-III motor composite	-	100 (91-107)	-	103 (99-107)	82 (52-95)	<0.001	100 (92-107)	49 (46-52)	0.006

Note: values are given as median (interquartile range) or number (N) and %. Wilcoxon ranksum test ($\alpha=0.05$) or χ^2 test ($\alpha=0.05$) were used for between-group comparisons; n.d. stands for not determined; MRI stands for Magnetic Resonance Imaging; BSID-III stands for Bayley Scales of Infant and Toddler Development, ed. III defined as (i) 'normal' if the child scored >85 in the three BSID-III subscales: cognitive, language, and motor, (ii) 'mildly abnormal' if 1 or 2 subscales scored ≤ 85 but >70 , (iii) 'moderately abnormal' if all three subscales scored ≤ 85 but >70 , and (iv) 'severe' if either 1, 2, or 3 subscales scored ≤ 70 , or in case of death, or inability to be evaluated due to severe impairment

Table 2. Altered pathways identified by miRNA analysis.

KEGG pathway	Category	Subcategory	NE vs. control			abnormal vs normal BSID-III			Severe vs. non-severe BSID-III		
			p-value	#genes	#miRNAs	p-value	#genes	#miRNAs	p-value	#genes	#miRNAs
ECM-receptor interaction	Environmental Information Processing	Signalling molecules and interaction	6x10 ⁻¹²⁴	43	12	6x10 ⁻¹¹	25	12	9x10 ⁻¹¹⁶	42	13
Fatty acid metabolism	Metabolism	Global and overview maps	2x10 ⁻⁴¹	15	10	-	-	-	-	-	-
Mucin type O-Glycan biosynthesis	Metabolism	Glycan biosynthesis and metabolism	6x10 ⁻¹⁴	17	17	6x10 ⁻³	16	10	2x10 ⁻⁸	18	13
Glycosphingolipid biosynthesis - lacto and neolacto series	Metabolism	Glycan biosynthesis and metabolism	8x10 ⁻¹²	13	15	2x10 ⁻⁴	11	10	-	-	-
Proteoglycans in cancer	Human Diseases	Cancer: overview	3x10 ⁻⁹	143	23	9x10 ⁻⁶	117	13	6x10 ⁻⁵	116	16
TGF-beta signaling pathway	Environmental Information Processing	Signal transduction	3x10 ⁻⁹	55	19	2x10 ⁻³	52	10	1x10 ⁻⁹	46	13
Amphetamine addiction	Human Diseases	Substance dependence	2x10 ⁻⁸	38	11	5x10 ⁻⁴	34	10	2x10 ⁻⁸	40	14
Signaling pathways regulating pluripotency of stem cells	Cellular Processes	Cellular community - eukaryotes	1.2x10 ⁻⁷	91	21	6x10 ⁻⁹	88	10	3x10 ⁻⁸	87	13
Hippo signaling pathway	Environmental Information Processing	Signal transduction	2x10 ⁻⁷	79	10	-	-	-	2x10 ⁻⁶	87	12
Morphine addiction	Human Diseases	Substance dependence	2x10 ⁻⁶	57	19	1x10 ⁻¹²	47	15	3x10 ⁻¹⁰	42	13
GABAergic synapse	Organismal Systems	Nervous system	5x10 ⁻⁶	38	10	-	-	-	-	-	-
Lysine degradation	Metabolism	Amino Acid metabolism	9x10 ⁻⁶	27	18	-	-	-	2x10 ⁻⁵	24	13
Glioma	Human Diseases	Cancer: specific types	2x10 ⁻⁵	45	15	-	-	-	-	-	-
ErbB signaling pathway	Environmental Information Processing	Signal transduction	4x10 ⁻⁵	67	18	-	-	-	-	-	-
Axon guidance	Organismal Systems	Development and regeneration	9x10 ⁻⁵	91	16	-	-	-	9x10 ⁻⁶	70	10
Wnt signaling pathway	Environmental Information Processing	Signal transduction	3x10 ⁻⁴	85	11	-	-	-	-	-	-
Pathways in cancer	Human Diseases	Cancer: overview	3x10 ⁻⁴	180	10	-	-	-	-	-	-
Thyroid hormone signaling pathway	Organismal Systems	Endocrine system	4x10 ⁻⁴	71	12	-	-	-	3x10 ⁻⁵	56	10
Renal cell carcinoma	Human Diseases	Cancer: specific types	6x10 ⁻⁴	43	10	-	-	-	-	-	-
FoxO signaling pathway	Environmental Information Processing	Signal transduction	1.2x10 ⁻³	77	12	-	-	-	-	-	-
Circadian entrainment	Organismal Systems	Environmental adaptation	-	-	-	-	-	-	2x10 ⁻⁵	41	10
Estrogen signaling pathway	Organismal Systems	Endocrine system	-	-	-	-	-	-	7x10 ⁻⁴	45	11

Note: Significantly altered (p-value < 0.05) pathways with min. 10 miRNA hits are displayed; samples collected across all time points were lumped together; BSID-III stands for Bayley Scales of Infant and Toddler Development, ed. III defined as (i) 'normal' if the child scored >85 in the three BSID-III subscales: cognitive, language and motor, (ii) 'mildly abnormal' if 1 or 2 subscales scored ≤ 85 but >70, (iii) 'moderately abnormal' if all three subscales scored ≤ 85 but >70, and (iv) 'severe' if either 1, 2, or 3 subscales scored ≤70, or in case of death, or inability to be evaluated due to severe impairment

Searching Molecular Biomarkers correlating with BSID-III at 24 months in Infants with Neonatal Hypoxic-Ischemic Encephalopathy

Mari Merce Cascant-Vilaplana¹, Jose David Piñeiro-Ramos¹, Álvaro Soláz-García^{1,2}, Inmaculada Lara-Cantón¹, Isabel Izquierdo², Roberto Llorens³, Purificación Marin², Ester Torres-Martínez², Corentin Molitor⁴, Fady Mohareb⁴, Nuria Boronat^{1,2,5}, Guillermo Quintás⁶, Julia Kuligowski^{1,5},
Máximo Vento^{1,2,5}, and the HYPOTOP study group

¹Neonatal Research Group, Health Research Institute La Fe, Valencia, Spain

²Division of Neonatology, University & Polytechnic Hospital La Fe, Valencia, Spain

³Division of Radiology and Imaging, University & Polytechnic Hospital La Fe, Valencia, Spain

⁴The Bioinformatics Group, School of Water, Energy and Environment, Cranfield University, Bedford, UK

⁵Primary Care Interventions to Prevent Maternal and Child Chronic Diseases of Perinatal and Developmental Origin Network (RICORS-SAMID) (RD21/0012/0001), Instituto de Salud Carlos III, Madrid, Spain

⁶Health and Biomedicine, Leitat Technological Center, Valencia, Spain

Data processing and statistics

Raw reads filtering protocol was performed by *Novogene*. The reads were removed if one of the following rules applied: >50% of bases have a quality score <5; Ns are accounting >10% of the bases; the read has 5' primer contaminants; the read does not have 3' primer or insert tag; the read has a polyA/T/G/C tail. For all the remaining reads, the 3' primer sequence was trimmed. The filtered miRNA data was aligned to the human reference genome, GRCh38. The genome was indexed with bowtie v1.1.1, then the reads were aligned with the *mapper.pl* module from miRDeep2 v2.0.1.2. The mature sequences and precursors for *Homo sapiens* were extracted from miRBase v22.1. For the related species, the mature sequences of chimpanzee and mouse were chosen. To identify reliable novel miRNAs, a cut-off of 5 was chosen as it provided the best signal-to-noise ratio. Target prediction for the

novel miRNAs identified as differentially expressed was also carried out with miRDB. In addition, the quantified species were set to hsa, both the number of nucleotides to consider upstream and downstream of the mature sequence were set to 3 and the read counts were weighted by their number of mappings.

DIANA-miRPath (version 3.0) (1) was used for pathway analysis of miRNAs employing the default settings and displaying results for 'pathway union'. A maximum of 100 miRNAs with significant differences between groups as determined by the Wilcoxon rank sum test ($\alpha=0.05$) (2) were used as an input. Chromatographic peak detection and integration was carried out in MassLynx (version 4.2, Waters). Log-transformed (base 10) and mean centered data were analyzed employing MetaboAnalyst (version 5.0)(3) for metabolic pathway analysis with the default settings and the *homo sapiens* Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes (KEGG) pathway library(4). The Mantel's test was used for comparison of pathway analysis results (5). Default values were employed with exception of the variance filter which was set to an interquartile range of 20.

Venn diagrams were visualized employing Venny (version 2.1.0) (6) to illustrate the number of significantly changing miRNAs and metabolites and their overlap in different groups. Non-parametric 95% confidence intervals for the AUC estimates were calculated using the Mann-Whitney method (7) with default settings and resampling 500 times. Partial Spearman correlation coefficients adjusted for sampling time were computed between metabolite concentrations or miRNA expressions and BSD-III scores (i.e., cognitive, motor, and language) and *p*-values were calculated. Comparisons between groups were carried out lumping together samples from the same patient collected at different time points (where applicable) and using the Wilcoxon rank sum test ($\alpha=0.05$), Student's *t*-test ($\alpha=0.05$), or χ^2 -test ($\alpha=0.05$), according to the underlying distribution. Data analysis was carried out in MATLAB 2019b (Mathworks, Natick, MA, USA) using built-in functions and the MATLAB AUC toolbox (8).

Supplementary Material Table 1. Inclusion and exclusion criteria for newborn infants included in the HYPOTOP trial (9) based on Shankaran S et al. (10).

<p>Inclusion criteria</p> <p><u>Birth characteristics</u> Gestational age ≥ 36 weeks; birthweight >2000 g</p> <p><u>Cord blood gases</u> pH≤ 7.0 and/or base deficit ≥ 16mmol/L in umbilical cord/peripheral blood sample during the first 60 minutes after birth. If blood gas pH was 7.01 to 7.15, and Base Excess was between -10 and -15.9 mmol/L or was not available, additional criteria were requested (at least one of A and/or B criteria)</p> <p><u>A. criteria: Perinatal clinical assessment compatible with perinatal hypoxia ischemia</u></p> <ul style="list-style-type: none"> a. Non-reassuring fetal status during fetal heart monitoring b. Sentinel events: cord prolapse, <i>abruptio placentae</i>, uterine rupture, severe maternal and/or fetal hemorrhage, and/or birth dystocia <p><u>B. criteria: Objective perinatal evaluation</u></p> <ul style="list-style-type: none"> c. Apgar score ≤ 5 at 10 min d. Needing positive pressure ventilation with mask or tracheal tube at 10 minutes after birth <p>Exclusion criteria</p> <ul style="list-style-type: none"> a. Gestational age >36 weeks b. Patient needing acute surgery before discharge c. Severe congenital malformations and/or chromosomopathies d. Parents reject to participate/sign inform consent e. Impossibility of and/or error in randomization
--

Note: birth was defined as the full expulsion of the entire body of the fetus from the mother.

Supplementary Material Table 2. Acquisition parameters and main figures of merit of the LC-MS/MS method for the determination of hypoxia-related metabolites.

Metabolite	ESI mode	m/z Parent	Cone [V]	CE [eV]	m/z Daughter	RT + s [min]	Calibration range [μ M]	R ²	Internal Standard
Choline	ESI+	104.1	40	15	60.0	0.800 $\pm$ 0.002	0.3 – 8	0.995	Betaine D ₁₁
Betaine	ESI+	118.09	40	15	59.1	0.860 $\pm$ 0.002	0.4 – 11	0.990	Betaine D ₁₁
Uridine	ESI+	245.1	20	10	113.0	1.073 $\pm$ 0.005	0.02 – 3	0.97	Uridine ¹³ C ₉ ¹⁵ N ₂
Cytidine	ESI+	244.1	20	10	112.1	0.880 $\pm$ 0.002	0.004 – 0.5	0.998	Cytidine ¹³ C ₉ ¹⁵ N ₃
Hypoxanthine	ESI+	137.1	30	20	110.0	1.058 $\pm$ 0.004	0.2 – 10	0.990	Hypoxanthine D ₄
Xanthine	ESI+	153.0	30	15	110.0	1.070 $\pm$ 0.002	0.07 – 1.1	0.97	Uridine ¹³ C ₉ ¹⁵ N ₂
Lactate	ESI-	89.0	35	10	43.0	1.078 $\pm$ 0.004	6 – 910	0.97	Betaine D ₁₁
Betaine D ₁₁	ESI+	129.1	20	20	66.0	0.860 $\pm$ 0.002	-	-	-
Hypoxanthine D ₄	ESI+	139.0	30	20	112.0	1.057 $\pm$ 0.005	-	-	-
Cytidine ¹³ C ₉ ¹⁵ N ₃	ESI+	256.1	20	10	119.0	0.880 $\pm$ 0.002	-	-	-
Uridine ¹³ C ₉ ¹⁵ N ₂	ESI+	256.1	20	10	119.0	1.080 $\pm$ 0.002	-	-	-

Supplementary Material Table 3. Acquisition parameters and main figures of merit of the LC-MS/MS method for the determination of steroids.

Metabolite	ESI mode	m/z Parent	Cone [V]	CE [eV]	m/z Daughter	RT $\pm$ s [min]	Calibration range [nM]	R ²	Internal Standard
ADIONE	ESI+	287.1	30	20	97.1	4.451 $\pm$ 0.003	0.3 – 63	0.996	ADIONE-D5
CCONE	ESI+	347.1	30	25	121.1	3.980 $\pm$ 0.002	0.8 – 179	0.997	CCONE-D8
CORT	ESI+	363.1	20	25	121.1	3.410 $\pm$ 0.002	4 – 883	0.99990	CORT-D3
11DECOL	ESI+	347.1	30	20	97.1	4.081 $\pm$ 0.003	0.2 – 52	0.9990	11DECOL-D5
DHEAS	ESI+	271.2	25	20	213.2	3.247 $\pm$ 0.007	35 – 7463	0.9992	DHEAS-D6
PROG	ESI+	315.1	30	15	97.1	5.460 $\pm$ 0.002	0.4 – 84	0.99990	PROG-D9
17OH PROG	ESI+	331.2	20	25	97.1	4.871 $\pm$ 0.003	0.4 – 79	0.9997	17OH PROG-D8
TESTO	ESI+	289.1	30	20	97.1	4.750 $\pm$ 0.002	0.12 – 25	0.998	TESTO-D5
ADIONE D ₅	ESI+	292.1	30	20	100.1	4.431 $\pm$ 0.003	-	-	-
CCONE D ₈	ESI+	355.1	30	25	125.2	3.949 $\pm$ 0.003	-	-	-
CORT D ₃	ESI+	366.1	20	25	121.1	3.410 $\pm$ 0.002	-	-	-
11DECOL D ₅	ESI+	352.1	30	20	113.1	4.061 $\pm$ 0.003	-	-	-
DHEAS D ₆	ESI+	277.1	25	20	219.2	3.239 $\pm$ 0.008	-	-	-
PROG D ₉	ESI+	324.1	30	25	100.1	5.430 $\pm$ 0.002	-	-	-
17OH PROG D ₈	ESI+	339.1	20	20	100.1	4.841 $\pm$ 0.003	-	-	-
TESTO D ₅	ESI+	294.1	30	20	100.1	4.730 $\pm$ 0.002	-	-	-

References

1. Vlachos IS, Zagganas K, Paraskevopoulou MD, Georgakilas G, Karagkouni D, Vergoulis T, et al. DIANA-miRPath v3.0: deciphering microRNA function with experimental support. *Nucleic Acids Res.* 1 de julio de 2015;43(Web Server issue):W460-6.
2. Li Y, Ge X, Peng F, Li W, Li JJ. Exaggerated false positives by popular differential expression methods when analyzing human population samples. *Genome Biol.* diciembre de 2022;23(1):79.
3. Pang Z, Chong J, Zhou G, de Lima Morais DA, Chang L, Barrette M, et al. MetaboAnalyst 5.0: narrowing the gap between raw spectra and functional insights. *Nucleic Acids Research.* 2 de julio de 2021;49(W1):W388-96.
4. Kanehisa M, Goto S. KEGG: Kyoto Encyclopedia of Genes and Genomes. *Nucleic Acids Research.* 1 de enero de 2000;28(1):27-30.
5. Ten-Doménech I, Moreno-Torres M, Castell JV, Quintás G, Kuligowski J. Extracting consistent biological information from functional results of metabolomic pathway analysis using the Mantel's test. *Anal Chim Acta.* 1 de diciembre de 2021;1187:339173.
6. Oliveros JC. Venny. An interactive tool for comparing lists with Venn's diagrams [Internet]. 2007. Disponible en: <https://bioinfogp.cnb.csic.es/tools/venny/index.html>
7. Qin G, Hotilovac L. Comparison of non-parametric confidence intervals for the area under the ROC curve of a continuous-scale diagnostic test. *Stat Methods Med Res.* 1 de abril de 2008;17(2):207-21.
8. Lau B. Confidence intervals for area under the receiver operating curve (AUC) [Internet]. GitHub. [citado 7 de abril de 2022]. Disponible en: <https://github.com/brian-lau/MatlabAUC>
9. Nuñez-Ramiro A, Benavente-Fernández I, Valverde E, Cordeiro M, Blanco D, Boix H, et al. Topiramate plus Cooling for Hypoxic-Ischemic Encephalopathy: A Randomized, Controlled, Multicenter, Double-Blinded Trial. *Neonatology.* 2019;116(1):76-84.
10. Shankaran S, Laptook AR, Ehrenkranz RA, Tyson JE, McDonald SA, Donovan EF, et al. Whole-body hypothermia for neonates with hypoxic-ischemic encephalopathy. *N Engl J Med.* 13 de octubre de 2005;353(15):1574-84.

Supplementary Material Table 4.

Meta-data and data obtained
from metabolomics and miRNA
analysis.

Sample Text	Time	Bayley outcome	Samat	MRI Score	pH	Base Excess	pCO ₂ (mmHg)	Lact (mmol/L)
1_0	0	mildly abnormal	3	0	7.2	NaN	NaN	NaN
1_24	24	mildly abnormal	3	0	7.2	NaN	NaN	NaN
1_48	48	mildly abnormal	3	0	7.2	NaN	NaN	NaN
1_72	72	mildly abnormal	3	0	7.2	NaN	NaN	NaN
2_24	24	NaN	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
2_48	48	NaN	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
2_72	72	NaN	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
3_0	0	NaN	2	2	6.89	-16	NaN	NaN
3_24	24	NaN	2	2	6.89	-16	NaN	NaN
3_48	48	NaN	2	2	6.89	-16	NaN	NaN
3_72	72	NaN	2	2	6.89	-16	NaN	NaN
4_0	0	mildly abnormal	2	1	7.23	-4.6	66	NaN
4_24	24	mildly abnormal	2	1	7.23	-4.6	66	NaN
4_48	48	mildly abnormal	2	1	7.23	-4.6	66	NaN
4_72	72	mildly abnormal	2	1	7.23	-4.6	66	NaN
5_0	0	NaN	2	1	7.19	NaN	NaN	NaN
5_24	24	NaN	2	1	7.19	NaN	NaN	NaN
5_48	48	NaN	2	1	7.19	NaN	NaN	NaN
5_72	72	NaN	2	1	7.19	NaN	NaN	NaN
6_24	24	normal	2	1	7.38	-15	16	NaN
6_48	48	normal	2	1	7.38	-15	16	NaN
6_72	72	normal	2	1	7.38	-15	16	NaN
7_24	24	moderately abnormal	2	2	7.34	NaN	NaN	NaN
7_48	48	moderately abnormal	2	2	7.34	NaN	NaN	NaN
7_72	72	moderately abnormal	2	2	7.34	NaN	NaN	NaN
8_24	24	normal	2	0	7.17	NaN	NaN	NaN
8_48	48	normal	2	0	7.17	NaN	NaN	NaN
8_72	72	normal	2	0	7.17	NaN	NaN	NaN
9_24	24	NaN	3	2	7.16	-4.6	76	NaN
9_48	48	NaN	3	2	7.16	-4.6	76	NaN
9_72	72	NaN	3	2	7.16	-4.6	76	NaN
10_0	0	severe	3	NaN	6.8	NaN	NaN	NaN
11_24	24	normal	2	0	6.82	NaN	NaN	NaN
11_48	48	normal	2	0	6.82	NaN	NaN	NaN
11_72	72	normal	2	0	6.82	NaN	NaN	NaN
12_24	24	severe	3	2	7.09	-12.5	NaN	NaN
12_48	48	severe	3	2	7.09	-12.5	NaN	NaN
12_72	72	severe	3	2	7.09	-12.5	NaN	NaN
13_24	24	mildly abnormal	2	0	7	NaN	NaN	NaN

13_48	48	mildly abnormal	2	0	7	NaN	NaN	NaN
13_72	72	mildly abnormal	2	0	7	NaN	NaN	NaN
15_24	24	normal	2	0	7.21	NaN	NaN	NaN
15_48	48	normal	2	0	7.21	NaN	NaN	NaN
16_24	24	normal	2	0	7.19	-11	47	NaN
16_48	48	normal	2	0	7.19	-11	47	NaN
16_72	72	normal	2	0	7.19	-11	47	NaN
17_24	24	severe	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
17_48	48	severe	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
17_72	72	severe	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
19_24	24	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
19_48	48	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
19_72	72	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
20_24	24	mildly abnormal	2	1	6.8	-22	79	13.6
20_48	48	mildly abnormal	2	1	6.8	-22	79	13.6
20_72	72	mildly abnormal	2	1	6.8	-22	79	13.6
31_0	0	mildly abnormal	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
31_24	24	mildly abnormal	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
31_48	48	mildly abnormal	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
31_72	72	mildly abnormal	3	2	NaN	NaN	NaN	NaN
32_0	0	normal	3	1	NaN	NaN	NaN	NaN
32_24	24	normal	3	1	NaN	NaN	NaN	NaN
32_48	48	normal	3	1	NaN	NaN	NaN	NaN
32_72	72	normal	3	1	NaN	NaN	NaN	NaN
33_0	0	severe	2	NaN	6.45	NaN	57.3	NaN
33_24	24	severe	2	NaN	6.45	NaN	57.3	NaN
34_0	0	moderately abnormal	3	0	6.8	NaN	NaN	NaN
34_24	24	moderately abnormal	3	0	6.8	NaN	NaN	NaN
34_48	48	moderately abnormal	3	0	6.8	NaN	NaN	NaN
34_72	72	moderately abnormal	3	0	6.8	NaN	NaN	NaN
35_0	0	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
35_24	24	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
35_48	48	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
35_72	72	normal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
36_0	0	severe	3	2	7.15	-6.7	62.1	6.6
36_24	24	severe	3	2	7.15	-6.7	62.1	6.6
36_48	48	severe	3	2	7.15	-6.7	62.1	6.6
36_72	72	severe	3	2	7.15	-6.7	62.1	6.6
37_0	0	severe	3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
37_24	24	severe	3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
38_0	0	severe	3	NaN	6.8	NaN	NaN	NaN
38_24	24	severe	3	NaN	6.8	NaN	NaN	NaN
38_48	48	severe	3	NaN	6.8	NaN	NaN	NaN
38_72	72	severe	3	NaN	6.8	NaN	NaN	NaN
40_0	0	normal	2	0	6.76	-24.2	97.5	NaN
40_24	24	normal	2	0	6.76	-24.2	97.5	NaN
40_48	48	normal	2	0	6.76	-24.2	97.5	NaN
40_72	72	normal	2	0	6.76	-24.2	97.5	NaN
41_0	0	normal	2	0	7.23	-11.3	39.3	NaN
41_24	24	normal	2	0	7.23	-11.3	39.3	NaN
41_48	48	normal	2	0	7.23	-11.3	39.3	NaN
41_72	72	normal	2	0	7.23	-11.3	39.3	NaN
42_0	0	moderately abnormal	NaN	2	6.8	NaN	102	12.4
42_24	24	moderately abnormal	NaN	2	6.8	NaN	102	12.4
42_48	48	moderately abnormal	NaN	2	6.8	NaN	102	12.4
42_72	72	moderately abnormal	NaN	2	6.8	NaN	102	12.4
43_0	0	normal	NaN	0	7.13	NaN	NaN	NaN

43_24	24	normal	NaN	0	7.13	NaN	NaN	NaN
43_48	48	normal	NaN	0	7.13	NaN	NaN	NaN
43_72	72	normal	NaN	0	7.13	NaN	NaN	NaN
51_0	0	severe	3	3	7.24	-6.8	4.5	4.5
51_24	24	severe	3	3	7.24	-6.8	4.5	4.5
51_48	48	severe	3	3	7.24	-6.8	4.5	4.5
51_72	72	severe	3	3	7.24	-6.8	4.5	4.5
52_0	0	mildly abnormal	3	0	6.93	-14.6	85	13.9
52_24	24	mildly abnormal	3	0	6.93	-14.6	85	13.9
52_48	48	mildly abnormal	3	0	6.93	-14.6	85	13.9
52_72	72	mildly abnormal	3	0	6.93	-14.6	85	13.9
53_0	0	normal	3	1	7.14	-7	69	8.8
53_24	24	normal	3	1	7.14	-7	69	8.8
53_48	48	normal	3	1	7.14	-7	69	8.8
53_72	72	normal	3	1	7.14	-7	69	8.8
54_0	0	normal	2	0	6.95	14	89	9.7
54_24	24	normal	2	0	6.95	14	89	9.7
54_48	48	normal	2	0	6.95	14	89	9.7
54_72	72	normal	2	0	6.95	14	89	9.7
55_0	0	NaN	NaN	3	6.91	-20.3	65	13.9
55_24	24	NaN	NaN	3	6.91	-20.3	65	13.9
55_48	48	NaN	NaN	3	6.91	-20.3	65	13.9
55_72	72	NaN	NaN	3	6.91	-20.3	65	13.9
56_0	0	mildly abnormal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
56_24	24	mildly abnormal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
56_48	48	mildly abnormal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
56_72	72	mildly abnormal	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
71_24	24	NaN	2	0	6.82	-25	56	19.3
71_48	48	NaN	2	0	6.82	-25	56	19.3
71_72	72	NaN	2	0	6.82	-25	56	19.3
72_0	0	severe	3	NaN	6.8	NaN	53	20
72_24	24	severe	3	NaN	6.8	NaN	53	20
72_48	48	severe	3	NaN	6.8	NaN	53	20
72_72	72	severe	3	NaN	6.8	NaN	53	20
73_0	0	NaN	2	1	6.8	NaN	NaN	20
73_24	24	NaN	2	1	6.8	NaN	NaN	20
73_48	48	NaN	2	1	6.8	NaN	NaN	20
73_72	72	NaN	2	1	6.8	NaN	NaN	20
74_0	0	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
74_24	24	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
74_48	48	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
74_72	72	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
75_24	24	NaN	2	0	6.95	NaN	NaN	12.9
75_48	48	NaN	2	0	6.95	NaN	NaN	12.9
75_72	72	NaN	2	0	6.95	NaN	NaN	12.9
91_0	0	normal	2	0	6.99	-14.8	79	10.1
91_24	24	normal	2	0	6.99	-14.8	79	10.1
91_48	48	normal	2	0	6.99	-14.8	79	10.1
91_72	72	normal	2	0	6.99	-14.8	79	10.1
92_0	0	normal	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
92_24	24	normal	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
92_72	72	normal	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
93_0	0	normal	2	0	6.84	-16.7	101	9.8
93_24	24	normal	2	0	6.84	-16.7	101	9.8
93_48	48	normal	2	0	6.84	-16.7	101	9.8
93_72	72	normal	2	0	6.84	-16.7	101	9.8
94_0	0	normal	NaN	0	7.1	-9	74	6

94_24	24	normal	NaN	0	7.1	-9	74	6
94_48	48	normal	NaN	0	7.1	-9	74	6
94_72	72	normal	NaN	0	7.1	-9	74	6
95_0	0	NaN	2	0	6.8	NaN	NaN	13.2
95_24	24	NaN	2	0	6.8	NaN	NaN	13.2
95_48	48	NaN	2	0	6.8	NaN	NaN	13.2
95_72	72	NaN	2	0	6.8	NaN	NaN	13.2
101_24	24	severe	2	3	6.92	NaN	NaN	NaN
101_48	48	severe	2	3	6.92	NaN	NaN	NaN
101_72	72	severe	2	3	6.92	NaN	NaN	NaN
102_24	24	severe	2	3	6.87	NaN	NaN	NaN
102_48	48	severe	2	3	6.87	NaN	NaN	NaN
102_72	72	severe	2	3	6.87	NaN	NaN	NaN
103_24	24	NaN	2	1	6.75	NaN	NaN	NaN
103_48	48	NaN	2	1	6.75	NaN	NaN	NaN
103_72	72	NaN	2	1	6.75	NaN	NaN	NaN
106_24	24	NaN	2	1	6.98	-12	89	NaN
106_48	48	NaN	2	1	6.98	-12	89	NaN
106_72	72	NaN	2	1	6.98	-12	89	NaN
120_48	48	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
121_48	48	NaN	2	0	6.87	-26.6	37	15.5
121_72	72	NaN	2	0	6.87	-26.6	37	15.5
122_24	24	NaN	2	0	6.91	-17.6	88	11
122_48	48	NaN	2	0	6.91	-17.6	88	11
122_72	72	NaN	2	0	6.91	-17.6	88	11
124_24	24	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
124_48	48	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
124_72	72	NaN	2	0	NaN	NaN	NaN	NaN
125_0	0	severe	3	2	6.83	-25	61	14.5
125_48	48	severe	3	2	6.83	-25	61	14.5
125_72	72	severe	3	2	6.83	-25	61	14.5
126_24	24	severe	3	2	6.8	NaN	61	16.3
126_48	48	severe	3	2	6.8	NaN	61	16.3
126_72	72	severe	3	2	6.8	NaN	61	16.3
127_0	0	NaN	3	0	7.27	-14	24	14.6
127_24	24	NaN	3	0	7.27	-14	24	14.6
127_48	48	NaN	3	0	7.27	-14	24	14.6
127_72	72	NaN	3	0	7.27	-14	24	14.6
128_0	0	severe	3	NaN	NaN	NaN	104	21
129_24	24	NaN	3	2	6.77	-26	68	15
129_48	48	NaN	3	2	6.77	-26	68	15
129_72	72	NaN	3	2	6.77	-26	68	15
141_0	0	normal	2	0	7	-14.3	46.9	7.4
141_24	24	normal	2	0	7	-14.3	46.9	7.4
141_48	48	normal	2	0	7	-14.3	46.9	7.4
141_72	72	normal	2	0	7	-14.3	46.9	7.4
143_0	0	normal	2	1	6.7	-16	149	17
143_24	24	normal	2	1	6.7	-16	149	17
143_48	48	normal	2	1	6.7	-16	149	17
143_72	72	normal	2	1	6.7	-16	149	17
144_0	0	normal	2	0	7.06	-11	77	NaN
144_24	24	normal	2	0	7.06	-11	77	NaN
144_48	48	normal	2	0	7.06	-11	77	NaN
144_72	72	normal	2	0	7.06	-11	77	NaN
145_0	0	severe	2	3	6.96	-27.5	26.5	19
145_24	24	severe	2	3	6.96	-27.5	26.5	19
145_48	48	severe	2	3	6.96	-27.5	26.5	19

145_72	72	severe	2	3	6.96	-27.5	26.5	19
146_0	0	normal	2	2	7	-11	75	13
146_24	24	normal	2	2	7	-11	75	13
146_48	48	normal	2	2	7	-11	75	13
146_72	72	normal	2	2	7	-11	75	13
147_0	0	normal	2	0	6.79	-23.9	68.7	14.2
147_24	24	normal	2	0	6.79	-23.9	68.7	14.2
147_48	48	normal	2	0	6.79	-23.9	68.7	14.2
147_72	72	normal	2	0	6.79	-23.9	68.7	14.2
148_0	0	normal	2	2	6.95	-19	65	NaN
148_24	24	normal	2	2	6.95	-19	65	NaN
148_48	48	normal	2	2	6.95	-19	65	NaN
148_72	72	normal	2	2	6.95	-19	65	NaN
149_0	0	normal	2	0	6.8	NaN	109	NaN
149_24	24	normal	2	0	6.8	NaN	109	NaN
149_48	48	normal	2	0	6.8	NaN	109	NaN
149_72	72	normal	2	0	6.8	NaN	109	NaN
150_0	0	mildly abnormal	2	2	7.16	-12	44	NaN
150_24	24	mildly abnormal	2	2	7.16	-12	44	NaN
151_0	0	NaN	2	NaN	6.96	-21.8	52.9	6.6
151_24	24	NaN	2	NaN	6.96	-21.8	52.9	6.6
151_48	48	NaN	2	NaN	6.96	-21.8	52.9	6.6
151_72	72	NaN	2	NaN	6.96	-21.8	52.9	6.6
152_0	0	NaN	3	0	6.9	-17.4	30	17.8
152_24	24	NaN	3	0	6.9	-17.4	30	17.8
152_48	48	NaN	3	0	6.9	-17.4	30	17.8
152_72	72	NaN	3	0	6.9	-17.4	30	17.8
153_0	0	NaN	2	2	6.8	-10	125	11
153_24	24	NaN	2	2	6.8	-10	125	11
153_48	48	NaN	2	2	6.8	-10	125	11
153_72	72	NaN	2	2	6.8	-10	125	11
154_0	0	NaN	2	1	6.9	NaN	NaN	20
154_24	24	NaN	2	1	6.9	NaN	NaN	20
154_48	48	NaN	2	1	6.9	NaN	NaN	20
154_72	72	NaN	2	1	6.9	NaN	NaN	20
155_0	0	severe	3	2	6.7	NaN	NaN	NaN
155_24	24	severe	3	2	6.7	NaN	NaN	NaN
156_0	0	severe	3	0	6.8	-22	114	17
156_24	24	severe	3	0	6.8	-22	114	17
156_48	48	severe	3	0	6.8	-22	114	17
156_72	72	severe	3	0	6.8	-22	114	17
157_0	0	NaN	2	1	6.9	-27	NaN	NaN
157_24	24	NaN	2	1	6.9	-27	NaN	NaN
157_48	48	NaN	2	1	6.9	-27	NaN	NaN
157_72	72	NaN	2	1	6.9	-27	NaN	NaN
158_0	0	NaN	3	0	6.9	NaN	NaN	20
158_24	24	NaN	3	0	6.9	NaN	NaN	20
158_48	48	NaN	3	0	6.9	NaN	NaN	20
158_72	72	NaN	3	0	6.9	NaN	NaN	20
159_0	0	NaN	2	1	6.9	-20	NaN	15
159_24	24	NaN	2	1	6.9	-20	NaN	15
159_48	48	NaN	2	1	6.9	-20	NaN	15
159_72	72	NaN	2	1	6.9	-20	NaN	15
160_0	0	NaN	3	1	6.8	-18	30	15.4
160_24	24	NaN	3	1	6.8	-18	30	15.4
160_48	48	NaN	3	1	6.8	-18	30	15.4
160_72	72	NaN	3	1	6.8	-18	30	15.4

161_24	24	normal	2	0	6.8	NaN	121	NaN
161_48	48	normal	2	0	6.8	NaN	121	NaN
161_72	72	normal	2	0	6.8	NaN	121	NaN
162_24	24	normal	2	0	7.14	-12	NaN	NaN
162_48	48	normal	2	0	7.14	-12	NaN	NaN
162_72	72	normal	2	0	7.14	-12	NaN	NaN
163_0h	0	NaN	2	0	6.82	-19	105	NaN
163_24	24	NaN	2	0	6.82	-19	105	NaN
163_48	48	NaN	2	0	6.82	-19	105	NaN
163_72	72	NaN	2	0	6.82	-19	105	NaN
164_24	24	normal	2	0	6.98	-17.7	61	NaN
164_48	48	normal	2	0	6.98	-17.7	61	NaN
164_72	72	normal	2	0	6.98	-17.7	61	NaN
165_48	48	severe	2	2	7.23	-7.2	49	NaN
166_0	0	normal	2	0	6.93	-13.9	97	NaN
166_24	24	normal	2	0	6.93	-13.9	97	NaN
166_48	48	normal	2	0	6.93	-13.9	97	NaN
166_72	72	normal	2	0	6.93	-13.9	97	NaN
171_24	24	NaN	2	0	7.06	NaN	NaN	NaN
171_48	48	NaN	2	0	7.06	NaN	NaN	NaN
171_72	72	NaN	2	0	7.06	NaN	NaN	NaN
172_72	72	NaN	2	2	NaN	NaN	NaN	NaN
173_24	24	NaN	2	0	7.08	-13.1	57	NaN
173_72	72	NaN	2	0	7.08	-13.1	57	NaN
174_24	24	severe	3	3	NaN	NaN	NaN	NaN
174_48	48	severe	3	3	NaN	NaN	NaN	NaN
174_72	72	severe	3	3	NaN	NaN	NaN	NaN
194_0	0	NaN	2	NaN	6.9	-23	19	13.6
194_24	24	NaN	2	NaN	6.9	-23	19	13.6
194_48	48	NaN	2	NaN	6.9	-23	19	13.6
194_72	72	NaN	2	NaN	6.9	-23	19	13.6
196_0	0	severe	2	3	6.82	-30.9	20	NaN
196_24	24	severe	2	3	6.82	-30.9	20	NaN
196_48	48	severe	2	3	6.82	-30.9	20	NaN
196_72	72	severe	2	3	6.82	-30.9	20	NaN
197_0	0	NaN	2	3	6.8	NaN	96	NaN
197_24	24	NaN	2	3	6.8	NaN	96	NaN
197_72	72	NaN	2	3	6.8	NaN	96	NaN
199_0	0	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
199_24	24	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
199_48	48	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
199_72	72	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl01	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl02	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl03	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl04	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl05	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl06	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl07	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl08	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl09	0	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl10	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl11	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl12	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl13	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl14	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl15	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

Ctrl16	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl17	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl18	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl19	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl20	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl21	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl22	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl23	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl24	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl25	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl26	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl27	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl28	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl29	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl30	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl31	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl32	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl33	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl34	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl35	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl36	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl37	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl38	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl39	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl40	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl41	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl42	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl43	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl44	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl45	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl46	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl47	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl48	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
Ctrl49	48	Ctrl	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

HCO3 (mEq/L)							
	ADIONE [nM]	CCONE [nM]	CORT [nM]	11DECOL [nM]	DHEAS [nM]	PROG [nM]	17OH prog [nM]
NaN	22.80857143	18.87857143	330.4307143	4.039285714	40793.56071	174.8121429	15.69642857
NaN	10.73571429	3.375	47.45357143	4.339285714	6664.275	61.53214286	8.432142857
NaN	19.75714286	18.61071429	376.6714286	7.660714286	11869.06071	53.81785714	8.325
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	3.728571429	3.375	16.75446429	4.489285714	2968.2	33.21428571	4.789285714
NaN	2.967857143	3.375	16.75446429	3.632142857	1977.085714	10.70357143	3.010714286
NaN	11.43214286	13.22142857	593.5928571	8.185714286	26304.51429	339.2571429	58.71428571
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	1.205357143	3.375	16.75446429	1.960714286	2113.896429	74.79642857	7.8
NaN	1.205357143	3.375	16.75446429	3.760714286	5283.814286	87.94285714	4.875
27.2	13.49142857	5.781428571	122.1557143	2.537142857	38203.76571	177.7457143	13.26857143
27.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
27.2	9.894642857	0.84375	4.188616071	3.833035714	3829.017857	34.70625	11.30357143
27.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	18.75	127.2214286	850.8428571	10.01785714	67363.65	372.525	37.65
NaN	1.205357143	3.375	16.75446429	2.421428571	10623.87857	62.81785714	7.907142857
NaN	1.93125	0.84375	4.188616071	2.541964286	3127.108929	43.53482143	6.305357143
NaN	1.205357143	3.375	16.75446429	4.35	2408.775	10.55357143	5.635714286
9.3	1.623214286	1.6875	45.13392857	0.482142857	3231.016071	27.44464286	1.944642857
9.3	1.095535714	0.84375	22.97678571	1.025892857	1875.120536	15.4875	1.617857143
9.3	0.803571429	2.25	11.16964286	2.171428571	900.4214286	16.41428571	0.991071429
NaN	4.835714286	0.75	63.15952381	2.423809524	2769.42381	71.18571429	4.147619048
NaN	6.723214286	0.84375	39.675	1.663392857	3677.488393	24.32678571	1.727678571
NaN	3.032142857	3.375	16.75446429	0.964285714	1582.242857	14.15357143	1.486607143
NaN	6.707142857	3.375	144.6107143	0.964285714	8803.917857	84.375	9.15
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	4.073571429	0.675	3.350892857	1.862142857	1477.647857	94.65857143	2.34
26.3	7.737857143	3.608571429	190.6392857	6.327857143	7669.502143	138.5592857	22.58785714
26.3	9.115178571	2.504464286	35.54464286	5.279464286	4446.707143	59.89017857	10.04196429
26.3	13.55571429	2.295	38.17071429	8.445	4033.249286	61.77	12.48857143
NaN	8.112857143	21.08785714	799.6735714	2.496428571	15645.71357	47.81571429	8.402142857
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	4.532142857	16.97946429	368.7107143	1.974107143	8592.353571	41.35982143	2.26875
NaN	2.627142857	0.675	37.56642857	1.579285714	4052.267143	27.95142857	1.467857143
NaN	7.084821429	1.9875	22.89375	1.438392857	8562.407143	36.25446429	5.15625
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	8.513571429	0.675	18.67071429	3.593571429	3613.045714	258.1392857	11.685

NaN	8.410714286	22.60446429	382.8883929	2.742857143	13847.54732	176.5258929	6.838392857
NaN	4.23	0.675	10.635	4.02	1752.265714	79.53428571	3.762857143
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	8.220535714	0.84375	95.92767857	5.670535714	2336.169643	27.81964286	12.23839286
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	2.177678571	6.905357143	274.1035714	2.027678571	1944.35625	25.02857143	2.204464286
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	3.235714286	5.64	87.84	6.437142857	2208.848571	37.89857143	3.222857143
NaN	2.25	8.371428571	159.0785714	2.985714286	1458.085714	16.15	2.042857143
NaN	3.467142857	1.35	122.6828571	2.884285714	9011.305714	213.5657143	10.11
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.4	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.4	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.4	30.26785714	1.875	76.81714286	7.759285714	10739.39786	64.22571429	21.41357143
NaN	16.97142857	141.45	2348.785714	16.05	17973.12857	154.9285714	38.94642857
NaN	1.676785714	24.60535714	484.2535714	4.901785714	2411.689286	22.84285714	9.391071429
NaN	0.520714286	0.675	11.52642857	11.34642857	1210.780714	19.93071429	10.26857143
NaN	1.205357143	3.375	16.75446429	10.26428571	801.1714286	3.203571429	3.696428571
NaN	28.97571429	269.3957143	1770.45	2.25	65915.08929	118.8664286	9.492857143
NaN	15.47142857	73.31428571	3696.55	4.985714286	9526.435714	128.7214286	11.12142857
NaN	7.101428571	62.55428571	1699.551429	5.987142857	5209.671429	89.19428571	5.935714286
NaN	4.092857143	90.35571429	1273.517143	3.445714286	3656.477143	32.43857143	2.708571429
3.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	10.58571429	3.375	48.24642857	0.964285714	5736.546429	12.91071429	1.486607143
NaN	8.22	5.798571429	136.7914286	1.902857143	6887.935714	26.88	4.782857143
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	10.26696429	0.84375	8.954464286	9.827678571	7304.71875	270.4741071	25.06071429
NaN	3.647142857	0.675	10.275	9.248571429	4183.71	80.76428571	10.365
NaN	2.382857143	0.675	11.91214286	4.307142857	3294.216429	31.47	5.048571429
18.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	5.989285714	101.8392857	1902.326786	3.289285714	11880.70714	63.075	12.34285714
NaN	2.633333333	3.919047619	137.2142857	5.65952381	1285.480952	88.07142857	11.36904762
NaN	53.06785714	396.6964286	5473.489286	16.84285714	113513.2929	148.5428571	35.23928571
NaN	6.981428571	30.81428571	760.6371429	7.212857143	6855.334286	40.82785714	14.93357143
NaN	3.865714286	1.35	128.5371429	8.82	3012.634286	44.76	8.652857143
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	25.95238095	225.7809524	1144.490476	8.683333333	31.25	767.6761905	63.42619048
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	15.32785714	116.7	1313.856429	2.652857143	28.125	235.6628571	19.51071429
16	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
23	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
23	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
23	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
23	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.5	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.5	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.5	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.5	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	35.42142857	24.10714286	1043.935714	1.928571429	62150.42143	176.9785714	21.06428571
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	10.0547619	2.421428571	80.09285714	2.116666667	1654.045238	210.1380952	13.14047619
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.9	1.288392857	4.074107143	27.28125	2.697321429	4285.108929	54.35892857	5.038392857
9.9	0.602678571	1.6875	8.377232143	2.769642857	1341.294643	25.82678571	2.641071429
9.9	1.14	0.675	8.742857143	4.062857143	809.3421429	35.73214286	4.125
NaN	2.642857143	5.757142857	810.5428571	0.642857143	5301.514286	65.37142857	4.328571429
NaN	1.469047619	6.769047619	570.952381	0.614285714	7254.995238	31.5047619	1.621428571
NaN	3.278571429	67.68214286	1316.935714	0.964285714	9351.889286	10.97142857	1.486607143
17.2	3.642857143	7.757142857	470.25	0.964285714	6839.646429	60.70714286	4.510714286
17.2	2.630357143	0.84375	4.188616071	2.059821429	3218.791071	100.6607143	2.991964286
17.2	0.602678571	1.6875	8.377232143	1.4625	919.4571429	10.75178571	0.743303571
17.2	0.482142857	6.312857143	30.09857143	2.207142857	1671.707143	10.75285714	0.594642857
14.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

14.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	33.97071429	67.45071429	1045.847143	6.805714286	28.125	238.6542857	27.04071429
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.8	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.8	0.803571429	2.25	11.16964286	5.728571429	423.9214286	25.81428571	2.05
10.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.1	11.775	50.30357143	818.5285714	5.164285714	11637.86786	31.24285714	19.62857143
10.1	7.772142857	2.065714286	11.76642857	6.942857143	1646.916429	31.00928571	15.20785714
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	1.510714286	3.190714286	18.90857143	6.368571429	1307.115	31.76357143	6.561428571
NaN	0.803571429	40.04285714	231.4571429	5.885714286	4857.378571	23.27142857	4.064285714
10.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.2	0.301339286	0.84375	4.188616071	3.825	129.0669643	12.66696429	0.371651786
NaN	7.371428571	2.25	11.16964286	0.642857143	1231.15	88.83571429	4.814285714
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	11.415	39.79071429	909.6257143	1.253571429	9332.121429	20.42142857	2.888571429
11.3	29.64642857	453.24	1188.085714	10.25571429	44089.50643	707.0014286	48.195
11.3	3.308571429	1.35	15.13714286	2.948571429	1025.554286	94.07142857	4.285714286
11.3	4.493571429	2.207142857	46.78714286	5.477142857	7360.521429	104.7171429	5.042142857
11.3	7.688571429	5.243571429	218.5178571	8.412857143	12944.79643	117.8571429	10.51714286
NaN	11.20714286	370.44375	1060.751786	14.73482143	12323.175	229.9848214	17.52589286
10.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.1	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	10.15714286	166.2428571	1294.05	1.928571429	13489.99286	264	9.257142857
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.2	2.839285714	1.125	24.53214286	4.95	1578.4	63.15357143	6.217857143
18.2	1.761428571	0.675	9.758571429	5.025	1115.835	27.01071429	3.602142857
18.2	3.177857143	0.675	32.48357143	5.228571429	2833.390714	18.83357143	4.527857143
21	28.65	92.29821429	2090.533929	7.639285714	21897.15536	186.6428571	34.76785714
21	10.93928571	3.227678571	37.61785714	11.4375	4988.817857	123.7607143	24.47410714
21	6.557142857	4.774285714	96.13714286	12.37071429	3385.632857	65.77071429	6.370714286
21	6.700714286	17.85	321.3171429	6.147857143	2252.106429	32.59714286	4.733571429
5.7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

5.7	1.772142857	0.675	28.58785714	3.962142857	2080.039286	21.465	3.503571429
19	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
19	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
19	6.970714286	1.463571429	17.55214286	7.116428571	6614.650714	251.5585714	10.98428571
19	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.7	8.712857143	449.7685714	2072.018571	10.47	5661.184286	284.3892857	32.23285714
10.7	3.098571429	18.92357143	495.4392857	6.784285714	4970.764286	93.34071429	9.670714286
10.7	3.460714286	9.203571429	66.45214286	7.225714286	969.4092857	37.76571429	10.99714286
10.7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.3	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	2.316428571	3.66	22.26642857	1.939285714	2671.547143	114.7285714	5.967857143
11.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.2	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.9	10.59375	19.8375	995.5473214	6.05625	4789.532143	31.61785714	18.56517857
9.9	2.631428571	0.675	28.06071429	8.884285714	4383.222857	12.36857143	3.677142857
9.9	7.902857143	0.675	24.42428571	12.33428571	8446.716429	14.67214286	8.042142857
9.9	3.756428571	0.675	8.672142857	12.15428571	4222.309286	7.600714286	3.75
22	37.08214286	109.7785714	822.2785714	10.54285714	12813.42857	565.6392857	74.56071429
22	2.067857143	0.84375	10.24285714	2.863392857	2022.09375	178.85625	6.053571429
22	1.144285714	2.987142857	40.09714286	4.112142857	1937.515714	69.84	3.66
22	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	5.417142857	3.323571429	40.215	2.835	13874.41071	10.39714286	9.171428571
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	22.65214286	4.639285714	45.52071429	2.691428571	5321.740714	57.65571429	8.678571429
7	10.98428571	0.675	9.171428571	1.512857143	1209.852857	36.03857143	8.462142857
6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12	13.05642857	1.954285714	180.7992857	3.84	11855.88857	209.4664286	6.906428571
12	5.417142857	0.675	27.54214286	2.187857143	1590.966429	58.52142857	2.882142857
12	5.536607143	0.84375	43.78392857	3.859821429	2276.335714	55.44910714	3.383035714
10	60.47142857	150.3803571	2920.575	6.803571429	57745.93929	253.0767857	18.46071429
10	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10	5.147142857	2.042142857	32.4	5.140714286	2256.647143	28.75285714	5.702142857

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
20	2.410714286	6.75	33.50892857	1.928571429	8607.621429	34.65	2.973214286
20	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
20	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
20	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	9.387857143	0.675	10.68857143	2.796428571	25872.40071	127.8385714	7.542857143
NaN	10.77642857	0.675	3.350892857	2.706428571	24255.79929	62.70642857	6.473571429
NaN	12.165	10.43357143	37.98857143	4.204285714	30081.48857	27.705	8.826428571
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16.9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9	2.410714286	6.75	197.8928571	1.928571429	5059.371429	36.83571429	2.973214286
9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3	3.249107143	10.60178571	738.8142857	6.39375	7468.001786	97.71964286	15.95089286
3	2.410714286	6.75	33.50892857	12.3	3265.414286	92.12142857	11.65714286
3	1.365	0.675	6.833571429	8.725714286	3326.779286	100.7871429	4.975714286
3	6.855	4.868571429	214.6671429	3.940714286	9563.952857	32.39357143	3.066428571
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	2.932142857	1.125	91.62857143	3.467857143	11058.44286	82.22857143	20.82142857
NaN	1.881428571	273.7564286	1171.240714	7.86	3781.339286	24.72214286	7.11
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	7.105714286	18.93	307.4807143	30.21	8504.093571	3341.001429	201.45
NaN	1.240714286	6.799285714	80.51142857	18.70071429	2409.520714	3342.280714	153.4478571
NaN	2.772857143	46.57285714	193.8814286	18.27857143	1351.877143	5576.267143	106.17
NaN	6.93	13.53214286	256.6414286	16.62642857	26009.56071	4530.072857	240.0707143
NaN	4.245	16.01142857	111.1028571	14.39357143	2203.986429	2152.855714	54.71357143
NaN	2.828571429	7.652142857	255.6321429	8.237142857	13334.26071	1671.454286	41.65285714
NaN	2.650714286	26.10857143	435.3128571	15.53142857	4263.880714	6441.229286	238.8728571
NaN	4.838571429	3.422142857	51.49714286	8.314285714	2244.366429	3604.403571	55.21714286
NaN	3.336428571	12.89571429	253.1357143	21.15	8418.201429	3263.425714	127.1485714
NaN	2.653571429	20.28571429	353.5964286	23.36785714	4043.825	5196.921429	147.7035714
NaN	4.967142857	3.042857143	39.555	7.161428571	5434.547143	1904.734286	53.38714286
NaN	4.107857143	3.790714286	104.1364286	11.95714286	6285.608571	2366.642143	81.41571429
NaN	2.357142857	3.650892857	77.1375	12.71517857	2873.225893	2729.161607	74.78839286
NaN	5.303571429	17.26875	361.7035714	22.09017857	4364.215179	5501.94375	168.4633929
NaN	5.599285714	18.54857143	198.3664286	33.495	10995.74571	4853.198571	233.4064286

[illegible]

TESTO [nM]	Choline [µM]	Betaine [µM]	Cytidine [µM]	Uridine [µM]	Hypoxanthine [µM]	Xanthine [µM]	Lactic Acid [µM]	Anthranilic acid [µM]
11.46214286	110.30901	109.18257	0.042	4.28946	9.73161	11.77764	5348.37471	0.925568
3.675	48.06039	116.93661	0.042	0.67326	1.5855	2.72454	3092.81091	0.136256
5.732142857	24.9984	55.26423	0.042	1.01619	1.96203	6.56586	1517.46126	0.163008
NaN	13.44315	27.5121	0.042	1.91751	4.37472	8.44431	1050.46452	NaN
NaN	35.48559	52.4853	0.042	2.90913	12.26442	5.48814	1778.5698	NaN
0.482142857	22.30242	30.86097	0.042	1.86186	5.72586	3.68865	1332.1749	NaN
0.482142857	23.71425	28.22967	0.042	1.85598	7.08015	4.73949	1159.84344	0.076704
6.696428571	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	47.24958	53.01282	0.042	3.02568	4.80774	4.47069	1849.92234	NaN
1.135714286	27.41676	42.26376	0.042	2.40114	5.71704	4.82622	1451.05002	0.179952
2.067857143	15.19476	22.23333	0.042	1.37592	5.46672	3.71847	1033.54146	NaN
25.40142857	56.09163	92.03292	0.042	4.14666	12.22158	5.34849	4157.42754	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
27.21160714	16.90038	58.87812	0.042	1.14534	8.5533	5.2836	370.33017	0.084384
NaN	15.76785	38.21517	0.042	1.34463	6.57447	5.69268	677.05974	0.193952
28.75714286	72.25281	47.15403	0.042	2.95008	7.04655	4.44339	1485.31719	NaN
11.15357143	30.12681	52.3824	0.042	1.28499	6.76851	4.22373	741.36153	0.100656
8.453571429	13.13088	25.89951	0.042	2.62143	15.79011	5.5671	506.03826	0.208688
7.489285714	8.1228	16.6152	0.042	1.71192	5.20422	1.34988	464.85411	0.188752
0.803571429	27.57153	52.13922	0.042	1.57584	5.21976	3.72582	2388.11643	0.039344
0.31875	13.70628	18.49701	0.57498	1.85388	8.26518	5.26911	1839.11217	0.068208
0.321428571	14.36673	20.49201	0.042	1.79109	5.26407	3.62355	1628.67579	NaN
0.107142857	32.82825	26.69898	0.042	1.9992	14.66094	2.72895	2050.15902	NaN
0.340178571	21.95697	26.52678	0.042	1.34652	8.23032	2.37867	1329.47388	NaN
0.482142857	19.08858	12.72516	0.042	2.86083	7.69314	1.79928	1619.15859	NaN
0.482142857	50.92374	65.85726	0.042	3.45156	12.60798	3.29448	3262.32732	0.259424
NaN	20.77278	38.96235	0.042	2.76234	9.82401	2.79426	1975.06554	NaN
0.454285714	15.07527	24.26382	0.042	2.07921	5.99844	1.69239	1143.1665	NaN
8.933571429	33.82323	53.95488	0.042	1.40154	7.27671	3.36147	3724.67214	NaN
4.939285714	16.50474	25.28484	0.042	2.07774	7.22484	1.95237	1457.03082	0.098976
15.33214286	30.47541	29.10138	0.042	1.07352	9.89142	2.36334	851.48658	0.112928
2.807142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0.498214286	23.01432	30.26877	0.042	1.12035	3.69999	1.52082	997.56342	0.089488
0.426428571	30.43572	25.14414	0.042	1.75266	5.42766	2.05863	1917.03099	NaN
3.886607143	32.35701	50.18853	0.042	1.4973	5.84619	3.61956	2077.92375	0.180704
NaN	17.34201	23.625	0.042	1.09158	4.032	1.90071	1452.81696	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.116496
7.482857143	33.20499	35.42553	0.042	1.14786	4.75335	2.68653	2686.34646	0.202176

8.80625	9.91368	15.64542	0.042	1.42359	5.4138	1.66761	1769.02551	0.144096
3.079285714	10.13418	11.00904	0.06846	1.83792	3.64686	1.53531	1656.14841	NaN
NaN	27.10071	51.6747	0.042	1.3881	6.84033	4.1475	2118.16269	NaN
10.39821429	16.67085	19.14129	0.042	1.1487	5.98542	3.2655	1248.95925	0.326656
NaN	12.60966	20.5422	0.042	1.80663	75.34506	3.99882	1241.85474	NaN
NaN	10.46451	19.60455	0.042	1.44648	13.11912	4.57716	1081.01049	NaN
0.302678571	8.91093	15.96273	0.042	1.08885	4.69455	5.44866	891.28914	0.158736
NaN	70.99428	79.9659	0.042	2.32701	7.50351	7.87395	1267.57323	NaN
5.554285714	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.163792
5.578571429	15.83736	22.84044	0.042	3.24198	13.96689	8.7087	861.67914	0.15352
7.847142857	39.93339	55.82493	0.45507	6.23406	49.2786	6.80757	4203.32766	NaN
NaN	12.06303	27.5457	0.042	1.66299	4.64961	5.87202	1217.2293	NaN
NaN	9.25281	16.6509	0.042	2.03196	8.51487	7.08876	1011.86169	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
25.71	26.691	32.12538	0.042	1.34526	6.19269	5.31909	1069.48191	0.258416
0.482142857	45.11619	46.71198	0.042	3.43602	7.37247	5.38944	3717.55839	NaN
0.241071429	48.64839	63.37695	0.042	6.69522	14.36631	6.9867	3573.56559	NaN
0.096428571	11.95467	28.20363	0.08946	1.1739	5.02131	2.57187	2650.66557	0.144384
0.482142857	14.10465	20.87904	0.042	1.02606	3.62586	2.22705	1585.65036	0.512544
3.010714286	87.29028	88.42617	0.11529	6.08538	37.11393	89.55093	6809.51649	0.65584
0.864285714	62.25156	176.33553	0.042	2.6124	1.5855	2.75352	5187.27174	0.607584
0.582857143	59.49069	238.09758	0.042	1.22472	1.5855	3.12165	5812.30251	0.452192
0.192857143	30.44433	258.64692	0.042	1.60986	1.5855	4.17732	4268.83548	0.070496
NaN	53.59137	97.1208	0.07833	4.23528	163.53036	29.25342	6963.16824	NaN
NaN	19.35843	85.43451	0.042	1.28184	2.62185	6.05997	2687.85426	NaN
NaN	59.16309	145.93635	0.042	6.8502	1.5855	4.50408	12000.97122	NaN
NaN	41.30385	95.76336	0.1071	2.33961	51.23916	13.10589	3106.20954	NaN
0.482142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1.122857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.041664
NaN	62.42691	172.1244	0.042	2.90871	3.09813	8.85948	2871.29283	NaN
0.908035714	48.78447	157.45968	0.042	2.01621	7.2471	5.98941	1290.18855	0.056256
0.717857143	10.75242	80.32395	0.042	1.1886	7.76433	5.85564	259.19229	0.344512
0.381428571	2.10987	27.83403	0.042	0.64218	2.59812	5.38671	194.28738	0.223808
NaN	72.88743	56.12334	0.042	4.61643	20.0781	42.19656	5547.35328	0.2288
NaN	15.28464	71.61525	0.042	1.93305	2.47758	8.92941	3914.58627	NaN
NaN	23.65083	65.51307	0.042	3.9585	2.74932	8.12616	1210.11408	0.279968
NaN	11.88474	44.2848	0.042	1.65081	3.26529	6.06018	672.4347	0.033408
0.241071429	69.59757	118.44462	0.16065	8.9187	155.64507	79.29033	8955.99705	NaN
1.326190476	55.76277	107.41647	0.08253	2.11428	7.84686	9.30405	6060.02061	0.114048
11.21785714	39.64296	61.15725	0.042	0.85323	6.77628	4.93479	4536.57225	0.083456
2.359285714	36.50892	66.99063	0.042	2.59665	12.15816	6.98922	2205.96201	0.429216
3.972857143	11.86563	31.28832	0.042	2.3961	9.4038	8.55099	1649.60817	0.440992
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21.26666667	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.013571429	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	42.81291	51.05499	0.042	2.8014	22.0059	8.09319	4168.22343	NaN
NaN	18.81327	41.78706	0.042	4.3029	17.34327	11.96601	2026.22826	NaN
NaN	15.75147	38.74437	0.042	2.43264	7.04676	12.33582	1719.90084	0.292704
NaN	11.57667	26.78109	0.042	2.50698	12.58047	10.89291	1556.81064	0.003
NaN	50.75511	92.59656	0.042	2.15565	11.4177	11.28456	3395.85351	NaN
NaN	16.85523	65.79405	0.07308	0.93996	8.66607	7.01841	1995.18438	0.067904
NaN	10.07454	31.71945	0.042	1.15206	11.29506	6.80757	1991.12445	0.1104
NaN	4.61496	19.48884	0.042	1.19511	7.93149	8.36598	999.19218	0.189248
NaN	52.64343	140.91147	0.042	4.63071	20.66379	31.89459	9623.86383	NaN
NaN	28.14252	113.7129	0.042	2.94924	14.42385	11.28687	1712.01177	NaN
NaN	4.41231	30.58356	0.042	1.56954	22.03782	6.79203	339.35916	NaN
NaN	6.43797	23.38266	0.54327	4.3134	19.56402	9.09006	501.2763	0.130624
NaN	74.79192	88.8132	0.042	2.18148	5.49654	4.34805	4310.13786	0.056512
NaN	50.02494	78.13554	0.042	5.75925	11.03991	7.10304	1672.53744	0.049472
NaN	44.0517	84.93765	0.042	3.84783	6.69963	3.51981	971.51124	0.081088
NaN	22.70142	50.60958	0.11319	2.67561	16.842	3.7863	355.96092	0.100288
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.35	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	33.054	40.2717	0.35973	5.41002	51.70347	3.70902	2898.93828	NaN
NaN	25.24935	27.1929	0.042	4.89363	11.90847	3.81066	913.74066	NaN
NaN	22.81314	23.46267	0.042	4.44276	8.29479	2.99019	372.19329	NaN
NaN	103.54491	150.6582	0.042	3.54984	9.67386	8.97666	5719.28805	NaN
NaN	56.29596	107.08404	0.042	4.95684	13.93077	6.14355	5610.10149	NaN
NaN	37.14312	92.64297	0.042	6.39429	7.7364	6.71181	2665.57977	NaN
NaN	23.84697	63.02184	0.042	6.03519	9.09741	6.25149	2073.76596	NaN
NaN	147.76083	137.04306	0.3213	6.0963	63.89103	11.99268	7001.15829	NaN
NaN	68.3655	115.74591	0.16065	17.12046	168.04872	12.95574	4480.63287	NaN
NaN	40.07724	103.22046	0.042	5.61183	11.52375	7.05474	4585.23618	NaN
NaN	24.06285	65.90955	0.042	6.44154	8.50143	4.7439	2336.90436	NaN
14.94047619	51.39078	76.27074	0.042	2.19828	1.5855	4.3428	6142.2795	NaN
	36.46461	41.73918	0.042	5.07003	20.97522	4.75734	2889.58152	NaN
	47.47995	36.13617	0.042	12.07752	107.55822	6.44595	5602.56396	NaN
	23.90871	24.26991	0.06951	4.09038	10.39395	4.06497	1677.07806	NaN
NaN	24.67542	33.9108	0.042	1.8627	10.64469	2.14998	1040.69154	NaN
NaN	15.03348	43.69176	0.042	2.25792	8.98863	2.2155	2768.71224	NaN
NaN	9.00375	17.41488	0.042	1.95258	6.89997	2.27724	1177.02396	NaN
NaN	106.05399	133.84035	0.042	3.63762	25.63302	21.19782	8165.79036	NaN
0.120535714	43.48806	125.10561	0.042	1.89609	3.89928	5.78298	1462.73736	0.068896
0.241071429	34.44357	65.21886	0.042	3.58533	10.53045	6.07635	996.66105	0.035648
0.096428571	20.14866	54.81693	0.042	1.61721	8.72235	5.89449	617.2971	0.085376
0.321428571	41.69277	57.42744	0.10185	4.99842	18.89181	11.77407	2419.82601	0.023072
0.292857143	26.73783	42.55083	0.12726	4.49358	51.1455	5.70822	1373.33154	0.274464
0.482142857	38.20257	33.34842	0.042	3.64245	6.40311	4.07421	1075.90707	0.035168
0.482142857	89.7519	92.47707	0.042	4.66179	8.81349	8.27001	4100.23509	0.0944
0.704464286	54.94839	63.56868	0.042	3.66366	7.83972	7.5159	2391.69378	0.0344
0.241071429	31.12557	44.36775	0.042	2.91774	10.48593	5.38398	1407.25221	0.042688
0.192857143	11.12706	21.50505	0.06741	2.1525	10.13964	5.08137	521.32353	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN

	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.615	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	19.3599	26.89911	0.12264	3.63804	10.96158	3.71322	2909.70624
	NaN	55.88352	50.41512	0.13293	2.37006	63.39018	2.60421	3443.10015
	NaN	16.64271	23.68359	0.042	2.85768	8.09382	2.31525	3237.88416
	NaN	54.6672	80.20404	0.042	1.76673	1.5855	4.98687	5490.33618
	NaN	32.40048	57.77961	0.042	1.60944	4.0698	5.99466	2337.44742
	NaN	14.26635	46.01709	0.042	1.23648	3.77454	9.54828	1531.95693
	NaN	42.31395	73.13124	0.042	3.10086	12.05967	3.14223	8469.85377
	NaN	34.17036	98.83923	0.12642	4.05678	21.45108	3.19704	7082.30019
	NaN	18.21288	95.44038	0.042	2.80644	15.35331	4.14666	3964.38105
	NaN	25.80144	44.25141	0.042	1.65963	6.39828	3.26403	1818.39462
	NaN	13.01937	31.06551	0.042	0.78519	3.29133	3.67941	1479.64782
	NaN	6.34116	16.45623	0.042	0.63189	3.77874	6.96612	745.73499
	NaN	39.29436	34.68633	0.042	1.3755	8.16312	5.71788	1602.81534
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0.321428571	39.63225	44.01012	0.042	4.92597	22.46769	6.41319	3269.43624	0.021488
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
23.50714286	34.66491	50.02284	0.042	4.77876	71.49345	8.68707	7976.84412	0.060656
28.28785714	34.14243	45.28335	0.17367	10.10457	313.5678	11.74194	4765.28493	0.033968
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1.116428571	12.15438	25.65507	0.042	2.99208	16.95666	7.45605	1129.68891	0.046496
0.321428571	16.91676	26.1765	0.042	1.08864	4.32411	7.25949	1508.99952	0.043088
	NaN	83.44077	56.18529	0.042	4.49421	7.82565	15.42471	6476.28261
	NaN	65.37132	47.11791	0.07791	12.61092	150.30981	14.22204	2947.33992
0.120535714	17.47473	15.68889	0.042	1.85346	4.66914	4.8384	1275.76386	0.01184
32.30714286	29.5911	53.16297	0.042	3.71532	15.8025	6.61248	4748.79531	0.03144
	NaN	77.03619	80.53584	0.042	4.22541	408.01845	6.20592	5205.41406
	13.68	25.66851	29.17656	0.042	1.2999	6.00033	9.67638	2924.13828
3.657857143	180.28248	68.76933	0.33117	13.46772	83.38092	62.118	14775.47673	0.146384
8.605714286	92.883	161.89572	0.042	3.51645	4.8489	14.38815	4451.51448	NaN
7.234285714	73.02288	226.26219	0.11214	11.00337	67.00386	21.8904	7226.84025	0.051408
6.008571429	36.16935	171.97404	0.042	1.39356	4.29639	8.5995	3610.16754	0.131136
10.32053571	118.10925	83.64825	0.042	8.48736	37.89723	85.40637	10739.62932	0.046816
	NaN	44.87091	43.26399	0.17745	2.76486	162.51501	3.67584	2844.89646
	NaN	54.77304	64.09053	0.042	4.31907	212.14326	8.59299	3074.49828
	NaN	31.32255	29.93571	0.042	3.41481	238.25781	8.6037	1956.68361
3.085714286	132.88506	69.3126	0.042	4.93416	73.65267	18.21456	6894.92412	NaN
	NaN	36.75189	71.07282	0.042	2.59539	9.71691	7.46613	3187.05891
	NaN	91.04088	52.24842	0.042	8.0997	98.89467	8.74671	4106.80683
	NaN	38.19249	21.47838	0.11676	5.47323	12.22578	8.00478	2350.55016
	NaN	92.00373	62.80659	0.14889	14.92743	198.92292	19.47057	7196.88564
0.360714286	31.00335	40.41639	0.042	1.84968	5.04105	3.29553	3267.99186	0.009712
	0.255	21.6762	25.44486	0.042	2.2092	7.19229	7.54845	829.30071
0.096428571	12.45195	16.72608	0.07791	2.10105	5.13891	10.9221	1231.50363	0.029696
5.121428571	47.08053	46.54503	0.042	2.65314	12.04371	8.17488	7711.1097	0.025824
8.330357143	42.83055	62.1012	0.042	2.352	6.15888	6.2517	4176.8601	NaN
12.41785714	23.74344	34.43622	0.042	1.40196	6.74646	6.4323	2528.63604	0.047376
7.592142857	24.2613	22.53783	0.042	1.84947	5.65488	10.61382	4391.42172	0.062608
	NaN	67.75419	68.11182	0.14259	5.48583	26.0505	6.01839	6094.80921
	NaN	47.47806	128.11533	0.042	2.4255	9.49599	4.34805	3195.32052
	NaN	19.99494	49.08666	0.042	1.41624	4.08198	4.77015	1914.41355

1.262142857	10.49475	25.8552	0.042	0.73479	1.78878	4.54965	1195.52034	0.052864
NaN	132.99951	69.49173	0.042	3.0891	1.61217	6.9951	12108.26904	0.050896
NaN	78.10509	193.78191	0.042	5.07885	8.74881	16.93419	7191.04323	0.14712
0.550714286	51.93762	192.36861	0.11844	7.10283	14.11662	28.26096	6248.09178	0.082736
NaN	30.83997	161.75229	0.042	0.72807	2.45154	13.85559	5041.68924	0.041424
8.267142857	73.87863	74.33454	0.042	6.55767	1.5855	4.3344	14961.23202	0.268656
7.909285714	71.57724	103.72215	0.042	7.44786	20.09133	22.84905	3294.86388	0.112896
11.60142857	27.69207	48.93609	0.042	2.57943	6.65343	13.13508	2644.99158	0.068672
NaN	22.02963	25.95432	0.042	3.62628	7.65975	15.14793	885.33816	NaN
NaN	101.49048	112.85169	0.16569	5.71998	14.26782	22.27764	14809.84932	0.125328
NaN	35.44506	69.37035	0.042	3.96564	14.00721	8.57073	4268.71998	0.023696
NaN	23.0664	45.13404	0.042	6.3399	33.95091	15.1431	1860.55065	0.061088
NaN	22.76862	53.17389	0.042	1.45656	7.38633	16.05996	1168.8936	0.075392
NaN	89.76345	80.94177	0.042	4.0278	11.30976	10.21629	3903.39579	NaN
NaN	35.25795	68.27037	0.08211	6.60156	48.01545	12.91374	728.34699	NaN
NaN	18.98841	43.42338	0.15456	5.82834	26.52678	20.45862	663.81294	0.0572
NaN	10.2711	17.72421	0.042	1.84737	5.70759	16.24413	487.74789	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.9	53.29002	122.45625	0.042	1.38306	8.55267	4.12419	2536.65552	0.046016
NaN	76.8075	147.08673	0.042	3.79113	35.33145	12.42444	2436.14805	NaN
NaN	71.41029	274.90953	0.042	4.28736	9.34353	8.09781	3002.58462	0.056096
NaN	26.05827	120.29577	0.07455	2.99292	7.71645	6.55452	1168.6605	0.101152
NaN	24.47802	94.34208	0.042	3.72036	9.76626	5.56794	2268.39711	0.096768
0.559821429	72.34773	118.81065	0.11277	5.07108	51.71985	7.15365	10411.93188	0.088384
0.282857143	27.64923	44.82345	0.12453	3.66114	28.81599	5.98521	2493.34218	NaN
0.486428571	26.97051	31.01364	0.35469	5.82855	44.35158	12.23733	1799.42637	0.051456
0.222857143	29.15199	31.81962	0.1533	7.00581	37.54422	7.53186	1849.96854	0.035232
0.482142857	72.25701	41.21292	0.042	6.7179	198.67764	22.79319	4050.08184	NaN
0.120535714	56.59752	74.42484	0.07497	6.71958	59.01252	8.26308	2468.57226	0.081792
0.096428571	37.67106	61.57158	0.13062	3.51141	28.65555	7.76433	1647.36789	0.155392
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	107.13843	109.61622	0.042	6.28929	370.35033	30.66126	10948.59696	0.0896
NaN	28.49049	45.23127	0.042	1.37949	154.96299	8.53356	6665.88216	0.076288
NaN	25.53978	37.73469	0.042	4.61181	13.28397	5.20212	5720.4546	0.166144
NaN	19.92837	22.03614	0.12621	2.87007	26.49402	3.72792	4049.89683	0.065664
NaN	100.01481	139.90284	0.042	9.48402	244.11849	33.19071	5533.40361	NaN
14.93571429	72.2253	190.85598	0.07014	4.33083	26.9871	8.81643	4101.75738	NaN
NaN	94.63902	116.41581	0.46515	2.20332	29.21793	6.02532	973.91175	NaN
NaN	96.20814	225.70989	0.44373	9.27822	67.07673	12.77703	4084.48782	NaN
20.265	71.67531	221.16339	0.042	7.3353	375.8748	10.41222	3796.39533	0.05104
17.91	39.97434	115.98405	0.36708	7.33908	61.68162	7.74396	2352.90048	0.253856
NaN	93.81645	142.15782	0.042	6.50496	21.34776	10.08504	4685.06409	0.150944
NaN	61.29501	198.98865	0.07896	10.26753	55.52379	8.34939	3075.14844	0.159392
NaN	34.64286	115.26123	0.13146	6.85335	21.87087	6.44049	1080.21228	0.25728
NaN	36.6135	136.04829	0.042	5.49738	10.2753	6.35943	1409.47716	0.111232
NaN	83.63292	128.38791	0.36393	6.31827	74.32635	14.12502	11094.31764	0.025568
NaN	21.02562	38.01189	0.13986	1.97022	14.77371	2.99208	1896.83088	0.031136
NaN	14.1456	35.3997	0.13146	2.8308	91.602	4.08345	3662.66775	0.025856
NaN	32.63379	33.38034	0.15561	3.45009	144.90693	4.40181	1902.61239	0.5752
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1.532142857	44.37489	63.02667	0.042	1.48932	2.98809	6.03813	4872.14007	0.117408
0.332142857	32.4513	68.69604	0.40866	5.45727	32.1153	4.58262	6137.66433	0.037824
0.366964286	20.10267	59.14587	0.30051	4.85541	42.40971	4.0026	2520.62811	0.18912
2.555357143	68.7204	64.81755	0.20958	3.87429	193.22163	9.87021	8719.61727	0.083872
NaN	74.77155	118.35327	0.1911	6.79686	70.98252	9.26247	5632.02045	0.075968
NaN	43.31313	86.36922	0.44142	5.27604	20.26521	7.92372	4389.87486	NaN
0.096428571	30.7293	69.10575	0.24906	6.83046	22.38957	7.9485	3666.99627	0.100224

	NaN	43.78395	58.3569	0.042	3.39339	7.7196	3.83019	3523.81701	NaN
	NaN	25.1643	47.89953	0.042	1.97694	5.02173	2.41941	1538.95014	NaN
	NaN	17.46171	41.82822	0.042	1.81041	8.36724	2.56935	1448.43111	NaN
	NaN	47.93481	36.4728	0.14007	4.09227	28.50666	3.68151	4306.0857	NaN
	NaN	19.32651	26.41422	0.042	1.63884	16.67001	3.62985	1140.18051	NaN
	NaN	10.62222	15.81342	0.042	2.37993	16.48584	5.19015	1052.86104	NaN
	NaN	70.76328	23.36922	0.07035	14.13762	91.13181	9.61149	5716.26048	NaN
	NaN	46.52676	73.46157	0.042	2.56578	6.10491	2.79279	1043.93793	NaN
	NaN	18.6879	32.49057	0.15309	3.07188	13.51371	4.16283	1135.56912	NaN
	NaN	9.58944	16.22985	0.042	2.26443	7.44303	3.90789	992.46357	NaN
	NaN	24.50259	25.97679	0.19299	2.247	22.81965	2.66658	2436.47166	NaN
	NaN	22.21695	21.54894	0.042	2.67561	11.79612	2.79174	1661.69892	NaN
	NaN	10.04094	11.68125	0.08631	1.23018	9.1812	4.09311	1209.26694	NaN
	NaN	54.64935	182.45892	0.14133	5.22501	23.76276	9.42732	4352.20674	NaN
0.964285714	NaN	34.73652	45.8556	0.042	3.17667	10.59261	2.75604	2880.45429	NaN
	NaN	54.00003	82.53378	0.1386	3.11157	23.06514	4.0572	1195.7253	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	27.83151	39.6543	0.042	3.6771	15.06687	2.56956	2152.88724	NaN
0.610714286	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.063296
0.923571429	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.123392
0.882857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	0.172768
	NaN	16.1994	20.44791	0.042	3.04962	27.40206	6.4974	1785.17052	NaN
	NaN	43.38516	57.64185	0.042	3.91083	28.86597	8.31894	3221.53482	NaN
	NaN	18.43905	21.80388	0.042	2.00424	13.21761	3.64518	1506.60909	NaN
	NaN	52.44036	113.32734	0.042	4.33839	9.65706	6.60471	6520.71609	NaN
	NaN	22.69428	88.78485	0.042	1.72263	7.12026	6.19374	2830.65006	NaN
	NaN	13.37406	40.11273	0.042	1.82658	19.35297	7.71456	2353.407	NaN
2.592857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0.350892857	94.6848	145.00479	0.042	4.75335	23.90871	6.72168	6147.44676		0.05256
0.964285714	40.33995	114.97815	0.042	1.93221	4.92303	3.92889	4085.06574		0.039504
0.096428571	15.36381	41.91978	0.042	1.57752	4.86822	4.43205	4007.19354		0.05624
0.435	10.74843	27.79875	0.042	1.34694	5.4579	5.47155	1619.28774		0.083936
	NaN	48.86154	32.17116	0.042	5.52258	4.41441	10.13082	5264.48328	NaN
0.417857143	27.66813	30.78978	0.042	4.99044	13.78314	8.81622	1368.08112		0.08016
0.096428571	33.11049	32.25999	0.06426	8.61693	13.82724	10.84965	4041.71061		0.31768
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.274285714	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.192857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
2.112857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.497142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.038571429	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.092142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.053571429	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.295714286	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.574285714	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.160714286	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
2.157857143	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.542142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.391071429	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.476785714	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN
0.722142857	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN		NaN

[illegible]

Hydroxyanthranilic acid [μM]	Kynurenic acid [μM]	Tryptophan[μM]	Xanthurenic acid [μM]	Kynurenine [μM]	N-Formyl kynurenine [μM]	Phenylacetylglutamine [μM]	Indolelactic acid [μM]	Indoleacetic acid [μM]	4-chloro kynurenine [μM]	Pyruvate [μmol/L]	Lactate [μmol/L]	Acetoacetate [μmol/L]
2.8228	0.895616	149.3132	0.0132	12.1064	0.075	1.541	0.458	0.662	0.033248	178.8711	2.43E+03	6.055
4.5224	1.225968	42.156	0.094	12.5648	0.075	1.781	0.354	0.528	0.073152	171.8726	1.44E+03	29.6987
4.1076	1.363024	32.0456	0.1212	10.4572	0.075	1.396	0.391	0.672	0.110496	224.3235	7.39E+02	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	88.6428	1.76E+03	13.9787
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.1664	0.147088	20.29	0.075	4.3736	0.075	0.229	0.158	0.350	0.003	393.0465	4.34E+02	4.7169
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.0204	0.305392	38.1492	0.075	7.6608	0.075	0.695	0.354	0.674	0.017328	6.7721	9.22E+02	5.2668
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	63.7553	3.19E+03	5.1515
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	48.2305	2.74E+03	6.727
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	35.0049	1.11E+03	6.6246
2.3404	0.270816	39.3784	0.075	7.5644	0.075	0.781	0.283	0.316	0.016576	29.5588	1.05E+03	6.3212
2.926	0.411264	37.6964	0.075	12.9232	0.075	0.951	0.429	0.781	0.018368	7.164	9.72E+02	6.0987
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	48.3931	1.17E+03	7.5983
2.312	0.241648	50.9128	0.075	9.4332	0.075	1.419	0.341	0.202	0.047248	19.6664	7.86E+02	5.9752
2.3836	0.276912	63.1732	0.075	12.0764	0.0284	1.163	0.491	0.579	0.02376	11.4404	1.45E+03	12.6325
2.0928	0.28016	69.2648	0.075	18.1092	0.1048	0.792	0.529	2.279	0.00864	10.6243	8.05E+02	5.4071
2.0516	0.317728	53.798	0.075	4.9136	0.075	1.179	0.361	0.539	0.016352	258.8805	9.50E+02	31.7719
2.0304	0.274928	48.7176	0.075	5.8744	0.075	0.676	0.450	1.794	0.012832	1409.2844	9.93E+02	27.7192
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	242.8952	5.79E+02	20.8974
2.446	0.978608	48.9452	0.075	9.7344	0.075	1.059	0.356	0.350	0.050976	68.8057	2.69E+03	5.9487
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	31.8189	1.03E+03	6.0276
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.5696	0.13416	50.1188	0.075	3.2828	0.075	0.448	0.241	0.445	0.021648	21.2482	7.94E+02	6.5113
2.3344	0.120608	36.7836	0.075	4.6332	0.075	0.502	0.222	0.997	0.003	44.738	1.04E+03	6.5836
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	21.703	5.49E+02	1052.7841
2.812	0.093344	175.2016	0.075	6.2024	0.075	0.302	0.266	1.220	0.011392	18.6242	4.94E+02	610.8798
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.3612	1.248416	99.7544	0.02	14.622	0.075	2.262	0.538	0.956	0.078464	226.8572	1.83E+03	6.238
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	336.8388	9.17E+02	21.2073
2.5972	0.352672	49.6436	0.075	9.694	0.075	0.918	0.431	0.465	0.017776	276.3766	5.94E+02	18.0017
5.7556	0.684	21.842	0.075	5.3008	0.075	1.753	0.718	0.549	0.012064	187.5485	1.05E+03	12.6528

5.2184	0.379392	33.796	0.075	4.4352	0.075	0.662	0.765	1.297	0.003	242.8067	6.70E+02	5.9802
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	54.9099	1.46E+03	69.9844
3.642	0.407328	38.2032	0.075	10.8436	0.075	0.565	0.318	0.713	0.0332	38.5178	8.49E+02	4.8013
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	13.6448	1.34E+03	1.4295
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	24.7032	8.80E+02	1.9981
2.2776	0.731984	57.5556	0.075	15.1004	0.075	0.729	0.199	1.455	0.008112	38.1295	8.05E+02	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	60.9941	1.98E+03	6.8645
3.31	0.213968	55.284	0.075	6.7032	0.075	0.700	0.275	2.047	0.020128	27.2568	1.89E+03	33.5862
2.9332	0.227904	84.6984	0.075	10.1308	0.075	0.621	0.317	2.452	0.003	34.5715	1.12E+03	6.9738
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	46.7952	2.59E+03	27.9014
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	26.4519	1.08E+03	1.6424
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	7.4696	8.78E+02	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	41.2989	1.13E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	38.4563	1.23E+03	0.65
3.0288	0.143392	32.9288	0.075	5.2864	0.075	0.456	0.176	1.873	0.023744	27.8284	1.04E+03	3.875
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	99.8797	7.09E+02	11.2682
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	66.1999	8.50E+02	9.4349
5.12	0.67264	24.2464	0.075	2.8532	0.075	1.168	0.813	0.289	0.003	72.3927	5.99E+02	8.8823
4.8944	0.757088	10.626	0.0652	2.8964	0.075	0.609	0.573	0.227	0.003	44.5456	4.11E+02	0.65
4.1464	1.287104	25.4028	0.075	2.1012	0.075	3.748	0.659	0.075	0.037984	116.8065	2.33E+03	0.65
5.8344	3.91472	12.9148	0.062	5.2344	0.075	0.075	0.640	0.309	0.110848	191.1963	2.49E+03	17.2579
6.7528	5.217088	27.7484	0.2048	8.5924	0.075	0.075	0.737	0.855	0.11168	232.4931	2.80E+03	8.2859
5.6932	5.149568	8.1612	0.0588	3.2016	0.075	0.075	1.072	1.173	0.103744	170.7242	2.80E+03	10.321
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	167.5791	3.10E+03	116.9237
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	163.7629	1.12E+03	11.4556
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	278.7089	9.11E+03	146.8971
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	84.9947	1.18E+03	10.116
8.3484	0.928832	28.9112	0.075	4.9596	0.075	1.446	1.167	2.306	0.003	121.3267	1.91E+03	11.4253
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	93.1422	7.79E+02	8.3781
4.664	1.23728	10.2784	0.075	2.6972	0.075	4.727	0.591	0.161	0.234496	22.7269	8.90E+02	0.65
5.5148	1.435264	46.3576	0.075	8.8552	0.075	3.741	0.506	0.165	0.072256	24.9327	3.86E+02	11.0583
5.2128	1.01184	42.3112	0.075	10.3704	0.0028	3.030	0.576	0.504				

[illegible]

1.6656	0.218976	78.082	0.075	9.7772	0.0732	0.732	0.272	0.957	0.003	28.4612	7.35E+02	0.65
1.9812	1.442	68.2664	0.018	11.1368	0.075	1.980	0.602	0.541	0.147456	322.3416	5.36E+03	0.65
1.8908	1.870032	61.7912	0.0248	15.4544	0.0768	0.075	0.416	0.562	0.267168	173.2305	2.81E+03	0.65
2.086	2.607552	14.4836	0.0312	10.7368	0.075	0.075	0.384	0.842	0.183936	185.8967	2.51E+03	0.65
1.7108	2.921088	19.7148	0.008	4.1784	0.075	5.250	0.363	0.927	0.291776	131.0813	1.96E+03	0.65
1.6988	1.187136	43.2316	0.018	11.5172	0.075	2.131	0.991	0.381	0.217536	405.483	7.39E+03	6.5751
1.7984	1.23152	55.4516	0.0296	3.7624	0.075	2.107	0.564	0.478	0.183152	76.9691	1.12E+03	0.65
1.882	0.476	54.5836	0.075	3.4136	0.075	1.144	0.449	1.511	0.05928	65.1869	1.59E+03	32.5569
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	38.2564	8.02E+02	2.4397
1.8752	1.001472	66.42	0.0064	7.5812	0.075	1.519	0.594	0.565	0.085136	310.7003	8.99E+03	0.65
1.8	0.229648	128.7564	0.075	4.224	0.056	0.553	0.398	0.509	0.017504	123.1179	2.38E+03	5.2302
1.6356	0.370624	300.2116	0.075	7.4908	1.0796	0.455	0.215	0.536	0.011504	27.51	7.59E+02	701.6374
1.6836	0.859024	301.3272	0.075	5.3032	0.616	0.931	0.124	0.406	0.015088	24.0554	3.03E+02	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	104.4811	1.82E+03	5.4716
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	29.8015	6.42E+02	0.65
1.7704	2.191792	41.9872	0.006	9.6936	0.075	0.075	0.349	0.934	0.155424	27.4714	5.54E+02	3.6452
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	13.8344	5.34E+02	5.6914
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	114.4269	3.74E+03	1.7469
1.5792	0.649984	32.2656	0.075	5.1324	0.075	1.328	0.297	0.601	0.076176	48.9669	8.51E+02	5.7688
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.0424	0.462368	25.1064	0.075	5.3936	0.075	1.792	0.582	0.814	0.048768	168.8923	2.01E+03	23.1222
4.1792	0.23504	14.1552	0.075	3.4232	0.075	1.380	0.570	0.601	0.013248	79.9668	1.46E+03	34.7849
4.2136	0.169824	11.3932	0.075	3.3332	0.075	1.765	0.550	0.999	0.01792	108.7663	1.86E+03	0.65
4.4712	1.059136	29.7208	0.0144	9.1612	0.1324	1.635	1.037	0.624	0.175168	149.1739	9.12E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.4904	0.546496	39.1044	0.075	7.1228	0.2256	1.284	0.668	1.112	0.003	42.9344	1.94E+03	32.2117
4.1996	0.853088	27.9704	0.075	10.116	0.1284	1.184	0.921	1.198	0.003	19.2722	1.83E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	25.5671	3.78E+03	0.65
3.9228	0.219136	42.1156	0.075	4.356	0.1988	0.794	0.473	0.355	0.014048	36.1927	2.31E+03	0.65
4.1288	0.241856	51.0456	0.075	7.2176	0.1392	0.748	0.587	0.672	0.003	9.4911	1.46E+03	4.6022
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	37.3866	1.75E+03	0.65
4.386	0.959168	94.2844	0.0232	8.3564	0.7624	0.075	1.161	0.803	0.069728	70.5038	9.25E+03	1.7836
4.8596	0.348256	36.5948	0.075	6.1024	0.0376	1.562	0.819	1.962	0.016768	233.96	3.32E+03	24.8585
4.1544	0.550528	15.9132	0.075	2.9476	0.034	1.206	0.584	2.771	0.016096	183.4146	7.35E+03	0.65
4.1084	0.420544	7.9676	0.075	1.1936	0.075	0.692	0.341	1.234	0.003	183.3544	3.76E+03	24.403
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	12.9169	5.00E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	29.9468	2.67E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	95.7513	2.22E+03	4.1206
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	30.6197	2.36E+03	2.2085
4.3416	0.287712	25.7556	0.075	3.9676	0.075	1.162	0.449	0.324	0.024544	11.6069	2.43E+03	0.65
4.3708	0.167072	28.9204	0.075	3.9556	0.075	0.794	0.478	1.099	0.019296	43.2949	2.18E+03	7.2653
4.7608	0.490784	75.0592	0.075	9.522	0.4684	1.743	0.583	0.712	0.45376	128.3796	3.63E+03	17.5764
4.2832	1.09872	24.1792	0.075	6.0432	0.0376	1.583	0.488	0.226	0.278304	29.1116	2.22E+03	14.7936
4.3232	0.606912	17.7092	0.075	3.974	0.075	0.909	0.496	0.183	0.042784	32.2073	1.18E+03	6.3072
4.2252	0.870752	31.9576	0.075	6.0664	0.0816	1.194	0.611	0.213	0.037504	52.4039	1.44E+03	20.4514
4.458	1.502784	63.3452	0.0332	7.2364	0.4488	1.701	1.169	0.166	0.067936	157.4485	8.97E+03	0.65
4.4512	0.101376	12.6956	0.075	1.3252	0.018	0.359	0.276	0.394	0.003	39.9683	1.01E+03	11.641
4.1528	0.24896	16.512	0.075	3.2132	0.075	0.657	0.744	0.227	0.003	43.0329	2.78E+03	9.4384
3.9196	0.33872	9.8016	0.075	1.4572	0.075	0.669	0.817	0.176	0.003	17.0101	2.96E+03	3.8499
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	118.2417	9.05E+03	10.0493
4.666	0.040064	1.886	0.075	0.164	0.075	0.111	0.182	0.210	0.003	276.3651	5.73E+03	32.1579
4.3156	0.248704	5.5816	0.075	1.4868	0.075	0.941	0.686	0.192	0.028224	264.2465	1.07E+04	0.65
4.3508	0.286752	9.376	0.075	1.9808	0.075	0.726	0.673	0.253	0.018048	137.5459	2.01E+03	4.3478
4.85	2.326848	34.8648	0.0256	9.6192	0.09	1.018	0.744	0.075	0.0544	22.225	5.74E+03	0.65
4.09	2.493728	16.304	0.075	3.29	0.0752	1.238	0.561	0.339	0.04976	43.1705	3.38E+03	0.65
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	101.2191	2.64E+03	19.0654
4.2708	1.634528	13.3164	0.075	4.3412	0.075	1.922	0.656	0.244	0.071104	125.0682	2.79E+03	31.1197

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0.7208	0.15536	45.0176	0.075	3.0332	0.194	0.593	0.171	0.206	0.038384	14.3607	1.28E+02	454.8116
0.7344	0.175328	69.044	0.075	4.2804	0.2624	1.437	0.271	0.338	0.012704	7.2291	2.99E+02	16.8766
0.926	0.357168	52.9792	0.075	3.8924	0.2092	0.523	0.174	0.290	0.005264	15.9324	5.62E+02	41.6836
0.6856	0.003	33.4704	0.075	2.0288	0.0392	0.075	0.075	0.075	0.003	11.7175	1.76E+02	322.4492
0.6864	0.367408	77.1772	0.075	5.8972	0.3516	1.349	0.288	0.410	0.021856	34.9581	4.90E+02	256.7753
0.7776	0.230352	44.8592	0.075	2.9728	0.4064	0.417	0.184	0.075	0.012736	5.8489	3.71E+02	298.4334
1.0272	0.263296	71.1584	0.075	5.2672	0.0528	1.279	0.207	0.072	0.006448	5.961	6.83E+02	255.6516
1.3284	0.198832	49.79	0.075	3.664	0.0852	0.819	0.224	0.223	0.009248	7.1844	4.32E+02	33.7647
0.776	0.15224	57.866	0.075	3.3264	0.0944	0.598	0.194	0.251	0.009408	NaN	NaN	NaN
0.9056	0.125232	38.3036	0.075	2.0968	0.0648	1.659	0.204	0.508	0.00864	19.3888	6.54E+02	12.448
0.8872	0.167984	51.8544	0.075	3.1488	0.112	0.588	0.160	0.485	0.003	18.0049	1.80E+03	26.1827
5.0508	0.739168	70.576	0.0364	4.1736	0.348	1.320	0.832	0.853	0.02128	5.6964	8.18E+02	39.1374
5.3064	0.837248	79.5192	0.075	5.6992	0.1656	2.248	0.548	0.342	0.054624	11.3845	1.14E+03	53.1995
5.6312	0.729856	93.2196	0.0004	6.2676	0.0088	0.895	0.498	1.065	0.02784	NaN	NaN	NaN
7.2772	0.55456	72.7364	0.075	4.822	0.1792	3.785	0.515	1.359	0.018624	1022.507	7.08E+02	373.017
6.2072	0.637856	97.4772	0.014	7.1876	0.4936	3.089	0.710	0.952	0.049248	1.926	5.14E+02	714.7787
5.5624	0.29024	61.0996	0.075	5.478	0.2516	1.481	0.390	0.328	0.003	109.0565	7.52E+02	892.7194
4.9732	0.14192	47.002	0.075	2.4692	0.4412	0.643	0.138	0.468	0.003	8.5891	9.75E+02	68.3663
5.0908	0.19184	41.5508	0.075	1.7864	0.0688	0.960	0.312	0.548	0.003	11.9881	8.67E+02	98.8758
5.4196	0.350656	34.1052	0.075	2.5684	0.0068	1.477	0.373	1.366	0.003	10.2553	1.09E+03	773.6177
5.646	0.531552	30.8752	0.075	1.9536	0.075	2.059	0.496	2.171	0.01888	5.9756	9.36E+02	69.7791

[illegible]

5.4085	3.98E-01	8.52E-01	2.23E+00	6.05E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
33.7853	NaN	3.41E-01	2.13E+00	5.14E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.8378	NaN	3.57E-01	1.75E+00	3.09E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.8353	NaN	5.56E-01	2.82E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.7358	NaN	3.28E-01	7.11E-01	3.52E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.3791	NaN	4.79E-01	1.41E+00	5.22E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.4995	NaN	4.40E-01	3.06E+00	1.03E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
15.923	NaN	3.58E-01	2.12E+00	3.38E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.8306	NaN	1.08E+00	3.92E+00	2.64E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.7253	NaN	2.31E-01	1.37E+00	4.33E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12.0453	NaN	1.08E+00	3.64E+00	1.08E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.7673	NaN	1.63E+00	1.28E+01	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.1085	NaN	7.43E-01	1.97E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.6128	NaN	3.95E-01	8.17E-01	6.71E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.6423	NaN	3.76E-01	1.01E+00	4.86E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.5393	3.77E-01	1.88E-01	1.30E+00	3.34E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.6446	4.11E-01	1.21E-01	9.67E-01	1.70E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.2431	2.24E-01	1.85E-01	1.45E+00	1.35E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.5148	3.46E-01	2.21E-01	1.96E+00	1.22E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.5823	1.85E+00	8.13E-01	4.86E+00	2.40E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.8625	8.58E-01	3.51E-01	1.65E+00	1.37E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.3171	8.54E-01	9.07E-01	3.15E+00	2.20E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.0672	7.39E-01	6.08E-01	3.38E+00	1.44E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.4584	2.71E-01	3.35E-01	1.55E+00	8.81E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.0523	9.31E-02	1.34E-01	8.82E-01	7.09E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
30.542	1.14E+01	6.65E-01	1.31E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.8569	5.03E-01	8.20E-01	1.36E+00	1.30E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.395	2.00E-02	6.45E-01	1.02E+00	1.13E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.2722	1.21E-01	6.33E-01	1.24E+00	1.40E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1.842	1.12E-01	5.44E-01	1.06E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.3947	1.10E-01	6.69E-01	1.54E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.6705	1.22E-01	6.73E-01	1.58E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.0065	1.60E+00	9.98E-01	2.66E+00	8.96E-01	6002	32	6007	0	6030	32	16112	15	3832	1	1158	824	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	9546	28	9561	0	9551	28	10031	8	2037	0	1481	2176	
6.0378	1.14E-01	6.40E-01	1.15E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.032	2.93E-01	7.17E-01	1.72E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.5339	1.61E-01	5.80E-01	1.78E+00	1.26E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.677	2.00E-02	6.14E-01	1.05E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
27.5709	4.79E-02	6.05E-01	1.08E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.7256	3.92E-01	5.87E-01	1.97E+00	1.29E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.7252	7.10E-02	6.35E-01	1.39E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.7236	9.27E-02	9.24E-01	2.28E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	13842	18	13900	0	13894	18	30704	213	4291	0	5287	6145	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	1349	38	1347	0	1353	38	5479	343	368	2	310	6988	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	20832	8	20812	0	20787	8	1160	1	1809	1	2986	1354	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	4415	1	4418	0	4420	1	5859	0	1574	0	912	2193	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	6430	3	6431	0	6441	3	3326	0	318	0	1036	4589	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	5750	90	5743	0	5733	90	19994	120	1692	6	2946	1977	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	919	20	918	0	918	20	7314	79	416	0	349	1887	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	435	9	438	0	435	9	4128	23	182	0	61	1387	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	295	24	294	0	292	24	2451	142	57	0	33	8954	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	6828	35	6826	1	6835	35	7090	25	3016	14	314	34	

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	988	10	987	0	984	10	6748	34	281	2	44	2185
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2026	12	2020	0	2017	12	5330	11	792	1	283	1584
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	10837	1	10840	0	10836	1	12665	0	2157	0	2826	3775
8.8779	4.21E-01	6.54E-01	1.44E+00	1.74E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.0568	3.14E-01	1.18E+00	1.00E+01	1.04E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.2671	3.62E-01	2.84E-01	3.21E+00	1.20E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.6202	2.38E-01	4.30E-01	3.57E+00	1.62E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
15.8686	4.97E-01	7.61E-01	1.52E+00	1.75E+00	304	5	305	0	303	5	2781	8	212	0	49	1115
4.7323	3.03E-01	2.03E-01	1.66E+00	5.62E-01	1695	15	1688	0	1683	15	8499	68	482	0	505	2628
6.3152	5.04E-01	7.11E-01	2.16E+00	1.38E+00	1169	6	1163	0	1159	6	5006	4	1472	0	327	2805
2.4064	3.55E-01	5.72E-01	1.88E+00	1.36E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17.0394	2.00E-02	1.39E-01	1.12E+00	7.06E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.0511	1.30E-01	7.68E-02	2.00E-02	5.56E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.7473	1.77E-01	1.32E+00	2.52E+01	1.32E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.2767	5.12E-01	8.81E-01	1.53E+00	1.31E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.8391	2.27E-01	6.32E-01	1.25E+00	1.35E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.5746	1.20E-01	9.89E-02	7.92E-01	7.33E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.1001	4.63E-01	8.28E-02	2.00E-02	6.53E-01	521	1	520	0	518	1	6102	12	179	0	143	472
2.0147	2.49E-01	1.12E+00	4.06E+00	1.73E+00	322	0	322	0	321	0	4412	0	120	0	73	433
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	13867	119	13859	0	13808	119	12156	109	3241	4	2121	1641
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	9512	55	9505	0	9506	55	6207	17	1087	0	1999	1385
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	6291	7	6286	0	6302	7	2990	11	815	0	2536	340
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	1983	19	1989	0	2002	19	10353	18	1577	0	84	6988
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	25429	66	25443	0	25493	66	5843	1	612	0	4788	7451
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	10840	9	10832	2	10807	9	2724	1	576	1	1118	386
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	1801	5	1796	0	1795	5	2006	0	204	0	544	207
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2657	0	2361	0	2373	0	26250	0	979	0	950	4020
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	285	1	284	0	282	1	4619	34	130	0	92	772
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.8511	5.66E-01	6.61E-01	1.17E+00	4.82E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.5426	2.16E-01	5.96E-01	9.86E-01	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.3146	7.44E-02	5.65E-01	2.00E-02	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0.9176	1.09E-01	4.34E-02	2.00E-02	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
402.6028	3.06E-01	9.23E-01	1.34E+00	1.73E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
157.7673	4.73E-01	8.79E-02	2.00E-02	8.03E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.1861	1.73E-01	6.50E-01	1.58E+00	1.40E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18.3092	8.19E-02	6.01E-01	1.08E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.3289	7.24E-02	5.84E-01	9.65E-01	4.41E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.8483	2.85E-01	5.18E-01	1.27E+00	1.19E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1.6119	1.42E-01	5.86E-01	2.23E+00	1.05E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	9474	110	9459	5	9420	110	15942	196	2173	5	3074	2068

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	3187	149	3271	0	3197	149	9700	298	884	0	1153	6763
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	7186	0	7189	0	7188	0	4939	1	1317	0	1083	2035
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	916	11	931	0	922	11	2983	45	342	0	109	1089
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2887	22	2885	10	2887	20	13863	131	1049	2	1074	1099
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2254	1	2252	0	2247	1	1874	0	244	0	613	1044
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	1472	1	1467	0	1462	1	2733	44	392	0	37	2618
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.5445	NaN	5.30E+00	1.77E+01	4.25E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.7336	NaN	3.35E-01	5.88E-01	2.99E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.9221	NaN	5.02E-01	1.77E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.7478	NaN	9.51E-01	2.72E+00	1.07E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.128	NaN	3.50E-01	1.93E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
31.0584	NaN	1.55E+00	9.29E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13.8991	NaN	1.25E+00	4.99E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.7358	NaN	3.84E-01	3.32E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
41.2849	NaN	3.53E-01	3.39E-01	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.1899	NaN	2.30E-01	7.73E-01	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
24.3773	NaN	5.89E-01	7.12E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.5168	NaN	6.64E-01	1.01E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.142	NaN	4.00E-01	2.23E+00	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
25.9197	NaN	1.53E+00	1.07E+01	2.54E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.7355	NaN	5.78E-01	1.50E+00	1.40E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8.0999	NaN	1.33E+00	3.36E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.1001	NaN	1.40E+00	5.19E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
22.7628	NaN	7.78E-01	4.98E+00	6.06E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.442	NaN	7.83E-01	2.12E+00	NaN	5314	42	5321	0	5305	42	11419	54	984	4	1937	369
19.9025	NaN	7.64E-01	1.76E+00	NaN	4771	32	4763	0	4762	32	30872	68	1143	0	2738	1391
8.7379	NaN	3.24E-01	1.42E+00	2.00E-02	2825	16	2822	0	2816	16	21131	19	319	0	509	781
2.4492	NaN	5.30E-01	1.16E+00	NaN	1425	31	1423	0	1425	31	14555	42	670	0	844	1260
146.3557	NaN	7.56E-01	9.25E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.1356	NaN	7.96E-01	1.25E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.3582	NaN	9.77E-01	3.17E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4.5403	NaN	8.34E-01	2.59E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
19.9193	NaN	5.53E-01	5.79E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.4495	NaN	6.32E-01	1.48E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5.46	NaN	1.01E+00	2.44E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.4153	NaN	6.54E-01	1.82E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10.3402	NaN	4.07E-01	4.93E-01	NaN	4267	9	4261	0	4267	9	4641	0	809	21	1794	209
11.9	NaN	6.42E-01	1.56E+00	NaN	1319	0	1323	0	1331	0	6316	0	363	0	717	2950
5.4489	NaN	1.09E+00	5.24E+00	NaN	248	0	247	0	247	0	1298	1	108	0	111	467

[illegible]

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	10497	393	10390	0	10391	393	18433	0	3437	0	835	2048
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	9992	78	9988	2	9959	78	15454	49	1354	0	2637	1512
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	837	8	824	0	828	8	5113	59	321	0	216	1807
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2388	80	2379	3	2371	80	6486	185	471	0	1557	2728
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	4230	16	4225	0	4219	17	12091	172	877	0	1133	2610
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	4123	148	4125	0	4126	148	19480	74	752	0	904	1434
7.0593	5.34E-01	1.07E+00	1.31E+00	1.78E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2.7577	4.56E-01	1.05E+00	1.63E+00	1.52E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3.2036	5.59E-01	1.01E+00	1.87E+00	1.73E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	3761	71	3976	17	3835	70	12891	584	600	0	2269	3335
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	8783	282	8781	7	8785	282	18149	333	1235	6	4712	8237
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	987	53	987	2	986	53	5981	49	620	4	387	2029
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	1755	208	1762	1	1788	208	11093	338	316	0	1104	5176
13.9784	NaN	3.25E-01	4.48E-01	8.49E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7.745	NaN	2.55E-01	2.00E-02	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14.2787	NaN	3.44E-01	9.32E-01	2.00E-02	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6.7336	NaN	2.12E-01	6.69E-01	4.51E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
20.5161	NaN	3.66E-01	1.03E+00	1.83E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9.137	NaN	2.56E-01	2.00E-02	8.99E-01	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11.6437	NaN	8.21E-01	2.00E-02	1.06E+00	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	3096	16	3093	0	3093	16	1857	0	407	0	1654	204
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	4515	18	4516	0	4495	18	4848	14	385	0	1523	607
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	3364	22	3361	0	3354	22	6480	54	961	1	2192	1382
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	2762	15	2762	0	2769	15	5687	33	663	0	3296	2557
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN																

[illegible]

[illegible]

[illegible]

97	13	546	2	594	2	1105	0	2918	1	245	244	523	1	802	888	0	0
169	2	1492	1	1563	1	2837	2	7123	8	346	328	1570	1	2730	2923	0	0
144	0	9034	0	9375	0	17820	0	24052	0	1509	1497	3412	0	5688	5945	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
69	17	255	0	296	0	443	0	681	0	381	394	565	0	188	208	0	0
232	43	934	5	1027	0	2406	0	2809	7	106	122	1749	0	452	500	0	0
507	33	2819	1	2909	11	3100	0	4596	1	604	731	3163	1	2684	2758	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
43	1	406	0	415	0	642	0	997	0	522	504	811	0	281	286	0	0
16	0	254	0	274	0	1006	0	1656	0	283	288	1056	0	290	299	0	0
294	1	27312	60	28168	69	98459	117	95321	3	3194	3194	11787	1	26351	27540	0	19
204	5	12353	1	12637	1	48174	51	40564	14	302	301	4463	0	2525	2681	0	0
206	1	2563	1	2658	1	9530	12	11130	10	1617	1618	2248	0	582	609	0	0
1192	0	8555	0	8378	0	8601	1	19886	0	568	564	4349	0	8098	8570	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
199	0	73741	3	74692	12	87231	4	96491	4	41	41	3810	73	21144	22603	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
122	1	63289	1	65529	33	65297	68	171316	31	470	480	57	354	143000	154256	12	1
59	0	1695	3	1748	4	3286	5	8148	1	70	70	178	0	2555	2962	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
649	0	5835	0	6559	0	6718	0	12951	0	1368	1123	2279	0	5134	5868	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
25	4	357	5	378	0	877	4	2267	2	748	755	287	0	624	657	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
414	33	9350	124	10377	11	33861	2	47627	2	3179	3183	11462	0	3692	4252	3	0

242	0	1897	1	2026	0	2456	1	3275	0	9524	8892	1834	0	578	599	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
67	24	2755	3	3000	0	9378	0	8120	0	821	815	2114	0	680	739	0	0
229	1	2245	1	2473	1	5639	9	8093	1	222	223	1986	0	1232	1327	0	0
29	0	3497	71	3727	0	24043	20	17849	0	482	460	1279	0	2861	3459	0	0
295	1	3038	0	3186	0	10757	0	9831	1	1023	999	3364	0	945	1053	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
118	10	2117	5	2178	6	6172	14	13263	81	452	454	28556	1	2771	2902	0	0
107	18	491	2	520	7	1837	1	2991	12	84	92	13870	1	1019	1076	0	0
129	10	503	1	500	1	1499	2	3517	3	71	74	4916	0	1413	1474	0	0
52	1	1223	38	1377	0	3521	1	2493	0	545	542	1985	0	295	327	1	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
220	13	6040	2	6224	74	23408	13	35183	133	1388	1400	9246	1	9820	10061	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
231	24	2040	3	2101	2	7985	2	13726	66	346	356	22285	1	5570	5915	0	0
4	9	675	0	749	1	1240	0	3633	47	415	436						

[illegible]

[illegible]

0	0	0	0	0	0	6	289	0	274	14	0	5	1	1	55	4	0	23	1581	48
0	0	2	0	0	2	6	1127	0	1101	8	0	12	0	0	65	23	3	85	6084	492
0	0	0	0	0	0	0	4930	0	4494	0	0	0	0	0	0	23	0	58	9443	25
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	66	0	63	0	0	0	0	0	2	4	0	10	38	4
0	0	0	0	0	3	137	455	0	443	6	0	0	3	3	30	5	0	23	633	99
0	0	0	0	0	0	0	638	0	630	1	0	0	0	0	15	0	0	8	213	35
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	108	0	144	16	0	0	0	0	0	0	0	1	148	8
0	0	0	0	0	0	0	233	1	226	15	0	0	0	0	0	0	0	5	917	43
0	26	30	0	0	115	3	26915	11	28125	2	0	5	0	0	13	1328	70	6830	8582	3834
0	0	0	0	0	4	2	28479	0	30320	0	0	0	5	5	20	456	12	716	9708	3130
0	0	0	0	0	0	1	4781	0	5017	0	0	0	0	0	1	44	0	187	3931	437
0	0	0	0	0	0	0	2790	1	2588	0	0	0	0	0	0	468	0	96	2693	14
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	1	0	0	5	1	14667	0	15280	0	0	15	0	0	1	533	28	7076	5377	1004
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	4	0	0	43	1	17167	69	17874	0	0	4	0	0	1	1769	33	20143	6611	300
0	0	0	0	0	4	0	1304	2	1333	1	0	0	0	0	6	54	3	178	6391	297
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	1286	0	1224	0	0	0	0	0	0	0	0	101	1384	665
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	1	287	0	275	11	0	0	0	0	1	4	0	22	1365	108
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	12	0	0	7	4	5226	6	5284	4	0	0	0	0	16	115	9	317	5370	300

[illegible]

	0	2	0	0	0	0	334	0	330	0	0	0	0	0	0	29	0	42	12	20
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	759	0	781	0	0	0	0	0	0	6	0	51	163	83
7	0	6	0	0	3	1	562	0	542	2	0	0	0	0	50	24	5	88	530	68
0	0	0	0	0	12	0	1363	0	1363	0	0	0	0	0	2	191	0	1278	619	258
0	0	0	0	0	0	0	597	0	577	0	0	0	0	0	0	16	0	70	441	60
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	1	0	2	5	2	2369	1	2342	4	0	5	4	4	104	55	1	66	1542	2051
1	1	3	0	0	2	2	550	0	525	3	0	3	0	0	12	18	0	11	392	259
0	0	0	0	0	0	4	964	0	944	2	0	0	0	0	40	91	0	46	1578	827
0	0	0	0	0	0	0	624	0	564	0	0	0	0	0	49	1	0	146	99	40
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	5	0	0	21	111	6882	0	7138	7	0	0	7							

[illegible]

[illegible]

1529	4	2401	1	0	14	12	1	5061	0	1	0	0	3	1	0	0	6304	0	1
3729	4	6126	1	0	45	186	0	8905	0	4	0	1	3	11	0	1	2224	0	1
2565	1	2223	0	0	0	567	0	18926	0	0	0	0	0	0	0	0	13149	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1087	2	603	0	0	11	13	0	304	0	0	0	0	0	0	0	0	13214	0	1
3183	35	3629	1	0	10	1	0	3934	0	3	0	4	10	23	0	0	16765	0	1
792	0	1898	0	0	59	7	0	2205	0	0	0	0	0	6	0	0	3996	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
577	0	937	0	0	0	18	0	1288	0	0	0	0	104	0	0	0	55158	0	0
115	0	324	1	0	0	10	0	1115	0	0	0	0	0	0	0	0	2974	0	1
12065	470	36164	496	0	1	1	5	716	0	17	0	2	1	84	0	80	1106559	95	1
3283	507	11608	554	0	0	1	0	921	0	1	0	1	0	18	0	26	228080	10	31
1234	52	2629	31	0	0	0	0	936	0	1	0	0	0	0	0	0	152849	25	1
3987	0	6611	0	0	0	0	0	5216	0	0	0	0	0	0	0	0	446438	125	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
369	2	376	0	0	3	2	7	12938	0	1	0	0	1	0	0	6	264	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1319	3	2048	1	0	1	1	0	302	4	1	4	1	1	29	0	19	11080	1	1
384	2	907	1	0	4	1	0	397	0	2	0	10	0	6	0	8	3414	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4559	0	15191	0	0	0	0	0	6766	0	0	0	0	0	0	0	0	41305	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
385	0	577	1	0	3	1	0	2487	0	0	0	0	0	0	0	0	6905	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6114	85	9681	10	0	8	1	0	3470	0	177	0	4	1	16	3	8	608425	19	1

[illegible]

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5420	1	3035	0	0	0	0	0	534	0	0	0	0	0	0	0	0	436439	0	0
2400	18	4384	1	0	2	1	0	1210	0	170	0	1	1	31	0	0	412709	82	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1353	15	4514	6	0	16	1	0	3749	0	3	0	2	53	7	0	0	38413	0	1
4431	62	9700	6	0	85	1	1	1808	0	851	0	16	3	30	1	6	33273	7	1
1902	10	5676	70	0	31	1	0	7456	0	18	0	1	1	6	0	0	91730	2	1
1209	266	3776	0	0	1	0	0	2835	0	400	0	0	1	0	0	1	26613	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1486	0	1752	1117	0	0	0	0	4194	0	141	0	137	104	0	0	0	1655867	0	176
14946	287	14849	3	0	1	1	0	4001	0	338	0	3	1	82	1	2	7		

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

4	1	0	0	1	1	0	0	657	6	285	24	285	5	4	4385	30	28	0	3	4
1	1	2	0	1	1	0	0	461	15	375	11	371	56	55	9475	56	53	0	16	17
0	0	0	0	0	0	0	0	849	0	214	565	214	1036	53	20475	20	23	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	0	320	0	187	10	186	16	13	716	12	19	0	7	6
8	0	0	0	1	1	0	6	590	38	349	34	351	9	46	8331	4	27	13	14	14
0	0	0	0	0	0	0	0	718	1	787	196	777	217	7	3698	3	49	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	0	196	21	80	0	79	1	1	2877	35	19	0	17	17
0	0	0	0	1	1	0	0	30	0	43	1	43	14	1	1123	2	1	0	0	0
0	7	11	1	1	1	0	0	701	20	685	47	688	942	328	19201	172	115	6	11	11
0	0	4	9	0	0	0	0	436	7	478	23	479	166	48	10878	87	74	0	0	0
0	0	10	0	1	1	0	0	157	2	244	10	241	47	16	3542	89	168	11	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	1515	0	549	0	548	32	1488	9965	1390	576	0	48	47
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5	0	0	3	1	1	4	0	243	0	259	13	259	1	345	43513	924	1269	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	1	1	210	1	1	0	0	94	1	20	2	19	1	1267	12173	5	4	3	0	0
0	32	0	24	2	2	0	0	22	1	6	4	6	2	69	3384	14	5	1	3	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	0	618	0	606	153	607	1	0	10602	0	1	0	359	355
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	1	0	96	3	38	8	39	1	3	1812	46	21	0	200	204
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
14	6	0	26	1	1	8	0	823	16	634	24	636	121	1628	43959	73	61	5	6	9

0	0	0	93	0	0	0	0	1557	0	231	22	230	0	714	17967	18	12	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	409	1	1267	9	1267	0	0	10161	30	20	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	400	21	165	40	165	1	1	2494	3	7	0	9	9
1	33	2	9	1	1	0	0	267	30	370	45	369	103	85	16789	93	141	3	39	40
0	0	0	0	20	22	0	0	55	1	69	10	69	1	2	2571	9	7	0	7	13
1	0	0	0	1	1	0	0	431	1	2143	11	2138	3	1	3908	28	22	0	11	16
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	0	2	1	1	0	5	45	22	91	6	90	52	326	8511	5	5	0	0	0
0	4	0	0	1	1	0	21	253	80	169	191	169	28	234	18282	15	8	0	142	165
0	1	0	0	1	1	1	0	70	0	43	4	43	0	243	8176	9	13	0	0	0
0	18	0	0	1	1	0	0	465	136	291	106	295	242	666	8254	62	67	1	37	44
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	68	0	23	0	0	0	0	237	0	733	1	728	14	265	8011	72	82	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	102	137	226	0	226	0	0	3157	263	20	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	132	0	126	2	127	4	1	1479	2	2	0	19	0

[illegible]

0	0	1	1330	1	0	0	0	2	6	0	0	2	0	3	0	2677	1673	0	0	1
0	0	4	5628	1	4	0	9	2	7	0	1	1	0	5	1	4913	3289	0	0	1
1	1	0	3509	0	0	0	0	0	185	0	0	0	0	0	0	11972	9810	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	1	387	0	0	0	0	0	65	0	0	9	0	0	0	905	463	0	0	0
0	0	1	1033	0	2	0	9	2	166	0	0	0	0	0	0	3557	1592	0	0	1
0	0	673	7330	0	0	0	0	0	125	0	0	0	0	0	1	7834	4463	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	1	364	143	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	1264	507	0	0	0
0	0	1	279	10	43	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	659	294	0	0	0
21	0	427	3327	1	55	0	10	1	2	14	1	12	0	55	22	2499	1179	2	2	1
0	0	1	976	1	66	0	0	35	23	0	0	0	0	4	0	4074	2439	0	0	0
0	0	2	1453	1	8	0	0	0	1	0	0	0	1	0	0	1681	1032	0	0	0
0	1	1284	4827	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	4957	3311	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	1	405	2	1	0	19	1	1	0	3	35	9	302	0	13133	9610	0	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	1	1518	1	2	0	5	1	1	1	0	127	9	28	1	601	193	2	2	1
0	0	1	437	1	1	0	8	12	13	0	0	0	0	12	0	587	230	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	1110	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	5349	3135	0	0	206
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	1	197	1	5	0	0	0	0	0	8	0	0	3	4	1572	916	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	14	5740	1	45	0	7	10	56	10	1	0	0	22	1	7775	4102	1	1	0

[illegible]

[illegible]

[illegible]

0	25	26	0	2	0	9	0	0	21	0	21	1	145	1	225	0	1	0	0	2
0	219	219	0	12	0	10	1	1	260	1	260	17	44	1	284	0	1	1	0	1
0	84	82	0	0	0	0	0	0	218	125	218	0	554	0	397	0	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	16	16	0	0	0	0	0	0	22	0	22	1	216	0	18	0	0	0	0	0
0	6	7	0	8	0	0	0	0	57	0	57	1	267	1	108	0	1	0	0	1
0	1	1	0	36	0	0	0	0	829	230	829	711	17	0	1	0	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	1	0	0	0	0	0	0	36	0	36	1	18	47	455	0	1	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	13	0	13	1	2	0	306	0	0	0	0	0
17	4	4	0	105	0	0	5	5	44	1	44	0	5271	1	11	0	1	9	0	1
0	4	1	0	48	14	0	0	0	92	1	92	1	11776	1	1	1	3	128	0	2
0	6	6	0	17	8	0	0	0	32	1	32	1	5633	1	6	0	83	1	0	1
0	0	0	0	1	0	0	0	0	697	0	697	0	5147	0	0	0	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
18	174	175	0	4	0	7	0	0	8	1	8	1	1	1	398	0	259	0	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
8	4	3	2	6	3	7	0	0	12	1	12	1	1	1	28	0	1	0	0	12
0	72	73	0	5	0	0	0	0	9	1	9	1	42	1	94	1	1	0	0	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	0	0	0	0	173	0	173	0	5562	0	294	0	758	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11	16	16	0	6	0	0	0	0	22	0	22	1	8	1	82	0	1	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	28	29	0	52	0	10	0	0	44	0	44	1	107	1	51	5	1	1	4	2

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

1	1	0	189	36	5	47	1	38	6	2767	0	65	258	39	23	5	0	0	6	0
78	19	1	172	99	28	63	1	165	39	5178	0	142	117	56	99	148	0	0	6	0
0	0	0	1	0	0	0	0	0	0	6042	0	1	16	1	647	344	0	0	1	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11	0	19	9	1	1	0	0	0	4	416	0	26	55	0	92	54	0	0	16	0
1	1	281	227	2	10	27	8	3	15	3792	0	294	124	32	175	86	26	0	12	0
1456	59	58	28	0	15	91	1	0	0	873	0	1	1	2	1138	665	0	1	9	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5	0	9	90	0	0	0	1	0	29	1310	0	1	0	0	182	2	0	0	6	0
1	0	0	10	0	1	0	0	0	1	254	0	1	1	14	4	2	0	0	4	0
1	0	48	24	3	3	19	1	1	184	2351	8	1266	4	103	242	417	44	14	15	14
1	1	8	236	8	253	2	0	9	50	489	0	551	18	240	198	222	1	0	4	0
4	0	8	259	2	80	1	1	108	40	296	1	38	2	49	410	54	0	1	29	1
0	0	0	0	1	0	0	0	308	1	5339	1	2720	1575	0	529	659	0	0	11	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	1	8	29	116	3	84	178	30	4756	0	320	610	111	308	10	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	2	2	1	1	1	1	1	82	261	95	2030	3	217	1	20	0	0	1	0
1	0	1	9	15	73	5	0	18	32	319	0	101	1	72	16	14	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	288	337	0	0	0	1583	6122	0	1	0	1	64	1	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
4	0	1	6	45	5	56	0	1	109	1029	0	4	12	20	36	74	0	0	5	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	1	3	236	35	20	71	1	4	27	459	0	260	43	37	69	152	39	14	523	14

113	0	0	678	0	233	0	0	83	0	2691	0	308	274	558	210	39	0	0	0	0
0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	46	0	1	0	0	1	0	0	0	22	0
13	2	111	26	13	3	0	0	0	2	35	1	1	121	0	55	10	0	0	6	0
3	0	938	59	1	16	4	1	41	72	2250	3	578	19	56	644	64	9	6	104	6
1	0	1043	8	8	2	24	1	33	7	3271	1	23	7	24	148	14	3	0	4	0
8	1	490	40	6	4	24	2	8	5	7039	0	1	329	8	89	3	0	0	206	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	50	13	2	143	1	0	1	4	4	0	122	0	36	163	3	0	0	16	0
1	1	18	106	21	176	18	0	47	29	145	0	945	1	292	81	33	0	0	31	0
1	0	5	4	8	195	1	1	23	11	61	0	145	1	81	79	3	0	0	5	0
1	0	3	61	25	2	65	1	1	404	878	0	322	1	112	62	115	0	0	33	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	6	0	2	11	22	0	0	1	96	0	4	53	2	85	27	0	0	132	0
0	0	0	1	0	0	240	1	1	0	43	0	100	8	0	127	189	0	0	1	0
58	1	0	0	0	0	0	0	0	0	1	0	0	0	0	66	13	0	0	17	0

93	1	0	0	0	75	0	0	0	1	28	0	35	50	1	56	17	0	5	247	5
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	16	0	2	0	0	0	2	44	0	16	14	1	142	16	0	0	15	0
8	1	1	22	6	69	47	0	11	8	215	0	110	1	52	135	22	0	0	10	0
1	0	0	2	0	15	0	0	0	0	26	0	2	1	45	67	2	0	0	30	0
20	11	0	0	0	26	0	127	1	0	219	0	274	1	0	1806	210	0	0	28	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	74	152	308	2	50	1	5	669	3923	0	732	58	104	19	558	17	0	44	0
1	0	27	44	49	2	74	1	1	226	1734	0	104	11	39	13	25	4	1	11	1
1	1	15	62	415	53	59	1	5	123	2401	0	258	10	63	5	20	0	0	5	0
0	0	73	44	31	61	0	0	0	70	206	0	35	1	0	3	11	2	0	17	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	35	575	204	1	9	1	1	1222	3689										

[illegible]

6	1	534	0	0	15	2	0	2	1	0	0	6	11	0	0	1	1	0	674	68
6	0	1737	6	0	7	79	1	79	4	11	0	44	318	0	15	17	5	2	781	28
1	0	7952	0	0	0	0	0	0	0	3	0	0	874	0	0	4	0	0	577	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	1	78	0	0	3	5	0	5	0	0	0	7	11	0	0	12	7	0	249	35
12	2	2932	0	9	11	1	0	1	0	1	0	54	41	0	0	0	0	0	1609	114
9	1	549	4	0	0	138	1	138	5	28	0	106	1651	1	47	330	70	2	2759	69
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
6	1	399	0	0	1	1	0	1	0	1	0	1	1	0	3	2	1	0	1027	1
4	1	27	0	0	0	1	0	1	0	0	0	1	1	0	1	2	0	0	143	0
15	0	7003	2	0	0	1	8	1	17	18	2	5427	3215	0	1	13	8	0	417	5
4	0	3174	0	0	0	2	0	2	54	0	0	136	37	0	2	1	1	0	832	30
29	1	599	0	0	0	25	0	25	9	6	0	16	24	0	12	2	0	0	432	1
11	0	3085	0	0	1	0	0	0	0	3	0	0	0	0	0	142	6	0	1328	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	40	0	0	40	20	0	20	0	1	0	14	2	0	0	0	0	0	1244	2
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	252	0	0	1	22	0	22	1	1	1	834	621	0	1	2	1	0	57	1
0	0	192	0	0	0	0	0	0	3	0	0	37	16	0	2	1	1	1	100	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	1558	0	0	0	48	0	48	0	0	0	476	417	0	0	0	0	0	2220	336
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5	3	49	0	0	0	0	0	0	0	2	0	1	1	0	3	2	1	0	357	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
523	11	6965	6	0	1	2	0	2	0	4	0	373	1015	0	2	0	0	0	3003	98

[illegible]

[illegible]

57	4275	0	40	1136	56	2	4192	15	79	18	20	1	1241	0	1006	1	0	1
337	29829	0	15	4835	52	4	16265	13	143	51	16	1	3919	4	2760	1	0	1
2592	42212	0	5	30659	138	0	35346	351	3859	793	45	0	9563	0	7118	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
17	349	0	62	383	32	0	5429	3	10	21	48	1	458	0	1056	5	0	1
85	7459	9	39	3106	29	3	5260	2	10	55	80	12	6293	0	11938	270	0	6
3	5327	1	1	1161	7	1	9369	1	19	202	1	0	1838	0	1906	39	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
37	3425	0	2	674	110	0	1765	0	0	72	0	1	1427	0	681	0	0	68
4	4273	0	3	730	13	1	1245	0	27	56	1	0	902	0	639	16	0	1
339	69816	11	2978	213424	1827	747	113793	1011	2558	1093	592	1	76808	4	90027	498	13	3
79	23486	0	245	50470	433	56	6392	594	142	179	247	0	32902	0	10887	102	0	3
46	7311	2	13	9776	96	7	6186	6	21	119	41	1	2673	0	1602	99	0	12
62	4803	5	8	594	50	0	43870	0	0	8	43	0	1683	0	5311	1	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2169	7830	0	25	32289	3037	3	2935	9434	38343	19	2	1	1998	0	20849	1	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2713	32154	1	81	15084	7948	31	26245	395	87486	333	6	0	22588	1	30154	9	0	4
320	13211	1	3	5433	142	2	6344	32	160	12	11	0	3152	0	3493	23	0	23
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
45	7979	0	246	4418	1565	0	13762	1	2083	176	56	0	4017	0	2307	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
69	1814	0	1	203	30	1	1808	3	41	11	3	1	1146	0	858	1	0	8
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1342	17362	6	367	19154	182	7	28517	59	135	537	789	2	21976	11	46339	85	0	1

22	11038	0	19	14637	503	1	7410	0	998	59	188	0	7182	0	10426	1	0	0
308	9244	0	395	7958	0	0	22931	0	0	4	0	0	2276	0	4605	0	0	0
0	466	2	0	230	76	2	1724	4	37	44	1	5	476	0	456	0	0	0
106	5252	0	278	6075	74	16	37446	4	27	309	711	3	5484	3	5079	10	0	4
8	10508	0	14	3264	13	0	836	5	82	3	3	0	453	0	684	1	0	0
5	5452	0	10	1371	26	1	2600	8	62	6	1	1	635	0	891	1	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
80	7607	0	76	13675	213	1	4310	6	104	44	91	0	11060	0	6137	1	0	0
947	25027	0	25	18014	51	0	2991	18	180	31	58	1	18618	0	10010	32	0	2
348	9882	0	0	15541	197	0	1820	63	287	7	16	1	3979	0	5666	1	0	1
548	20060	0	7	7175	225	5	14828	10	199	68	50	3	12698	6	5705	115	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
102	4218	1	113	4970	703	31	57183	28	77	727	28	0	2992	0	3243	59	0	0
0	5559	0	0	2295	893	0	9464	0	1624	298	0	0	2174	0	2919	0	0	0
1	16	0	2	248	58	0	3822	1	0	26	1	1	591	0	441	0	0	0

4	1158	2	1	1726	455	2	7591	1	46	235	2	3	3191	0	2411	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
213	3764	0	233	10580	778	1	5006	15	37	134	97	1	5858	0	3958	98	0	1
919	27749	0	54	8960	460	0	2695	6	43	51	33	0	12095	7	13769	32	0	0
160	6189	1	2	14444	292	1	3042	6	63	46	58	1	4352	0	5975	7	0	0
0	5642	0	1	4422	796	0	10239	61	27	26	31	1	5269	0	6854	116	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
305	11747	0	88	2690	66	71	23204	32	123	153	974	140	43998	1	4725	10	0	4
575	6016	0	8	1128	22	12	4126	5	43	26	105	111	7825	0	6551	21	0	1
690	12354	0	5	995	18	3	1352	11	150	6	25	47	2176	0	1270	2	0	0
35	1182	0	8	634	416	35	1153	365	1	106	139	0	2347	1	1370	13	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1802	11858	1	274	13361	199	151	69104	19	148	28	450	27	52034	0	14482	97	0	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1097	38121	0	34	4646	48	11	8186	12	232	43	184	7	13538	0	10593	78	0	4
1	3969	0	0	320	194	45	5375	1	13	123	242	1	3962	0	624	318	0	2

NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1776	4568	1	4	25362	46119	0	48807	95	1498	1675	124	0	88931	289	66814	1107	0	117
3461	21380	0	182	72237	538	3	9454	29	83	69	46	1	51538	8	180056	1372	0	2
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
22	2946	0	10	794	8	0	4026	2	17	16	50	3	1826	0	1754	2	0	1
2442	15087	0	8	6007	118	65	20665	23	440	148	241	9	16257	1	12302	22	0	1
207	5032	0	77	5376	90	4	8783	19	59	67	191	2	5552	0	17354	38	0	3
214	31450	0	39	31437	67	12	9046	1	0	64	0	18	25008	0	46848	487	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
650	15315	0	23	16218	176	1	2444	1	325	56	0	214	24301	0	35986	228	0	0
2290	30224	1	307	8903	267	36	32251	121	1965	52	314	169	12308	0	7996	13	0	1
458	5359	0	14	1875	81	20	8076	14	265	54	64	77	7568	3	6203	13	1	1
583	14230	0	76	32687</														

[illegible]

[illegible]

[illegible]

10	17735	1	667	1	257	2	1	24339	2	1	62	0	0	0	0	0	0	123
55	44428	7	2238	82	351	1	21	77612	9	0	166	7	7	0	3	11	3	128
0	72310	1	1801	0	3992	0	1	163572	0	0	643	0	0	0	0	0	0	1437
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3	8414	0	160	82	627	91	5	3012	0	0	44	0	0	0	7	0	0	89
3	29424	26	981	2	17476	1750	13	49711	6	0	145	0	0	0	11	7	0	1302
48	20009	1	443	535	2798	19	1	23239	1	0	206	55	55	0	0	16	1	253
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	18944	1	150	3	575	4	1	13979	0	0	24	0	0	0	0	0	0	124
0	9610	0	267	6	369	0	2	14204	6	0	23	0	0	0	0	1	0	85
148	591593	149	23991	2	9868	10	33	65217	8	3	18326	0	0	3	0	15	13	4494
14	133242	20	6218	1	2269	1	133	44586	1	0	5242	0	0	0	0	1	0	803
18	27698	2	1070	4	1315	1	11	30081	0	1	411	1	1	0	0	1	0	146
54	70484	1	1621	6	81	0	772	15052	0	0	35	0	0	0	0	0	0	35
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11	54143	789	6310	1	3626	1	1358	102738	11	0	189	1	1	0	0	1	0	509
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
32	66692	550	12945	1	3010	1	447	5900	1	2	690	6	6	7	0	17	0	1112
21	41114	71	2344	1	444	1	5	26930	0	0	245	0	0	0	0	0	0	272
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	91926	0	4842	105	922	0	1	46634	0	0	449	0	0	0	0	0	0	1977
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2	60400	7	517	1	1749	26	1	19217	4	0	39	2	2	0	0	0	0	82
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
162	201838	49	9077	1	39323	23	134	151282	9	4	1789	0	0	0	1	35	3	3109

[illegible]

	2	12794	93	85	1	1249	118	8	15863	8	0	97	0	0	0	0	1	0	393
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
41	15909	52	1071	1	1647	14	25	8363	0	0	347	0	0	0	0	0	0	0	376
82	50482	7	1832	1	5159	151	16	30710	5	0	129	2	2	0	0	0	0	11	909
37	29892	12	3040	1	5468	1	28	13791	4	0	168	0	0	0	0	0	0	0	387
190	23702	0	673	50	6490	109	135	21121	0	0	340	0	0	0	0	0	0	0	385
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
544	56232	44	1828	6	249	1	3	26080	10	0	924	0	0	0	0	8	30	2	99
425	23032	2	559	8	430	5	3	10946	4	0	127	0	0	0	0	2	42	1	87
232	17619	15	677	15	83	1	2	9608	6	1	82	0	0	0	0	1	17	0	46
50	26605	6	386	0	413	0	9	2367	0	0	103	0	0	0	0	0	0	0	382
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
189	54456	23	3948	10	2107	52	21	19866											

[illegible]

[illegible]

[illegible]

1	0	25	48	1070	0	1078	1198	195	4	2186	14	2186	74	213	0	220	0	1
7	0	154	695	5218	15	5231	5549	812	10	5090	47	5090	210	402	0	422	0	3
28	0	53	1314	18864	0	18915	15997	4516	0	8947	439	8947	0	1203	0	1148	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
7	0	5	2	81	0	81	99	47	0	841	4	841	7	113	0	117	0	1
5	0	23	55	1015	0	1021	543	261	4	8552	95	8552	72	745	0	769	0	23
1	0	37	55	664	7	664	313	225	0	1866	12	1866	115	194	1	200	0	53
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	5	1	276	0	276	100	51	0	1091	12	1091	21	31	0	32	0	1
1	0	15	8	814	0	813	399	183	0	377	1	377	2	13	0	14	0	0
798	0	4508	822	12853	19	12877	266	13254	62	14993	120	14993	139	1138	1	1216	11	2
485	0	4129	780	4048	0	4048	1033	7596	13	6021	23	6021	23	1059	0	1087	9	1
80	0	1113	667	1144	1	1149	593	927	0	1285	17	1285	1	132	1	138	0	1
0	0	2041	1	1369	0	1360	1925	4800	0	6288	655	6288	81	99	0	103	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
595	4	4749	464	15343	14	15401	2498	7887	185	4114	11	4114	64	140	0	146	4	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2213	19	1020	1820	34143	111	34087	136	24733	96	3900	48	3900	34	63	1	89	3	31
12	0	76	156	2512	0	2521	775	741	4	1415	36	1415	1	373	0	378	0	5
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	1	0	1469	0	1474	2453	400	0	4624	1004	4624	0	726	0	690	0	199
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	2	26	145	673	0	678	724	442	0	2638	8	2638	5	245	0	249	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
21	0	538	1253	7052	1	7089	2558	2840	11	11646	123	11646	119	1080	1	1123	0	41

[illegible]

	1	0	25	1	204	1	204	117	133	0	1782	36	1782	13	262	0	267	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	0	210	123	1386	0	1385	322	495	18	2298	143	2298	7	263	0	294	0	1	
2	0	130	308	5737	0	5748	1529	859	0	4435	113	4435	13	392	1	399	1	2	
69	0	351	1503	7364	0	7363	3258	2590	0	1984	86	1984	1	72	0	74	0	1	
0	0	131	274	2631	0	2658	1307	1090	0	3506	70	3506	1	248	0	256	0	1	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
25	0	153	26	1790	1	1795	4206	549	14	10944	327	10944	319	2369	1	2405	2	1	
2	0	16	7	542	0	546	856	175	3	4120	95	4120	256	609	1	632	2	4	
10	0	25	94	1455	0	1458	5362	494	9	1896	28	1896	149	320	0	328	4	1	
60	0	35	56	253	0	249	88	402	35	1511	8	1511	1	381	0	531	1	1	
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
144	0	106	125	1739	0	1746	4517	891	25	16645	1192	16645	851	3935	1	3998	4	115	</

[illegible]

[illegible]

[illegible]

2	29	87	0	283	0	63	19	1562	28	728	0	0	2	1	0	2	114	0	1
15	67	297	2	604	1	427	217	7865	96	4290	0	0	13	1	0	13	166	2	1
0	1	935	0	1372	0	204	28	33551	0	4587	0	0	0	1	0	1	1	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2	32	74	0	177	0	1460	7	351	5	65	0	0	0	1	0	0	3	0	0
4	126	140	0	240	4	190	86	2691	12	453	0	0	11	4	0	3	39	0	0
10	620	209	0	374	0	70	562	2856	1	153	0	1	208	1	0	1	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	24	0	589	0	182	24	717	1	56	0	0	2	0	0	0	63	0	0
0	18	299	0	364	0	71	1	1426	0	292	0	0	0	1	0	16	142	0	0
42	201	4270	0	4329	0	267	30	42278	376	10407	0	0	1	28	0	128	10	11	1
17	77	2624	0	2163	0	70	73	41752	4	2203	0	0	1	8	0	44	62	0	1
2	5	977	0	797	0	74	55	35906	50	410	0	0	1	0	0	3	29	0	0
58	1	829	0	2245	0	96	700	1633	0	237	0	0	1	1	0	162	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	7	9358	0	13364	0	77	58	32970	83	13030	0	0	1	2	0	393	115	55	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11	3	14086	0	10133	1	2	7	39200	412	9699	1	0	1	16	4	1161	58	73	1
6	110	469	0	633	0	11	89	24443	225	4149	0	1	0	1	0	13	2	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	208	849	0	945	0	139	260	14112	0	5354	0	0	177	0	0	0	817	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
15	8	43	0	471	0	10	59	1975	97	1846	0	0	2	7	0	4	32	0	23
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
42	405	958	0	1435	4	27	341	14959	4	5767	0	0	3	12	0	46	39	3	1

0	0	338	0	643	0	38	353	13649	298	5435	0	0	1	0	0	0	86	0	0
0	0	816	0	2459	0	8176	0	15578	0	3780	0	0	0	0	0	0	0	0	0
0	1	32	0	140	0	74	1	544	0	24	0	1	11	0	0	1	0	0	0
25	134	445	0	703	0	102	151	2591	45	1072	0	0	9	2	0	9	11	0	0
0	1	660	0	1154	0	82	30	6429	5	1581	0	0	2	0	0	4	148	0	28
0	1	196	0	604	0	2362	17	1909	6	559	0	0	1	0	0	1	404	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	30	86	0	121	0	88	1	11798	0	1202	0	0	1	0	0	23	0	0	0
19	35	266	0	604	0	270	149	10918	1	3097	0	0	4	13	0	31	1	6	0
3	7	800	0	1357	6	35	89	10219	5	5240	0	0	0	4	0	60	16	5	0
31	40	59	0	143	0	479	140	3955	62	2236	0	0	11	1	0	13	4	1	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	81	799	0	607	0	2082	119	2994	0	823	0	0	1	0	0	26	0	3	0
0	124	529	0	653	0	1096	0	4217	327	147	0	0	0	0	0	0	0	0	0
1	0	41	0	102	0	90	30	85	0	10	0	1	13	0	0	1	0	0	0

	70	160	0	144	0	653	1	319	0	210	0	0	12	0	0	1	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	83	290	0	373	0	165	1	5807	1	395	0	0	2	0	0	0	0	0	0
7	89	192	0	455	0	59	104	4494	0	1048	0	0	7	0	0	8	20	0	1
0	5	512	0	980	0	139	33	8778	7	2465	0	0	1	0	0	75	9	0	0
0	1	295	0	484	0	178	1	3635	0	234	0	0	29	0	0	0	45	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
26	70	168	3	487	0	268	265	21043	96	3438	0	0	5	60	3	21	11	4	1
4	11	60	0	164	0	553	52	3213	11	1720	0	0	1	5	0	9	10	2	1
2	2	93	0	250	0	104	82	14215	102	4685	0	3	1	4	0	18	58	2	1
0	11	112	0	109	0	138	22	4145	1	662	0	0	0	0	0	1	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
100	141	149	0	301	0	270	409	12043	73	6718	2	0	1	50	0				

[illegible]

[illegible]

227	0	0	0	0	2404	66	0	0	0	0	0	2197	0	278	0	26	1	53	60
288	0	0	0	12	6191	18	1	1	0	0	0	7054	1	259	0	1	1	272	287
0	0	0	0	40	29327	0	0	0	0	0	0	9800	0	1136	0	1	661	1222	1074
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9	0	0	2	0	895	18	0	0	0	0	0	1353	0	60	0	14	6	331	357
133	0	10	0	0	6226	58	4	3	0	0	11	2744	0	472	0	138	48	183	190
0	0	0	8	1	6887	0	0	0	0	0	0	1970	0	156	0	32	10	24	25
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
76	0	0	0	0	556	8	0	0	0	0	0	2153	0	126	0	194	1	65	68
3	0	0	0	0	1543	0	0	0	0	0	0	982	0	61	0	0	1	34	36
1	0	0	25	52	1615	2	0	0	0	0	0	121430	66	3911	60	231	624	19130	22085
1	0	0	1	18	8799	5	0	36	0	0	0	25804	0	1440	0	229	16	6303	8395
3	0	0	3	1	7472	7	0	0	0	0	0	5034	0	495	0	53	3	596	899
0	0	0	0	0	1453	0	0	0	0	0	0	23231	0	2595	0	1179	11	1768	1569
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
2	0	4	49	10	24287	2	0	0	1	3	0	24530	8	28	7	1	1	1448	1831
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	664	67	13656	1	0	0	0	0	0	27699	30	2	5	1	2	1565	3296
1	0	0	0	4	1787	1	0	4	0	0	0	3339	0	26	0	1	1	146	158
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	0	0	0	3922	0	0	0	0	0	0	10174	0	1104	0	391	0	1653	1005
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
28	0	0	0	0	1693	6	0	0	0	0	0	1003	0	59	0	1	10	110	118
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
9	0	0	0	24	38124	24	0	2	0	0	0	32078	6	1016	6	170	54	6913	7300

[illegible]

19	0	0	0	0	2201	0	0	0	0	0	0	1419	0	1	0	145	36	47	18
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	0	0	0	4077	0	0	0	0	0	0	7043	9	68	0	23	23	1645	1712
17	0	0	0	7	3670	9	0	2	0	0	0	4644	0	391	0	71	7	371	388
0	0	0	1	1	13880	0	0	0	0	0	0	7407	40	14	0	0	1	324	320
14	0	0	0	0	9501	0	0	0	0	0	0	6454	0	94	0	0	4	111	81
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
308	0	0	0	12	3659	39	2	0	0	1	2	27213	14	6088	4	623	139	2654	2761
160	4	0	0	3	1982	15	1	0	0	0	0	20375	1	2437	2	1322	181	1328	1389
236	0	0	1	5	3017	10	0	0	0	0	0	9841	1	1413	0	727	86	612	637
46	0	0	1	0	2356	0	0	0	0	0	0	4767	0	201	0	170	8	489	607
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
31	0	0	3	50	10601	28	0	1	0	0	0	20407	0	1817	3	37	35	982	1040
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
75	4	0	0	4	32416	27	3	0	0	0	0								

[illegible]

[illegible]

[illegible]

3	3	21	0	0	0	0	0	10	260	0	0	21	56	21	56	16	56	20	0	25
1	3	4	3	0	4	9	0	15	319	0	0	132	59	135	59	17	59	36	0	90
0	12	1	0	0	0	1	0	0	43	0	0	44	676	44	679	177	676	1	0	16
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	2	10	3	0	3	0	0	0	90	0	0	8	27	8	27	12	27	5	0	13
0	3	1	2	0	2	1	0	4	247	0	7	83	54	82	54	3	54	18	0	25
1	12	1	0	0	0	0	0	71	34	0	0	46	46	46	46	52	46	1	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	68	0	0	0	0	0	0	18	0	0	13	26	13	26	37	26	0	0	11
0	1	77	0	0	0	0	0	0	0	0	0	10	8	10	8	9	8	10	0	16
4	205	4	36	0	50	59	4	21	232	0	8	89	6896	88	6896	760	6896	829	0	1646
10	4	9	0	0	0	15	0	44	387	0	0	17	1592	17	1592	86	1592	53	0	145
0	11	6	2	0	5	10	22	0	296	0	0	20	177	20	177	56	177	2	0	25
1	329	1	0	0	0	29	0	0	27	0	0	591	61	593	61	129	61	24	1	778
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3	2	1	0	0	1	53	0	2	945	0	0	2	26	2	26	43	26	1818	3	1219
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN																	

[illegible]

	2	1	16	0	15	1	0	0	5	0	0	92	67	91	67	39	67	1	0	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1	1	0	0	0	0	0	0	8	0	0	29	214	29	214	54	214	14	0	33
0	4	2	0	3	0	0	0	2	17	2	0	64	88	64	88	37	88	34	0	183
0	1	0	0	0	0	0	0	0	9	0	0	5	143	5	143	95	143	5	0	364
0	157	0	0	0	0	0	0	0	56	0	0	112	120	112	120	51	120	47	0	52
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
3	11	110	5	0	6	10	1	12	427	0	0	14	2354	14	2357	42	2354	25	0	79
0	1	9	1	0	1	4	0	5	42	0	2	25	149	24	149	8	149	21	0	55
4	1	12	0	0	0	10	0	21	87	0	0	3	65	3	65	18	65	37	0	120
4	9	1	1	0	1	12	0	0	31	0	0	144	234	145	234	144	234	188	0	296
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
12	22	64	4	0	4	16	0	4	511	0	16									

	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	0	646	1	0	0	0	0	0	173	0	0	40	213	39	213	796	213	431	0	424	
	0	10	4	4	0	5	19	0	12	351	0	0	307	387	308	384	114	387	131	8	807
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	0	12	60	0	0	0	15	0	4	186	0	0	49	29	49	30	7	29	53	0	37
	0	1	6	3	0	3	18	0	19	561	0	8	5600	535	5662	535	377	535	294	0	622
	0	2	32	0	0	0	12	0	3	452	5	0	262	108	261	108	43	108	28	0	59
	3	7	0	0	0	0	0	0	0	598	0	0	272	469	273	468	22	469	0	0	902
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
	14	1	56	0	0	0	11	0	0	446	0	0	201	345	202	348	152	345	339	0	1318
	1	22	70	3	0	4	36	0	9	563	0	0	332	1286	334	1286	304	1286	1422	0	1327
	1	1	7	0	0	0	5	2	1	55	0	0	787	209	803	209	28	209	266	0	262
	0	0	51	0	0	0	0	0	0	331	0	0	470	91	472	90	186	91	206	0	932
	NaN	NaN	NaN	NaN																	

[illegible]

25	22	317	9	204	0	184	0	2	10	1	3	21	17	362	0	0	191	0
89	3	218	1	162	0	95	0	2	101	0	102	8	39	90	0	1	472	0
16	158	1351	0	806	1	364	0	0	1439	0	0	0	88	752	0	0	1203	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
13	85	305	20	285	0	346	0	0	652	0	139	62	301	831	0	0	70	0
25	8	337	6	349	0	511	4	641	131	0	4	188	81	2729	0	5	185	0
1	2	153	0	238	0	78	0	67	139	0	585	161	74	1710	0	0	112	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
11	1	110	0	30	1	68	0	476	41	0	8	426	27	831	0	0	86	0
16	8	27	0	58	0	18	0	0	28	0	2	1	5	274	0	0	71	0
1658	338	10168	11	6943	6	1157	4	0	357	0	1	4	30	1715	0	1	18084	14
144	171	3658	74	1680	1	366	0	0	52	91	4	1	52	382	1	0	4405	9
25	38	517	3	401	0	194	4	0	24	0	22	26	5	896	0	0	463	0
775	4	3504	0	1097	0	1381	0	0	947	36	289	484	338	1228	0	0	3185	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1220	13	101	1	210	0	186	15	0	6	0	1	0	1	0	0	0	8338	3
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
46318	6	38	0	202	0	369	33	1	1	1	1	0	3	145	0	2	83523	7
244	18	105	0	61	0	63	2	1	22	0	2	17	33	54	0	0	1003	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
15	27	842	0	995	0	1035	1	574	493	0	0	1210	53	654	0	0	3965	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
5	8	37	1	33	0	39	2	1	6	0	5	27	1	151	0	0	208	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
417	139	6142	56	3339	0	1569	19	83	381	1	2	11	745	159871	1	30	2324	1

[illegible]

[illegible]

[illegible]

2	0	7611	6	1	59	0	481	0	1	0	1	1	0	8	21	8	0	0	0	0
19	9	15247	5	1	345	0	299	0	1	1	1	9	5	15	4	16	0	0	0	1
0	0	84004	10	0	932	0	428	0	0	0	0	0	0	1	2848	19	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	0	5428	0	0	4	0	70	0	0	0	0	3	0	5	57	79	0	0	0	0
1	0	11055	5	0	62	0	340	0	11	0	0	10	0	38	85	50	0	0	0	0
0	0	11315	1	0	33	0	97	0	47	0	0	89	26	0	1	0	0	0	0	1
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	0	3480	0	0	1	0	103	0	0	0	0	0	0	0	20	26	0	0	0	0
1	0	2790	1	0	13	0	235	0	0	0	0	0	0	0	24	7	0	0	0	0
2435	16	411742	273	7	1740	0	14	0	1	1	4	1	7	392	378	91090	0	5	7	0
1625	0	96659	2	1	479	0	150	0	0	1	0	0	3	68	40	16662	0	9	0	15
63	0	21459	0	0	81	0	15	0	0	0	0	1	2	10	12	499	0	0	0	0
1	0	99936	22	0	37	0	1	0	0	0	0	0	0	0	1260	48	0	1	0	7
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1691	20	83059	2	10	1772	0	7	0	1	1	0	1	7	1	1	39	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
10919	8	131021	611	4	767	0	1	0	7	1	0	1	3	2	2	246	0	0	0	0
80	0	32589	4	0	22	0	6	0	0	2	0	0	2	0	3	32	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
968	0	52724	0	0	288	0	749	0	0	0	0	0	0	0	0	259	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
16	0	4158	0	2	73	0	47	0	1	0	0	1	0	0	2	0	0	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
152	1	162733	5	2	671	0	125	2	1	1	0	3	7	366	454	1382	4	0	0	5

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

[illegible]

0	94	94	0	3	2	3	0	79	10410	3	577	0	849	830	282	807	0	1	0
2	517	517	16	15	60	828	4	200	38948	2	1746	0	1486	1296	1362	1474	0	1	2
0	2798	2798	0	0	0	0	0	0	52469	10	2803	0	1398	13421	2401	4041	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	196	196	0	5	0	1	0	1	2976	0	149	0	183	296	80	63	0	2	0
0	261	261	0	3	0	0	0	157	14729	1	1798	1	2793	2180	692	1290	0	1	0
6	2440	2440	1	200	6	549	0	24	6140	13	1115	8	272	292	358	805	1	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	168	168	0	0	0	1	0	2	3263	41	116	0	154	297	16	238	0	99	0
0	92	92	0	1	0	0	0	1	2215	1	458	0	23	228	92	267	0	0	0
65	2788	2788	2	1	2	1	0	2138	121090	138	6140	2	838	1419	5645	337	12	1	2
22	421	421	0	1	0	1	1	1419	52290	35	4062	1	1325	2613	2249	466	0	0	0
0	244	244	2	5	8	51	0	211	11521	5	824	0	118	546	342	339	6	1	0
54	236	236	0	0	0	0	0	1	56358	10	1520	0	179	15	145	77	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	5288	5288	2	211	2	0	2	192	90016	2	245	0	543	1012	904	129	0	1	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	600	600	16	1	2	1	4	1	27580	26	431	6	101	1165	12132	41	1	0	5
0	277	277	0	1	0	1	0	51	5571	14	1342	0	154	4537	735	167	0	1	2
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	1354	1354	0	0	0	0	0	1085	34871	0	462	1	1888	1448	97	526	0	0	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
0	365	365	0	9	0	1	0	16	4837	1	239	0	330	198	272	61	0	1	0
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN	NaN
1	501	501	0	5	0	1	2	824	70683	21	7787	7	2278	7752	11415	3000	7	1	3

Supplementary Material Table 5. ROC curves for assessing the predictive performance of abnormal and

Name	Name II	Class	Abnormal vs normal BSID	
			AUC	CI
Apgar1		Clinical	0.3	0.2 - 0.4
Apgar5		Clinical	0.2	0.2 - 0.3
Apgar10		Clinical	0.3	0.2 - 0.4
Sarnat		Clinical	0.8	0.7 - 0.9
MRI score		Clinical	0.8	0.7 - 0.9
pH		Biochemical	0.4	0.4 - 0.5
Base Excess		Biochemical	0.4	0.3 - 0.6
paCO2		Biochemical	0.3	0.2 - 0.4
Lactate		Biochemical	0.7	0.6 - 0.8
HCO3		Biochemical	0.3	0.2 - 0.4
4-androstene-3,17-dione		Steroids	0.6	0.5 - 0.8
testosterone		Steroids	0.6	0.5 - 0.8
Betaine		Hypoxia	0.6	0.5 - 0.7
Xanthine		Hypoxia	0.5	0.4 - 0.6
Lactic Acid		Hypoxia	0.6	0.5 - 0.7
Lactate		Energy metabolism	0.6	0.5 - 0.7
MIMAT0000064	hsa-let-7c-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000067	hsa-let-7f-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000067	hsa-let-7f-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0004487	hsa-let-7f-2-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000416	hsa-miR-1-3p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000416	hsa-miR-1-3p	miRNA	0.6	0.3 - 0.8
MIMAT0000098	hsa-miR-100-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000253	hsa-miR-10a-5p	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0000254	hsa-miR-10b-5p	miRNA	0.7	0.6 - 0.9
MIMAT0000443	hsa-miR-125a-5p	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0000423	hsa-miR-125b-5p	miRNA	0.8	0.7 - 1.0
MIMAT0000423	hsa-miR-125b-5p	miRNA	0.8	0.7 - 1.0
MIMAT0004605	hsa-miR-129-2-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0004594	hsa-miR-132-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000426	hsa-miR-132-3p	miRNA	0.7	0.6 - 0.9
MIMAT0000428	hsa-miR-135a-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000428	hsa-miR-135a-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000448	hsa-miR-136-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000250	hsa-miR-139-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0004598	hsa-miR-141-5p	miRNA	0.7	0.5 - 1.0
MIMAT0000434	hsa-miR-142-3p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0000435	hsa-miR-143-3p	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0000437	hsa-miR-145-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000450	hsa-miR-149-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000259	hsa-miR-182-5p	miRNA	0.6	0.5 - 0.8
MIMAT0000454	hsa-miR-184	miRNA	0.7	0.5 - 0.9

MIMAT0000262	hsa-miR-187-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000232	hsa-miR-199a-3p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0000232	hsa-miR-199a-3p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0004563	hsa-miR-199b-3p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0000682	hsa-miR-200a-3p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000318	hsa-miR-200b-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000265	hsa-miR-204-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0022693	hsa-miR-204-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000266	hsa-miR-205-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000076	hsa-miR-21-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000272	hsa-miR-215-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000275	hsa-miR-218-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000275	hsa-miR-218-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000418	hsa-miR-23b-3p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0000079	hsa-miR-24-1-5p	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0000082	hsa-miR-26a-5p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0000082	hsa-miR-26a-5p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0004501	hsa-miR-27a-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.8
MIMAT0000419	hsa-miR-27b-3p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000086	hsa-miR-29a-3p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000087	hsa-miR-30a-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000088	hsa-miR-30a-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000089	hsa-miR-31-5p	miRNA	0.8	0.7 - 1.0
MIMAT0019198	hsa-miR-3120-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0026555	hsa-miR-329-5p	miRNA	0.8	0.6 - 1.0
MIMAT0026555	hsa-miR-329-5p	miRNA	0.8	0.6 - 1.0
MIMAT0000255	hsa-miR-34a-5p	miRNA	0.6	0.4 - 0.8
MIMAT0000686	hsa-miR-34c-5p	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0000733	hsa-miR-379-5p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0002171	hsa-miR-410-3p	miRNA	0.7	0.6 - 0.9
MIMAT0003329	hsa-miR-411-5p	miRNA	0.5	0.3 - 0.7
MIMAT0019058	hsa-miR-4521	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0022259	hsa-miR-5100	miRNA	0.8	0.6 - 0.9
MIMAT0003283	hsa-miR-615-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0005948	hsa-miR-664a-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000441	hsa-miR-9-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000442	hsa-miR-9-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.8
MIMAT0000441	hsa-miR-9-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000442	hsa-miR-9-3p	miRNA	0.7	0.5 - 0.8
MIMAT0000441	hsa-miR-9-5p	miRNA	0.7	0.5 - 0.9
MIMAT0000442	hsa-miR-9-3p	miRNA	0.6	0.5 - 0.8
-	hsa-novel-25654-mature	miRNA	0.7	0.5 - 0.9

Note: AUC = area under the ROC curve; CI = 95% confidence interval; FC = fold change calculated as log2 of names and numbers: p-value<0.05 (Wilcoxon ranksum test) and FC>|2|; n.s. = non-significant (p-value>0.05 lumped together.

severe BSID-III outcomes and partial Spearman correlation coefficients with BSID-III

-III	Severe vs. non-severe BSID-III			BSID-III Language		BSID-III Cognitive		BSID-III Motor	
FC	AUC	CI	FC	R	R ²	R	R ²	R	R ²
-1.0	0.4	0.3 - 0.4	-1.0	0.3	0.10	0.3	0.10	0.4	0.12
-1.3	0.3	0.3 - 0.4	-1.0	0.4	0.14	0.3	0.07	0.6	0.3
-0.6	0.3	0.3 - 0.4	-0.3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	0.4	0.15
0.6	0.8	0.7 - 0.9	0.6	-0.4	0.2	n.s.	n.s.	-0.3	0.09
11	0.9	0.8 - 1.0	11	-0.2	0.06	-0.3	0.11	-0.6	0.3
-0.02	0.4	0.3 - 0.5	-0.03	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.1	0.4	0.2 - 0.5	0.6	0.2	0.04	0.2	0.05	0.3	0.06
-0.3	0.2	0.13 - 0.4	-0.5	0.3	0.09	0.2	0.05	n.s.	n.s.
0.5	0.7	0.5 - 0.9	0.7	-0.3	0.09	n.s.	n.s.	-0.6	0.4
-0.6	0.2	0.07 - 0.3	-1.2	0.3	0.11	0.5	0.2	0.2	0.05
1.0	0.5	0.4 - 0.7	0.5	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
3	0.6	0.5 - 0.8	3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.2	0.6	0.5 - 0.7	0.4	n.s.	n.s.	-0.3	0.10	-0.2	0.06
0.2	0.6	0.5 - 0.7	0.3	0.2	0.04	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.5	0.6	0.6 - 0.7	0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.3	0.7	0.6 - 0.8	0.9	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.5	0.8	0.5 - 1.0	0.3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.3	0.9	0.7 - 1.0	0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.3	0.9	0.7 - 1.0	0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
10	0.6	0.3 - 0.9	0.0	n.s.	n.s.	-0.3	0.11	n.s.	n.s.
0.6	0.9	0.9 - 1.0	4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.10
0.8	0.9	0.9 - 1.0	4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.2	0.9	0.8 - 1.0	1.2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.6	0.8	0.6 - 0.9	0.9	-0.3	0.11	n.s.	n.s.	-0.3	0.11
-0.6	0.7	0.5 - 0.8	-0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.4	0.6	0.4 - 0.8	-1.1	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
1.0	0.8	0.6 - 0.9	0.8	-0.5	0.2	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
1.0	0.8	0.6 - 0.9	0.8	-0.5	0.3	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
0	0.7	0.4 - 0.9	0.0	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.4	0.2
0.1	0.7	0.5 - 0.9	0.4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.3	0.7	0.5 - 0.9	-0.2	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.6 - 1.0	1.0	-0.5	0.2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.5 - 1.0	1.0	-0.5	0.2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
3	0.6	0.3 - 1.0	3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.3	0.6	0.3 - 0.8	-0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
10	0.7	0.2 - 1.1	9	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
-1.1	0.8	0.6 - 0.9	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.6	0.9	0.8 - 1.0	1.4	-0.4	0.2	n.s.	n.s.	-0.4	0.2
-0.1	0.9	0.7 - 1.0	2	-0.3	0.11	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
2	0.6	0.4 - 0.9	0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.11
-0.9	0.7	0.5 - 0.9	0.3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.9	0.9	0.8 - 1.0	2	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	-0.4	0.14

2	0.7	0.4 - 1.0	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.12
-1.2	0.8	0.6 - 0.9	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-1.2	0.8	0.6 - 0.9	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-1.2	0.8	0.6 - 0.9	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.3	0.8	0.6 - 0.9	1.3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.1	0.9	0.8 - 1.0	1.3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.10
4	0.6	0.3 - 0.9	3	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.4	0.2
2	0.6	0.2 - 0.9	0.1	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
2	0.6	0.3 - 0.9	0.9	-0.4	0.2	n.s.	n.s.	-0.4	0.14
-0.4	0.9	0.9 - 1.0	1.0	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
1.2	0.9	0.7 - 1.0	5	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.4	0.15
0.6	0.8	0.7 - 0.9	1.0	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.4	0.15
0.6	0.8	0.7 - 0.9	1.0	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.4	0.15
0.4	0.9	0.7 - 1.0	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.5 - 1.1	4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.10
-0.5	0.7	0.5 - 0.8	-0.07	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.5	0.7	0.5 - 0.8	-0.07	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
1.1	0.8	0.6 - 1.0	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.11
-0.5	0.8	0.6 - 1.0	0.4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.2	0.9	0.8 - 1.0	1.1	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-0.3	0.7	0.6 - 0.9	0.4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0.6	0.6	0.4 - 0.8	-0.8	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
1.3	0.8	0.7 - 1.0	2	-0.4	0.2	n.s.	n.s.	-0.4	0.2
10	0.7	0.3 - 1.1	9	-0.3	0.12	n.s.	n.s.	-0.3	0.12
10	0.9	0.5 - 1.3	10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
10	0.9	0.5 - 1.3	10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
0	0.8	0.5 - 1.0	1.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	-0.3	0.10
1.0	0.8	0.7 - 1.0	2	-0.4	0.2	n.s.	n.s.	-0.5	0.3
-0.9	0.7	0.5 - 0.9	0.4	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
3	0.5	0.3 - 0.8	0.6	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
-1.1	0.7	0.5 - 0.8	0.12	-0.3	0.11	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
11	0.7	0.3 - 1.0	11	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
11	0.7	0.5 - 1.0	1.0	-0.5	0.3	-0.3	0.10	-0.5	0.2
4	0.5	0.3 - 0.7	-2	-0.5	0.2	n.s.	n.s.	-0.3	0.10
3	0.9	0.7 - 1.0	5	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.7 - 1.0	2	-0.4	0.13	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
0	0.8	0.5 - 1.1	3	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.7 - 1.0	2	-0.4	0.13	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
0	0.8	0.5 - 1.1	3	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
0	0.8	0.7 - 1.0	2	-0.4	0.13	n.s.	n.s.	-0.5	0.2
-0.4	0.8	0.5 - 1.1	3	-0.3	0.10	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.
3	0.7	0.4 - 1.0	2	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.	n.s.

the ratio of median values of each group; bold
); samples collected across all time points were



DSPACE

<https://dspace.org/>

Searching molecular biomarkers correlating with BSID-III at 24 months in infants with neonatal hypoxic-ischemic encephalopathy

Cascant-Vilaplana, Mari Merce; Piñeiro-Ramos, Jose David; Soláz-García, Álvaro; Lara-Cantón, Inmaculada; Izquierdo, Isabel ...

2024-09-01

Springer

<https://doi.org/10.1007/s00431-024-05652-x>

Cascant-Vilaplana MM, Piñeiro-Ramos JD, Soláz-García Á, et al., (2024) Searching molecular biomarkers correlating with BSID-III at 24 months in infants with neonatal hypoxic-ischemic encephalopathy. *European Journal of Pediatrics*, Volume 183, September 2024, pp. 3933-3942